

Ministério da Saúde FIOCRUZ Fundação Oswaldo Cruz

Instituto Oswaldo Cruz Pós-Graduação em Biologia Celular e Molecular

## Papel do colesterol exógeno nos mecanismos de adaptação de Leishmania spp a condições de estresse metabólico e farmacológico

VALTER VIANA DE ANDRADE NETO

Tese apresentada ao Instituto Oswaldo Cruz visando a obtenção do Título de Doutor em Ciências.

Área de concentração: Biologia Celular e Molecular

Rio de Janeiro 2013



Ministério da Saúde FIOCRUZ Fundação Oswaldo Cruz

Instituto Oswaldo Cruz Pós-Graduação em Biologia Celular e Molecular

## Papel do colesterol exógeno nos mecanismos de adaptação de Leishmania spp a condições de estresse metabólico e farmacológico

## VALTER VIANA DE ANDRADE NETO

Orientador: Dr. Eduardo Caio Torres dos Santos

> Tese apresentada ao curso de Doutorado em Biologia Celular e Molecular do Instituto Oswaldo Cruz/FIOCRUZ, como requisito parcial para obtenção do Grau de Doutor em Ciências. Área de concentração: Biologia Celular e Molecular.

### VALTER VIANA DE ANDRADE NETO

## Papel do colesterol exógeno nos mecanismos de adaptação de Leishmania spp a condições de estresse metabólico e farmacológico

### Orientador: Dr. Eduardo Caio Torres dos Santos

Tese apresentada ao Programa de Pós-Biologia Graduação em Celular e Molecular Oswaldo do Instituto Cruz/FIOCRUZ, como requisito parcial para obtenção do Grau de Doutor. Área de concentração: Biologia Celular e Molecular.

Aprovada em:

### **EXAMINADORES:**

Dra. Cláudia Masini d'Avila Levy Instituto Oswaldo Cruz, FIOCRUZ

Profa. Bartira Rossi Bergmann Instituto de Biofísica, UFRJ

Dr. Rubens Lima do Monte Neto Université Laval - Canadá

SUPLENTES: Dr. Elmo Eduardo de Almeida Amaral - Revisor (IOC/FIOCRUZ) Dr. Rubem Figueiredo Sadok Menna Barreto (IOC/FIOCRUZ)

> Rio de Janeiro 2013

Este trabalho foi desenvolvido no Laboratório de Bioquímica de Tripanosomatídeos do Instituto Oswaldo Cruz, FIOCRUZ, sob a orientação do Dr. Eduardo Caio Torres dos Santos, com doutorado sanduíche na Universidade Laval, Quebec, Canadá, sob a supervisão do Prof. Marc Ouellette.

## **DEDICATÓRIA:**

A Deus que sempre esteve do meu lado, aos meus pais, orientador e amigos pelo apoio durante essa caminhada.

### **AGRADECIMENTOS:**

- A Deus por todas as oportunidades e momentos na minha vida.

- Aos meus pais, Marlene de Paiva Rodrigues e Valter Fernando Viana de Andrade, por acreditarem em mim, incentivarem e ajudarem durante todo esse tempo e a minha namorada Cíntia por todo apoio neste momento.

- Ao meu orientador Eduardo Caio Torres dos Santos pelo apoio, paciência compreensão e atenção que me foram dados e, principalmente, pelo aprendizado desde a iniciação científica até esse momento.

- Ao Prof Herbert Guedes pelo apoio, ajuda em muitos experimentos desta tese e amizade.

- À Dra. Leonor Leon e à Dra Marilene Marcuzzo do Canto Cavalheiro, por terem me recebido com todo o carinho no Laboratório de Bioquímica de Tripanosomatídeos e pelo apoio para a realização deste trabalho.

- À Profa. Georgia Correa Atella, do Instituto de Bioquímica Médica da UFRJ, por ter me dado todo o apoio na realização de vários experimentos.

- À Profa. Bartira Rossi Bergmann do Instituto de Biofísica Carlos Chagas Filho, UFRJ por ter disponibilizado o seu laboratório no período de obras, que foi importantíssimo para o término de alguns experimentos.

- À Dr. Elmo Eduardo de Almeida Amaral por aceitar revisar esta dissertação.

- Ao Prof. Marc Ouellette por ter me recebido no seu laboratório na Université Laval – Québec- Canadá, no período de doutorado sanduíche.

- Ao Dr. Rubens Lima do Monte Neto por toda ajuda nos experimetos no periodo de doutorado sanduíche, por ter aceitado participar a banda da minha tese e pela amizade.

- Ao Dr. Rubem Sadok Menna Barreto por toda ajuda nos experimetos de microscópia electronica de Transmissão.

-Ao Dr. Pedro Paulo Manso por toda ajuda nos experimentos de microscopia confocal.

- À Dra. Mirian por toda ajuda nos experimentos de microscopia eletrônica de transmissão usando a LDL-ouro.

- Ao meu amigo Edézio pelo apoio e na ajuda em muitos experimentos desta tese. Essa tese também é sua, meu amigo.

- À minha amiga Nuccia do Instituto de Bioquímica da UFRJ pela atenção em muitos experimentos importantes e pela sua amizade em muitos momentos.

- Às minhas amigas Mariela, Vivi e Lili e Gazi por todo o apoio e ajuda durante vários momentos dessa tese, muito obrigado.

- A todos os integrantes e amigos do Laboratório de Bioquímica de Tripanosomatídeos.

- Obrigado por todos os momentos de descontração e trabalho.

- Aos meus amigos dos laboratórios do Instituto de Biofísica e Bioquímica da UFRJ pela amizade e apoio.

- A todos que, de alguma forma, contribuíram para a realização deste trabalho, o meu agradecimento.

Você não sabe o quanto eu caminhei pra chegar até aqui. Percorri milhas e milhas antes de dormir, eu nem cochilei... Cidade Negra

## LISTA DE ABREVIATURAS

- LC	LEISHMANIOSE CUTÂNEA
- LM	LEISHMANIOSE MUCOSA
- LCD	LEISHMANIOSE CUTÂNEO-DIFUSA
- LDPC	LEISHMANIOSE DÉRMICA PÓS CALAZAR
- OMS	ORGANIZAÇÃO MUNDIAL DA SAÚDE
- LTA	LEISHMANIOSE TEGUMENTAS AMERICANA
- LV	LEISHMANIOSE VISCERAL
- ATP	ADENOSINA TRIFOSFATO
- GTP	GUANOSINA TRIFOSTFATO
- FDA	"FOOD AND DRUGS ADMINISTRATION
- DMC	2, 6-DIDROXI-4-METOXICHALCONA
- CYP51	P450 C-14 DESMETILASE
- LDL	LIPIPROTEÍNA DE BAIXA DENSIDADE
- VLDL	LIPOPROTEÍNA DE MUITO BAIXA DENSIDADE
- IDL	LIPOPROTEÍNA DE DENSIDADE INTERMEDIÁRIA
- HDL	LIPOPROTEÍNA DE ALTA DENSIDADE
- DHFR-TS	DIIDROFOLATO REDUTASE-TIMIDILATO SINTASE
- PTR1	PTERIDINA REDUTASE 1
- HMGCoA	HIDROMETILGLUTARIL COENZIMA A
- CG/MS	CROMATOGRAFIA GASOSA ACOPLADA AO ESPECTOMETRO DE MASSAS
- MEM	MEIO MINIMO ESSENCIAL
- PCR	REAÇÃO EM CADEIA DE POLIMERASE
- SMT	ESTEROL METIL TRANSFERASE
- MVAC	MEVALONATO CINASE
- HMGR	HIDROMETILGLUTARIL COENZIMA A REDUTASE
- SEO	ESQUALENO 2,3, EPOXIDASE

- 14DM	ENZIMA C-14 DESMETILASE
- CHO	COLESTEROL
- VP	VACÚOLO PARASITÓFORO
- SSD	DOMÍNIO SENSÍVEL À ESTEROL
- GFP	PROTEÍNA FLUORESCENTE VERDE
- ERG	ERGOSTEROL
- KBr	BROMETO DE POTÁSSIO
- SFB	SORO FETAL BOVINO
- LAN	LANOSTEROL
- DIPE	ÉTER DIISOPROPÍLICO
- SFBd	SORO FETAL BOVINO DESLIPIDADO
- TLC	CROMATOGRAFIA EM CAMADA FINA
- DMSO	DIMETILSULFÓXIDO
- FICI	ÍNDICE DA CONCENTRAÇÃO INIBITÓRIA FRACIONAL
- WT	SELVAGEM
- D.O	DENSIDADE ÓPTICA
- ALT	ALANINA AMINOTRANSFERASE
- AST	ASPARTATO AMINOTRANSFERASE
- LBqT01	MOLÉCULA NÚMERO 1- LABORATÓRIO DE BIOQUÍMICA DE TRIPANOSOMATÍDEOS

#### RESUMO

Os tripanossomatídeos não sintetizam o colesterol e sim esteróis com o esqueleto ergostano, porém um percentual significativo de colesterol exógeno é encontrado em todas as espécies de Leishmania, sugerindo um papel biológico para esta molécula. Esta tese tem como objetivo estudar a importância do uso de colesterol para Leishmania spp. em várias situações, avaliando o potencial deste sistema como um possível alvo farmacológico. A atividade dos inibidores de biossíntese de ergosterol associado com inibidores de transporte de colesterol derivado de LDL, foi avaliada em promastigotas e amastigotas intracelulares. A associação entre LBqT01 e cetoconazol, miconazol ou terbinafina mostrou sinergia. A associação entre a imipramina ou progesterona e cetoconazol ou terbinafina indicaram um efeito aditivo. O cetoconazol e miconazol demonstraram uma diminuição de até duas vezes o valor de IC50 nas formas amastigotas, quando combinado com os inibidores de transporte de colesterol. Foi observado também alteração da biossíntese de ergosterol após tratamento dos parasitos com os inibidores de transporte de colesterol, demonstrado por CG/MS. A combinação de LBqT01 e cetoconazol mostrou ser mais ativa in vivo do que cada fármaco individualmente. Estudamos também o mecanismo de resistência desses inibidores. avaliando a modulação de enzimas da via de biossíntese de esteróis e a utilização de colesterol exógeno pelos parasitos. Promastigotas de Leishmania amazonensis, Leishmania braziliensis e Leishmania guyanensis foram cultivadas com concentrações crescentes de sinvastatina, terbinafina e miconazol. Estes inibidores mostraram um índice de resistência de 2.5 - 8 vezes. A resistência cruzada também foi avaliada, com estes inibidores e fármacos de referência (miltefosina, anfotericina B e antimônio trivalente). A expressão de genes da biossíntese de esterol e utilização do colesterol exógeno entre as cepas selvagens e resistentes, foram avaliadas por PCR em tempo real e CG/MS, respectivamente. As enzimas HMGCoA e C -14 desmetilase foram as mais moduladas, independente do fármaco utilizado, variando sua expressão nas cepas resistentes. Promastigotas de L. braziliensis resistentes à terbinafina apresentaram alteração no perfil de esteróis, L. amazonensis resistente aos três inibidores e L. guyanensis resistente ao miconazol mostraram alteração da biossíntese de esteróis e aumento na absorção do colesterol exógeno. Os resultados mostram que alguns genes foram amplificados na cepa resistente em relação à cepa selvagem. Juntos estes resultados sugerem que o colesterol desempenha um papel importante na atividade e resistência aos inibidores da biossíntese de esteróis e que o bloqueio da sua utilização pela Leishmania spp. pode ser um alvo para a síntese de novos fármacos para o tratamento da leishmaniose.

### ABSTRACT

The trypanosomes do not synthesize cholesterol sterols but with ergostane skeleton, but a significant percentage of exogenous cholesterol is found in all species of *Leishmania*, suggesting a biological role for this molecule. This work aims to study the importance of use cholesterol to Leishmania spp. in several cases, evaluating the potential of the system as a possible drug target. The activity of the inhibitors of ergosterol biosynthesis inhibitors associated with transport of LDL cholesterol derivative was evaluated in intracellular amastigotes and promastigotes. The association between LBqT01 and ketoconazole, miconazole or terbinafine showed synergy. The association between imipramine or progesterone, and ketoconazole, or terbinafine indicated an additive effect. The ketoconazole and miconazole showed a reduction of up to twice the IC50 value in amastigotes when combined with the inhibitors of cholesterol transport. Change of ergosterol biosynthesis of parasites after treatment with inhibitors of cholesterol transport as demonstrated by GC/MS was also observed. The combination of LBqT01 and ketoconazole was more active in vivo than either drug individually. We also studied the mechanism of resistance of these inhibitors by evaluating the modulation of enzymes of the sterol biosynthesis pathway and use of exogenous cholesterol by parasites. Promastigotes of Leishmania amazonensis, Leishmania braziliensis and Leishmania guyanensis were cultured with increasing concentrations of simvastatin, terbinafine and miconazole. These inhibitors showed resistance index from 2.5 to 8 times. Cross-resistance was evaluated with these inhibitors and reference drugs (miltefosine, amphotericin B and trivalent antimony). The expression of sterol biosynthesis genes and use of exogenous cholesterol in the wild and resistant strains were analyzed by real-time PCR and GC / MS, respectively. The HMGCoA C and -14 demethylase enzymes were more modulated, regardless of the drug used, varying its expression in resistant strains. Promastigotes of L. braziliensis resistant to terbinafine presented changes in sterol profile, L. amazonensis resistant to all three inhibitors amazonensis and L. guyanensis miconazole resistant showed alterations in the biosynthesis of sterols and increase in the absorption of exogenous cholesterol. The results show that some genes were amplified in the resistant strain compared to the wild type strain. Together these results suggest that cholesterol plays an important role in the activity and resistance to inhibitors of sterol biosynthesis and blocking their use Leishmania spp. may be a target for the synthesis of new drugs for the treatment of leishmaniasis.

## SUMÁRIO

1- INTRODUÇÃO	1
1.1 – <i>LEISHMANIA</i> SPP.	2
1.2- LEISHMANIOSE	3
1.3- DISTRIBUIÇÃO GEOGRÁFICA	5
1.4 – TRATAMENTO DA LEISHMANIOSE	7
1.5 – BIOSSÍNTESE DE ESTERÓIS	10
1.6- INIBIDORES DA BIOSSÍNTESE DO ERGOSTEROL	16
1.7- COLESTEROL NO PARASITISMO INTRACELULAR	19
1.8- CAPTAÇÃO DO COLESTEROL VIA RECEPTOR DE LDL	22
1.9- TRANSPORTE INTRACELULAR DE COLESTEROL EM CÉLULAS DE MAMÍFEROS	23
1.10- Amplificação gênica como mecanismo de resistência em <i>leishmania</i>	25
2- OBJETIVOS	28
3- METODOLOGIA	29
3.1- MANUTENÇÃO E CULTIVO DOS PARASITOS	30
3.2- PURIFICAÇÃO DA LIPOPROTEÍNA DE BAIXA DENSIDADE (LDL)	30

3.3- Complexação das particulas de ldl com nanopartículas de ouro coloidal	31
3.4- Microscopia Confocal	31
3.5- Microscopia Eletrônica de Transmissão	32
3.6- Deslipidação do soro fetal bovino (SFB)	33
3.7- Ensaios sobre amastigotas intracelulares com ou sem fonte de colesterol exógeno.	33
3.8- Ensaios de associação de fármacos	34
3.9- Extração dos lipídeos	35
3.10- Análise dos lipídeos neutros de <i>L. amazonensis</i> e <i>L. guyanensis</i> por Cromatografia em Camada Fina (CCF/TLC).	36
3.11- Análise do perfil de esteróis por Cromatografia Gasosa Acoplada ao Espectrômetro de massas (GC/MS).	36
3.12- Indução de resistência aos inibidores da biossíntese do ergosterol	37
3.13- Análise da expressão gênica de enzimas da biossíntese do ergosterol em promastigotas de <i>L. amazonensis</i> e <i>L. braziliensis</i> por PCR quantitativo	37
3.14- Atividade da LBqT01 associada ao Cetoconazol in vivo	40
3.15- Caracterização e análise filogenética das espécies	40
3.16- Sequenciamento do genoma	41
3.17- Clonagem, subclonagem e transfecção dos Transportadores ABC	42
4- RESULTADOS	43
CAPÍTULO 1: Influência do Colesterol na atividade dos inibidores da	44

biossíntese do ergosterol

4.1 - Disponibilidade de LDL	para amastigotas intracelulares
------------------------------	---------------------------------

4.2- Regulação da biossíntese do ergosterol na presença ou ausência de fonte 47 exógena de colesterol.

4.3- Efeito da ausência de colesterol exógeno sobre a atividade antileishmania em 50 amastigotas intracelulares

4.4- Atividade antileishmania dos inibidores da utilização de colesterol associados 52 aos inibidores da biossíntese do ergosterol sobre promastigotas e amastigotas intracelulares.

4.4.1 - Efeito dos inibidores da utilização de colesterol associados aos inibidores da 52 biossíntese do ergosterol sobre promastigotas de L. amazonensis.

4.4.2 - Toxicidade dos inibidores de utilização de colesterol e dos inibidores da 57 biossíntese de esteróis sobre macrófagos peritoneais.

4.4.3 - Atividade leishmanicida dos inibidores da utilização de colesterol e 60 inibidores da biossíntese de esteróis sobre macrófagos infectados com L. amazonensis

4.5- Alteração no perfil de esteróis dos parasitos tratados com os inibidores da biossíntese do ergosterol e inibidores da utilização do colesterol

4.6-Atividade leishmanicida in vivo da associação de inibidor do biossíntese do colesterol com um inibidor do aproveitamento do colesterol exógeno.

45

63

69

CAPÍTULO 2: Avaliação do papel do colesterol exógeno e da expressão gênica	70
relacionada a resistência aos inibidores da biossíntese de ergosterol.	12
4.7-Caracterização das espécies de L. braziliensis (M2904), L amazonensis	70
(LTB0016) e L. guyanensis (M4147).	13
4.8- Indução de resistência aos inibidores da biossíntese de ergosterol em	
promastigotas de L. amazonensis e L braziliensis e L. guyanensis.	/6
4.9- Atividade leishmanicida dos inibidores da biossíntese de ergosterol em	77
promastigotas de L. amazonensis selvagem e resistentes	//
4.10-Atividade leishmanicida dos inibidores da biossíntese de ergosterol em	01
promastigotas de L. braziliensis e L. guyanensis resistentes e selvagens	81
4.11-Modulação da via de biossíntese de esteróis e utilização de colesterol exógeno	96
pelas cepas resistentes aos inibidores da biossíntese do ergosterol.	80
4.12-Análise do sequenciamento do genoma total da cepa de L. guyanensis	02
resistente a sinvastatina	93
4.13-Clonagem dos transportadores ABCG1, ABCG4 E ABCG6	99

## **5- DISCUSSÃO**

6- REFERÊNCIAS BIBLIOGRÁFICAS 117

108

# 1- INTRODUÇÃO

### 1.1- Leishmania spp.

A leishmaniose é uma doença causada por parasitos do gênero *Leishmania*, um eucarioto unicelular que pertence a ordem *Kinetoplastida* e família *Trypanosomatidae*. Estes organismos possuem minicírculos de DNA mitocondrial arranjados em uma estrutura muito característica, denominada de cinetoplasto, localizada no interior da mitocôndria única. Quinze espécies de *Leishmania* foram identificadas como patogênicas para humanos causando leishmaniose cutânea, mucosa e visceral (Reveiz et al. 2013; Stuart et al. 2008).

Esses parasitos habitam células do sistema fagocítico mononuclear, principalmente macrófagos, do hospedeiro vertebrado e o intestino do hospedeiro invertebrado, flebotomíneo (Ashford et al, 2000). A *Leishmania* spp. tem seu ciclo biológico heteroxênico, realizado em dois hospedeiros. Os hospedeiros vertebrados incluem uma grande variedade de mamíferos, incluindo humanos, roedores, canídeos. Os hospedeiros invertebrados são pequenos insetos hematófagos (apenas as fêmeas), os flebotomíneos (Neuber et al, 2008).

A *Leishmania* spp. é geralmente transmitida por 30 espécies de flebotomíneos, pertencentes aos gêneros *Phlebotomus* e *Lutzomyia*. Outros modos de transmissão, incluindo transfusão sanguínea, compartilhamento de seringa por usuários de drogas ou raramente através de acidente laboratorial são observados (Myler & Fasel, 2008).

Os parasitos do gênero *Leishmania* apresentam dois estágios evolutivos: a forma promastigota, extracelular, que é longa, com um núcleo central, cinetoplasto posicionado na região anterior do parasito e longo flagelo, e a forma amastigota, intracelular, que tem corpo elipsóide, e um curto flagelo observável apenas ultraestruturalmente. Ambos promastigota e amastigota se dividem repetidamente por divisão binária longitudinal. O ciclo da *Leishmania* spp. inicia-se quando um flebotomíneo realiza seu repasto sanguíneo no hospedeiro vertebrado, inoculando na pele formas promastigotas do parasito. Os parasitos invadem os macrófagos, com o envolvimento de receptores como o receptor de complemento que, em seguida, são clivados por proteases do parasito. Uma vez no interior de um endossoma diferenciado, chamado de vacúolo parasitóforo, os parasitos se diferenciam em amastigotas, que se multiplicam até o rompimento da célula hospedeira e infectam células adjacentes.

No intestino do inseto vetor, as formas promastigotas passam por um processo denominado metaciclogênese, que é o processo pelo qual estas formas deixam de se

2

dividir e tornam-se infectantes (promastigotas metacíclicas). As formas multiplicativas, não infectantes (procíclicas), aderem à parede do tubo digestivo do inseto vetor. Durante a metaciclogênese, as promastigotas sofrem modificações bioquímicas em sua superfície, perdendo assim sua capacidade de adesão ao epitélio do intestino médio do flebótomo. Como resultado, as promastigotas metacíclicas destacam-se, migrando para a faringe e cavidade bucal, de onde elas são transmitidas ao hospedeiro vertebrado, durante o próximo repasto sanguíneo.

O ciclo continua quando outro flebotomíneo realiza o repasto sanguíneo em um hospedeiro infectado, e ingere amastigotas, que entram no trato gastrintestinal, se diferenciam em promastigotas, e se multiplicam no intestino médio ou anterior. Após maturação, eles colonizam a porção anterior do intestino, transformando-se em formas metacíclicas, que são infectivas (Stuart et al. 2008) (Fig. 1).



Figura 1: Ciclo biológico da Leishmania spp. (Organização Mundial da Saúde, 2004).

### 1.2- Leishmaniose

A leishmaniose é uma doença infecciosa, não contagiosa, que pode acometer a pele e mucosas (leishmaniose tegumentar), ou as vísceras (leishmaniose visceral). A leishmaniose tegumentar pode, ainda, ser dividida em cutânea, mucosa ou cutâneo difusa, como descrito mais adiante. As diferentes formas clínicas dependem da espécie do parasito envolvida e da resposta imune do hospedeiro (Neuber et al, 2008). As espécies mais importantes no Brasil são *Leishmania braziliensis, L. amazonensis, L. guyanensis e L. chagasi* (Ministério da Saúde, 2011). As principais formas clínicas da leishmaniose são as seguintes: - Leishmaniose Cutânea (LC): É forma mais comum de leishmaniose, causando úlceras principalmente nas partes expostas do corpo, membros anteriores, face, ou membros posteriores, (Blanco et al, 2013). A lesão inicia-se com uma área de vermelhidão e inchaço no local da inoculação com aumento no tamanho e, após 3-4 semanas, desenvolve lesão ulcerada com bordos elevados e fundo granulomatoso (Neuber et al 2008). A LC é tipicamente causada por L. tropica, L. major e L. aethiopica, L. amazonensis, L. braziliensis e L. guyanensis (de Brito et al, 2012; Fraga et al, 2012) embora L. infantum e L. donovani também possam estar implicadas (Neuber et al, 2008). Nas Américas, as principais espécies envolvidas são as do complexo L. mexicana e do subgênero Vianna (Myler, 2008). No Brasil a principal espécie causadora da LC é a L. braziliensis. A cura da doença é observada após 6-12 meses com cicatrização e desfiguração da pele do paciente. A cura espontânea nas Américas é mais rara, porque a lesão tende a ser mais severa (Neuber et al, 2008). Cerca de 1/3 dos casos de leishmaniose cutânea ocorrem nas Américas, Mediterâneo, Oriente Médio e Ásia Central. Estima-se que de 700 mil a 1,3 milhão de novos casos ocorram anualmente. (Organização Mundial da Saúde, 2010).

- Leishmaniose mucosa ou mucocutânea (LM): Causa uma parcial ou total destruição das mucosas do nariz, boca e garganta (Daneshbod et al. 2011, Strazzulla et al. 2013). É causada principalmente por *L. braziliensis*, mas também ocasionalmente por *L. panamensis*, *L. guyanensis* e *L. amazonensis* (Fraga et al, 2012; Guerra et al, 2011). Esta forma ocorre devido à disseminação através do sangue ou vasos linfáticos, de células contendo amastigotas da pele para a mucosa nasofaringeal, culminando na sua destruição. É caracterizada por uma forte resposta imune celular, que pode estar envolvida com a destruição tissular. Muitos casos são relatados na Bolívia, Brasil e Peru (Myler & Fasel, 2008).

- Leishmaniose cutâneo-difusa (LCD): Caracteriza-se por apresentar evolução crônica progressiva, com numerosas lesões nodulares não ulceradas disseminadas pelo corpo. É usualmente uma manifestação de infecção com parasitos que normalmente causam leishmaniose cutânea localizada, associada com uma anergia específica ou perda de resposta imunológica pelo paciente (Ashford et al, 2000). É causada principalmente por *L. amazonensis*, mas também pode ser causada por *L. aethiopica* (Myler & Fasel , 2008).

- Leishmaniose visceral ou calazar (LV): É a forma mais grave da doença, afetando os nódulos linfáticos, baço, fígado, e medula óssea (Neuber et al, 2008). É causada pelo complexo de *L. donovani* que inclui, *L. donovani* e *L. infantum* no velho mundo e *L. infantum* (*syn. L. chagasi*) no novo mundo. Raramente a *L. tropica* (velho mundo) e *L. amazonensis* (novo mundo) tem sido implicadas nessa forma de leishmaniose (Myler & Fasel, 2008; van Griensven & Diro, 2012). Desde 1979, quando o primeiro caso de leishmaniose visceral em paciente que sofreu transplante renal apareceu na literatura, um aumento regular de todas as formas de leishmaniose tem sido observado em pacientes transplantados (Antinori et al. 2008).

- Leishmaniose dérmica pós calazar (LDPC): É uma complicação da leishmaniose visceral que aparece como uma pápula ou erupção cutânea nodular geralmente na face, braços, troncos ou outras partes do corpo. É uma manifestação dérmica após a cura do calazar por *L. donovani*.. Ocasionalmente alguns casos são reportados sem nenhum histórico de calazar (Ashford et al, 2000; Desjeux et al. 2013). A localização dérmica dos parasitos na LDPC torna-os mais acessíveis para o flebotomíneo e tem sugerido que pacientes com LPDC possivelmente servem como reservatórios de infecção, especialmente no intervalo entre a eclosão (Myler et al, 2008). Ocorre principalmente no leste da África (50%) e no subcontinente Indiano (10%) dos pacientes com Calazar, desenvolvem essa condição (Organização Mundial da Saúde, 2010).

### 1.3- Distribuição Geográfica

A epidemiologia da leishmaniose depende das características da espécie do parasito, características ecológicas locais dos sítios de transmissão, exposição atual ou anterior da população humana.

Um total de 98 países em 5 continentes apresentam transmissão endêmica de leishmaniose. O número de casos totais oficiais é mais do que 58,000 casos de leishmaniose visceral e 220,000 casos de leishmaniose cutânea. Foram registrados 0,2 a 0,4 milhões de casos de LV e 0,7 a 1,2 milhões de casos de LC a cada ano. Mais de 90% dos casos de LV ocorrem em apenas seis países: Índia, Bangladesh, Sudão, Sudão do Sul e Etiopia. Leishmaniose cutânea é mais distribuída, com cerca de 1/3 dos casos ocorrendo em três regiões, nas Américas, bacia do Mediterrâneo e oeste da Ásia até o Oriente médio para Ásia central. Os dez países com um número grande de casos

registrados são: Afeganistão, Algeria, Colômbia, Brasil, Iran, Síria, Etiópia, Sudão do Norte, Costa Rica e Perú. Esses países juntos correspondem a 70-75% da incidência global estimada de LC (Alvar et al. 2012).

Entre 2001 a 2011 foram registrados 638.702 casos de leishmaniose cutânea e mucosa no continente americano. De um total de 57.287 casos registrados em 2011, 21.306 foram registrados no Brasil. O número de casos de leishmaniose visceral neste mesmo período foi de 38.808 casos no continente americano, sendo que 37.503 (96,6%) no Brasil (Organização Mundial da Saúde, 2013). A região amazônica corresponde aproximadamente 40% dos casos de leishmaniose (Benicio et al, 2011).

Na Figura 2 observamos a distribuição mundial da leishmaniose cutânea e da leishmaniose visceral, atingindo principalmente países em desenvolvimento (Organização Mundial da Saúde, 2010). De acordo com o Ministério da Saúde, 90% dos casos de leishmaniose visceral resultam em óbito. É endêmica em 65 países e, no continente americano, está descrita em pelo menos 12 países. Dos casos registrados na América Latina, 90% ocorrem no Brasil. A doença, desde então, vem sendo descrita em vários municípios brasileiros, apresentando mudanças importantes no padrão de transmissão, inicialmente predominando em ambientes silvestres e rurais e mais recentemente em centros urbanos (Ministério da Saúde, 2011).

Uma das principais ameaças ao controle da leishmaniose visceral é a sua interação com a infecção pelo HIV. A leishmaniose tem emergido como uma importante infecção oportunista associada ao HIV. Em áreas endêmicas, muitas pessoas têm infecção assintomática e a infecção concomitante com HIV aumenta o risco do desenvolvimento da LV (Organização Mundial da Saúde, 2010; Zampetti et al, 2012).

A associação entre leishmaniose e HIV apresenta um número crescente de casos no Brasil e no mundo sobretudo na região mediterrânica da Europa, que compreende Espanha, França, Itália e Portugal. Cerca de 34 países possuem registros de casos da coinfecção *Leishmania*/HIV. O primeiro caso de leishmaniose associada com infecção com HIV foi observado em 1985. Trinta e cinco países têm mostrado casos de coinfecção. Essa co-infecção é atualmente observada em 2 a 9% de todos os casos de leishmaniose visceral em determinados países endêmicos, mas essa proporção tem aumentado drasticamente (Alvar et al. 2008, Zampetti et al. 2012). Pessoas portadoras do vírus HIV são particularmente mais susceptíveis ao calazar, e a doença pode prejudicar a resposta ao tratamento antiretroviral, além disso a infecção por leishmaniose visceral acelera a replicação e progressão do HIV (Organização Mundial da Saúde, 2010). O impacto epidemiológico é tão significativo que a OMS cogita introduzir a leishmaniose visceral como doença indicadora da SIDA. O Brasil é o epicentro da epidemia de HIV na América do Sul e representa um terço de todas as pessoas vivendo com o vírus na América do Sul. A presença de imunossupressão severa pode modificar as características clínicas da doença, dificultando o diagnóstico da Leishmaniose Tegumentar Americana (LTA) (Lindoso et al. 2009).



**Figura 2:** Distribuição geográfica de Leishmaniose Cutânea nas Amáricas (esquerda) e Leishmaniose Visceral (direita) (World Health Organization, 2013).

Alguns trabalhos vêm sendo realizados com estudos de métodos de prevenção contra infecção por *Leishmania*. Os trabalhos têm focado principalmente em 4 abordagens: controle do reservatório animal, controle da população do vetor, controle do reservatório humano e múltiplas intervenções simultâneas (Stockdale & Newton, 2013).

### 1.4- Tratamento da Leishmaniose

Desde a década de 1940, o tratamento contra a leishmaniose inclui os antimoniais pentavalentes, estando disponibilizadas comercialmente duas formulações: o antimoniato de N-metilglucamina (antimoniato de meglumina) (Glucantime) e o estibogluconato de sódio (Pentostam) (Ameen et al, 2010; Amato et al. 2007; Blum & Hatz, 2009; Santos et al, 2008, Sundar & Chakravarty, 2013). Embora o mecanismo de ação ainda não seja totalmente conhecido, os antimoniais são conhecidos por inibirem enzimas glicolíticas e oxidação de ácidos graxos em amastigotas de *Leishmania* spp. e

há uma inibição na formação de adenosina trifosfato (ATP) e guanosina trifosfato (GTP) (Singh et al, 2004).

Esses fármacos apresentam muitos efeitos tóxicos incluindo toxicidade cardíaca, hepática, pancreática e renal, devendo ser utilizados com cautela e sob monitorização clínica e laboratorial, em pacientes com cardiopatia e hepatopatia. Sintomas que podem levar a redução ou a suspensão do tratamento são: dor músculoesquelética e distúrbios gastrointestinais (Oliveira et al, 2011; Santos et al, 2008). Outros efeitos adversos incluem pancitopenia, neuropatia periférica reversível, mialgias, artralgias, anorexia, cefaléia, dor no local da aplicação (intramuscular) e aumento da diurese por perda transitória da capacidade de concentração urinária (Singh et al, 2004). Em geral, observa-se alteração dos níveis de amilase sem repercussão clínica que requeira a suspensão do tratamento. Entretanto, este deve ser interrompido se ocorrer um aumento superior a quatro vezes do limite máximo da normalidade para a amilase e 15 vezes para a lipase (Ministério da Saúde, 2011).

O principal efeito adverso do antimoniato N-metilglucamina é decorrente de sua ação sobre o aparelho cardiovascular. Esse efeito é dose e tempo dependente e se traduz por distúrbios de repolarização (Oliveira et al. 2011). Em pacientes acima de 50 anos, precedendo ao tratamento, deve-se realizar o ECG e o acompanhamento com ausculta cardíaca sempre antes de cada infusão do medicamento, objetivando detectar arritmias. Caso essas ocorram, o tratamento deve ser imediatamente interrompido, e, após reavaliação do paciente, deve-se reiniciar o tratamento com o mesmo fármaco ou com fármacos alternativos (Ministério da Saúde, 2011).

Os antimoniais não são aprovados pela "Food and Drugs Administration (FDA)" nos Estados Unidos, mas no Brasil, o Ministério da Saúde distribui gratuitamente o antimoniato N-metilglucamina na rede pública de saúde, adotando o esquema terapêutico preconizado pela Organização Mundial da Saúde (Tabela 1).

Tabela 1: Esc	juema terapêutico	de acordo com a	OMS (Ministério	da Saúde, 2013).
---------------	-------------------	-----------------	-----------------	------------------

Forma Clínica	Dose	Tempo de Duração
Leishmaniose cutânea	10-20mg/Sb <sup>+5</sup> /kg/dia	20 dias
Leishmaniose difusa	20mg/Sb <sup>+5</sup> /kg/dia	20 dias
Leishmaniose mucosa	20mg/Sb <sup>+5</sup> /kg/dia	30 dias

A eficiência terapêutica dos antimoniais pode variar dependendo do país, e protocolos de tratamento são determinados dependendo da região. Muitos casos de resistência têm sido relatados, dificultando o tratamento (Santos et al, 2008; (Vanaerschot et al. 2011, Maltezou et al, 2010).

A miltefosina, único fármaco oral licenciado para o tratamento da leishmaniose, é atualmente o tratamento de primeira escolha do programa de eliminação da leishmaniose visceral no subcontinente indiano. Casos de resistência vêm sendo relatados, com aumento da falha no tratamento da leishmaniose visceral (Patra et al. 2012, Rijal et al. 2013).

Em alguns casos, outros fármacos, tal como pentamidina, anfotericina B e paramomicina são usados, como no caso de resistência ao tratamento de primeira escolha, mesmo eles tendo grandes efeitos tóxicos. A anfotericina B já pode ser considerada de primeira escolha em várias circuntâncias ou regiões. (Santos et al, 2008).

A pentamidina, uma diamidina, ainda não tem seu mecanismo de ação totalmente conhecido, mas alguns trabalhos sugerem sua ação no cinetoplasto, inibindo suas funções, é utilizada para o tratamento da leishmaniose. O tratamento com baixa dose e um regime de curto tempo comumente resulta em mialgias, dor no local da injeção, náusea, dor de cabeça e, em menor extensão, gosto metálico, sensação de queimação, dormência, taquicardia e hipotensão. Hipoglicemia reversível é observada em 2% dos casos de tratamento. A incidência e severidade desses efeitos são maiores quando são administradas altas doses e regimes de longo prazo para o tratamento de leishmaniose visceral na Índia (Singh et al, 2004). A terapia com pentamidina foi avaliada também como primeira opção de tratamento na leishmaniose cutânea e mucosa e não somente em casos de resistência aos antimoniais (Blum et al, 2009; Amato et al, 2007; Tuon et al, 2008). A resistência a pentamidina tem sido descrita na literatura, dificultando o tratamento (Santos et al, 2008).

A anfotericina B, um antifúngico poliênico, se liga aos esteróis da membrana plasmática de *Leishmania* spp. preferencialmente ao ergosterol, formando poros na sua membrana, com perda do conteúdo intracelular e morte do parasito. Esse fármaco também liga-se no colesterol das células do hospedeiro, apresentando muitos efeitos colaterais. Vários efeitos colaterais são observados, como febre, sensação de frio, dor nos ossos, e, raramente, parada cardíaca e efeitos tóxicos em longo prazo, como hipocalemia e nefrotoxicidade. A anfotericina B é utilizada para o tratamento de pacientes com calazar que são clinicamente resistentes a pentamidina e aos antimoniais.

Foi utilizada também para o tratamento da leishmaniose mucosa, em um estudo realizado na Bolívia, com 80% de cura (Amato et al, 2007).

Visando diminuir os efeitos adversos, algumas formulações de anfotericina B vetorizadas por lipídeos foram desenvolvidas (Ejazi & Ali, 2013; Pham et al. 2013; Santos et al, 2008). Essas formulações, como anfotericina B lipossomal (Ambisome), dispersão coloidal de anfotericina B (Anfocil) e complexo lipídico de anfotericina B (Abelcet), provocam menos efeitos colaterais do que o fármaco livre (Blum et al, 2009; Amato et al, 2007). A utilização de anfotericina liposomal é bem tolerada em crianças. No entanto, o sucesso no tratamento de pacientes infectados com HIV não é boa. Embora pacientes sejam curados inicialmente, metade deles tem recidivas. O uso dessas formulações tem permanecido limitado para casos severos e de resistência no tratamento de leishmaniose visceral (Singh et al, 2004). A produção dessas formulações têm sido realizados, na tentativa de obter métodos de baixo custo para a produção desses fármacos (Santos et al, 2008).

A paramomicina é um aminoglicosídeo usado para o tratamento de doenças bacterianas. No entanto, tem uma vasta atividade antiparasitária que não é compartilhada por outros aminoglicosídeos. Há relatos do seu uso para o tratamento de leishmaniose visceral e de sua formulação tópica para a leishmaniose cutânea (Blum et al, 2009; Tuon et al, 2008; Santos et al, 2008). A combinação da paramomicina e estibogluconato foi usada no tratamento de casos graves de leishmaniose cutânea. Esse fármaco tem um potencial de toxicidade renal. (Singh et al, 2004).

Devido às substanciais evidências da atividade leishmanicida de certos inibidores da protease (aspártico protease) do HIV (Santos et al, 2013a) esses fármacos estão sendo sugeridos como possível tratamento para a coinfecção HIV-*Leishmania*, nos casos de leishmaniose visceral (van Griensven et al, 2013; Santos et al, 2013b). Inibidores de aspártico proteases usados no tratamento do HIV (amprenavir, indinavir, lopinavir, nelfinavir, ritonavir and saquinavir) possuem atividade leishmanicida, induzindo várias alterações ultraestruturais no parasito (Santos et al, 2009).

### **1.5- Biossíntese de Esteróis**

Compostos isoprenóides estão presentes em células de procariotos e eucariotos. Os esteróis são frequentemente o mais abundante grupo isoprenóide, sendo o ciclopentanoperidrofenantreno (Fig. 3) a sua estrutura fundamental, que possui 4 anéis hidrocarbonetos fundidos, três com seis carbonos e um com cinco possuindo um núcleo quase planar e relativamente rígido (Roberts et al. 2003).



Figura 3: Estrutura do Ciclopentanoperidrofenantreno.

Os esteróis são lipídeos estruturais e estão presentes nas membranas da maioria das células eucarióticas. Colesterol (Fig. 4), o mais importante esterol das células de mamíferos, é anfipático, com um grupo polar (a hidroxila em C-3) e um corpo hidrocarbonado não-polar (o núcleo de esteróis e uma cadeia lateral hidrocarbonada em C-17) (Nelson, 2002).





Ele é o esterol mais abundante nas células de mamíferos e realiza uma série de funções, sendo importante para o crescimento e viabilidade celular. As células adquirem colesterol através da endocitose de Lipoproteína de Baixa Densidade (LDL) (rica em colesterol) via receptor ou através de síntese de novo (Chang et al. 2006). Desempenha um papel importante como elemento estrutural e funcional das membranas atuando com modulador de fluidez. A membrana plasmática é rica em colesterol enquanto as membranas do complexo de Golgi têm uma quantidade intermediária e as membranas das outras organelas são relativamente pobres em colesterol. Nas mitocôndrias, a membrana externa é mais rica em colesterol que a membrana interna. O colesterol também é importante por ser precursor dos ácidos biliares e de hormônios esteróides: hormônios adrenocorticais (aldosterona) e hormônios sexuais (estrogênios, testosterona e progesterona). O colesterol intracelular pode ser esterificado através da ação da enzima acil-CoA colesterol aciltransferase (ACAT), que catalisa a transformação do colesterol para éster de colesterol (Chang et al, 2006).

A HMG-CoA redutase é a enzima limitante da velocidade na síntese do colesterol, estando sujeita a diferentes tipos de controle metabólico. Podemos citar os seguintes tipos de controle: (i) Inibição por retroalimentação ("feedback"), onde o colesterol é um inibidor retroativo da HMG CoA redutase, diminuindo assim a síntese subsequente de colesterol, (ii) regulação hormonal, onde a síntese é ativada por insulina e inibida por glucagon; (iii) regulação da transcrição mediada por esterol, onde a transcrição do gene da HMG-CoA redutase é regulada pela quantidade de colesterol captado por endocitose de LDL mediada por receptor (Champe, 1997).

O colesterol é o esterol característico das células animais, mas os vegetais, fungos e alguns protozoários, em vez de colesterol, sintetizam outros esteróis intimamente relacionados, empregando a mesma via sintética até o passo do 2,3-epóxido de esqualeno. No caso de *Leishmania* spp. ocorre a produção de ergosterol e esteróis 24 alquilados no carbono 24 (Roberts et al, 2003).

Os tripanossomatídeos já foram extensivamente estudados quanto a sua produção de esteróis. A via biossíntetica de esteróis de *Leishmania* spp e *T. cruzi* tem sido deduzida por estudos com [<sup>14</sup>C]-acetato e [<sup>14</sup>C]-mevalonato e identificação de esteróis intermediários que acumulam após o tratamento com vários inibidores da biossíntese de esteróis (Roberts e cols, 2003). Por exemplo, a inibição da C-14 desmetilase, pelos azóis, causa o acumulo de  $4\alpha,4\beta,14\alpha$ -trimetilesteróis,  $4\alpha$ ,  $14\alpha$ -dimetilesteróis e 14 $\alpha$ -metilesteróis (Coombs et al, 1991).

Na figura 5 podemos observar os esteróis ja identificados em *Leishmania spp*. esqualeno, lanosterol (4,4,14 $\alpha$ -dimetilcolesta-8,24-dieno-3 $\beta$ -ol, **1**) e dimetilzimosterol (4 $\alpha$ ,14 $\alpha$ -dimetilcolesta-8,24-dieno-3 $\beta$ -ol, **3**)(Goad et al. 1984). A descoberta dessas substâncias sugeriu que a biossíntese de esterol ocorria de maneira similar a dos fungos, oferecendo uma oportunidade para o desenvolvimento de quimioterapia com alvo na via biossintética dos esteróis. O uso de fármacos já utilizados com sucesso contra infecções fúngicas pode ser uma alternativa, conforme mencionado anteriormente, com a utilização na clínica de cetoconazol, fluconazol e itraconazol, que inibem essa via em fungos e *Leishmania* (Roberts et al, 2003).

Os esteróis nos tripanossomatídeos participam no crescimento normal das células. Participam da manutenção da arquitetura da membrana, onde esteróis livres interagem com cadeia de ácidos graxos de fosfolipídios para controlar a fluidez de membrana e assim controlar a continuidade das funções (Coombs et al, 1991).

Os principais esteróis dos tripanossomatídeos possuem esqueleto  $\Delta^{5,7}$  C28ergostano (com metila em 24) ou C29-estigmastano (com etila em 24). A ausência de 24-metil derivados de esteróis 4,4 dimetilados sugere que a metilação em 24 ocorre de forma tardia na via e o zimosterol (colesta-8,24-dieno-3 $\beta$ -ol, **7**) pode ser o maior substrato para esta reação (Fig. 5) (Coombs et al, 1991). Em *Leishmania* spp. os esteróis baseados no esqueleto ergostano são os mais abundantes tanto em amastigotas quanto em promastigotas, predominando o 5-desidroepisterol (ergosta-5,7,24(24<sup>1</sup>)-trieno-3 $\beta$ -ol, **13**) predominante nos fungos, esteja em pequenas quantidades. Os esteróis de esqueleto relacionados ao estigmastano (estigma-7,24(24<sup>1</sup>)-dieno-3 $\beta$ -ol ou ergota-7-eno-3 $\beta$ -ol e 24-etilidinocolest-7eno-3 $\beta$ -ol (**14**); estigmasta-5,7,24(24<sup>1</sup>)-trieno-3 $\beta$ -ol (**15**); 7desidroporiferasterol (estigma-5,7,22-trieno-3 $\beta$ -ol) (**17**) representam 5% do total de esteróis de promastigotas de *Leishmania* spp. mas em amastigotas podem chegar a 20% do total, sugerindo que esses esteróis podem ter um papel importante quando o parasito está na célula hospedeira (Roberts et al, 2003).

Os esteróis de amastigotas de *L. mexicana* são diferentes dos esteróis de promastigotas. O principal esterol é o episterol (ergosta-7,24(24<sup>1</sup>)-dieno-3β-ol, **10**) em vez de desidroepisterol (**12**) enquanto que desmosterol (colesta-5,24-dieno-3β-ol, **18**), ergosta-5,24(24<sup>1</sup>)-dieno-3β-ol (**19**), estigma-7,24(24<sup>1</sup>)-dieno-3β-ol (**14**) e estigma-5,7,24(24<sup>1</sup>)-trieno-3β-ol (**15**) são adicionais ao perfil de esteróis das formas promastigotas. A presença do esterol **19** (Fig. 5) sugere que o desmosterol tenha sido captado de macrófagos e metabolizado dentro dessa célula, uma vez que é improvável ser biossintetizado. A ocorrência de esteróis  $\Delta^5$  não é vista em promastigotas, porque possivelmente essas formas flageladas perdem a habilidade de dessaturação da ligação  $\Delta^7$ , possuindo somente  $\Delta^{5,7}$  e  $\Delta^7$ , assim como nos fungos (Coombs et al, 1991). Essa informação sugere que os esteróis  $\Delta^5$  são produzidos em amastigotas a partir do desmosterol, absorvidos de células do hospedeiro, macrófagos (Coombs et al, 1991). O mesmo esterol tem sido identificado em amastigotas de *L. braziliensis* (Holz et al. 1986).

As quantidades de esteróis predominantes diferem entre os tripanosomatídeos. A via de biossíntese de epimastigotas e tripomastigotas de *T. cruzi* foi elucidada de maneira similar a descrita para *Leishmania* spp., usando estrutura de esteróis conhecidas da biossíntese de fungos e estrutura de esteróis acumulados pela adição de inibidores. O modelo de biossíntese é diferente das etapas iniciais observadas em *Leishmania* spp.

como por exemplo metilação em 24 do lanosterol (1). A metilação em *Leishmania* spp. ocorre em uma etapa mais tardia. As formas epimastigotas de *T. cruzi* contêm ergosterol e ergosta-5,7-dieno-3 $\beta$ -ol que juntos, formam aproximadamente 40% do total de esteróis, e uma apreciável quantidade, aproximadamente 30%, de estigma-5,7-dieno-3 $\beta$ -ol (16) e 7-desidroporiferasterol (estigma-5,7,22-trieno-3 $\beta$ -ol, 17) é observada nessa forma. Formas tripomastigotas de *T. cruzi*, de maneira similar a descrita para *L. mexicana*, são capazes de converter desmosterol do hospedeiro (Roberts et al, 2003).

Nas espécies de Leishmania o 7-desidroporiferasterol (17) é observado em pequenas quantidades, indicando que esse organismo tem uma capacidade limitada para reação de transmetilação secundária, no qual um precursor 24-metilado tal como, episterol (10) e desidroepisterol (12), é convertido em esteróis com o esqueleto estigmastano C-29. Esta reação é típica de algas e plantas superiores e é ausente em muitos fungos (Goad et al, 1984). As formas amastigotas de T. cruzi apresentam diferenças em relação as Leishmania spp. Formas amastigotas de T. cruzi aparentemente não produzem esteróis  $\Delta^{5,7}$  mas, ao invés contém episterol (ergosta-7.24(24<sup>1</sup>)-dieno-3βol, 10), ergosta-7-eno-3β-ol e 24-etildinocolesta-7eno-3β-ol (14), indicando ausência de atividade da  $\Delta^5$  dessaturase (Roberts et al, 2003; (Liendo et al. 1999). A via de biossíntese dos esteróis em Leishmania spp. e T. cruzi está representada na Figura 5. Estudos em células humanas têm indicado que as etapas iniciais da via de biossíntese ocorrem predominantemente nos peroxisomos (Kovacs et al. 2002; Kovacs & Krisans 2003; Kovacs et al. 2007), enquanto a principal localização de estágios iniciais em fungos é o retículo endoplasmático. A localização da via do mevalonato em tripanossomatídeos é pouco conhecida. A enzima HMG CoA redutase é uma enzima chave na biossíntese dos esteróis, de células de mamíferos, fungos e dos tripanossomatídeos e foi localizada na mitocôndria (Pena-Diaz et al. 2004). Outra enzima da biossíntese, o difosfato de farnesila sintase, que junto com outras enzimas é responsável pela síntese de isoprenóides, foi localizada no citosol em L. major (Ortiz-Gomez et al. 2006). Foi descrito também a caracterização e localização da  $\Delta^{24(25)}$  esterol metiltransferase (SMT) de L. major, que está envolvida em uma etapa mais tardia e única da biossíntese do ergosterol, sendo localizada no reticulo endoplasmático (Jimenez-Jimenez et al. 2008). A análise da localização da HMG CoA sintase e da mevalonato cinase (MVAC) em formas promastigotas de L. major e formas procíclicas e sanguíneas de T. brucei mostram que a biossíntese é distribuída em múltiplos compartimentos intracelulares. Em tripanossomatídeos a produção de HMG-CoA a

partir de acetil CoA e a geração de mevalonato ocorre principalmente na mitocôndria enquanto a fosforilação do mevalonato é quase exclusivamente localizada no glicossoma (Carrero-Lerida et al. 2009).



**Figura 5:** Via de biossíntese dos esteróis em *Leishmania* spp. e *T. cruzi.* **1:** Lanosterol (4,4,14 $\alpha$ -dimetilcolesta-8,24-dieno-3 $\beta$ -ol); **2:** (24-metilenodesidrolanosterol); **3:** Dimetilzimosterol (4 $\alpha$ ,14 $\alpha$ -dimetilcolesta-8,24-dieno-3 $\beta$ -ol); **4:** obtusofoliol (4 $\alpha$ ,14 $\alpha$ -dimetilergosta-8,24 (24<sup>1</sup>)-dieno-3 $\beta$ -ol); **5:** metilzimosterol (14 $\alpha$ -metilcolesta-8,24-dieno-3 $\beta$ -ol); **6:** 4-desmetilesterol (14 $\alpha$ -metilergosta-8,24 (24<sup>1</sup>)-

dieno-3 $\beta$ -ol); **7**: zimosterol (colesta-8,24-dieno-3 $\beta$ -ol); **8**: fecosterol (ergosta-8,24(24<sup>1</sup>)-dieno-3 $\beta$ -ol); **9**: colesta-7,24-dieno-3 $\beta$ -ol; **10**: episterol (ergosta-7,24(24<sup>1</sup>)-dieno-3 $\beta$ -ol); **11**: colesta-5,7,24-dieno-3 $\beta$ -ol); **12**: desidroepisterol (ergosta-5,7,24(24<sup>1</sup>)-trieno-3 $\beta$ -ol); **13**: Ergosterol (ergosta-5,7,22-trieno-3 $\beta$ -ol); **14** estigma-7,24(24<sup>1</sup>)-dieno-3 $\beta$ -ol ou ergota-7-eno-3 $\beta$ -ol e 24-etilidinocolest-7eno-3 $\beta$ -ol; **15**: estigmasta-5,7,24(24<sup>1</sup>)-trieno-3 $\beta$ -ol; **17**: 7-desidroporiferasterol (estigma-5,7,22-trieno-3 $\beta$ -ol); **18** desmosterol (colesta-5,24-dieno-3 $\beta$ -ol); **19**: ergosta-5,24(24<sup>1</sup>)-dieno-3 $\beta$ -ol; **20**: ergosta-5,-24(24<sup>1</sup>)-dieno-3 $\beta$ -ol; **21**: estigmasterol (ergosta-5,22-dieno-3 $\beta$ -ol). **HMG CoA**: 3-hidroxi-3-metil-glutaril coenzima A; **HMGR**: 3-hidroxi-3-metil-glutaril coenzima A redutase; **SEO**: esqualeno 2,3 epoxidase; **14DM**; C-14 desmetilase; **SMT**:  $\Delta^{24}$  esterol metiltransferase.

As fontes de carbono para a biossíntese dos esteróis nos tripanosomatídeos têm sido estudadas. O aminoácido leucina foi relatado como um precursor potencial na biossíntese de isoprenóides (Anastasis et al. 1985). A administração de leucina para formas promastigotas de *L. mexicana* é prontamente incorporada nos esteróis mostrando que este aminoácido é utilizado como principal fonte de carbono para a biossíntese de esteróis e pode ser encontrado em mais de 80% dos esteróis sintetizados (Ginger et al. 1996). várias espécies de *Leishmania* (Ginger et al. 1999).

### 1.6- Inibidores da biossíntese do ergosterol

Uma vez que os tripanossomatídeos não sintetizam o colesterol e sim esteróis com o esqueleto ergostano (Roberts et al, 2003), fármacos que atuam na biossíntese do ergosterol possuem interessante atividade leishmanicida e tripanocida, inibindo diversas enzimas da via como, por exemplo, a HMG-CoA redutase, a esqualeno epoxidase, a C-14 desmetilase e a C-24 metiltransferase, que são inibidas pelas estatinas (sinvastatina, lovastatina), alilaminas (terbinafina), azóis (cetoconazol, miconazol, itraconazol, fluconazol e voriconazol) e azasteróis, respectivamente (Rodrigues et al. 2002, Haughan et al. 1992, Beach et al. 1988, Berman et al. 1984, Azofra et al. 2010).

A alilamina terbinafina é um potente inibidor da esqualeno-2,3-epoxidase e tem efeito em *Leishmania* spp. e *T. cruzi* (Vannier-santos et al. 1995, Vannier-santos et al, 1995, Urbina et al, 1997). O tratamento de promastigotas e amastigotas de *L. mexicana* com terbinafina resultou no acúmulo de 3 a 4 vezes de esqualeno e uma diminuição na quantidade de esteróis C29 e C28 endógenos (Roberts e cols, 2003). Foi demonstrada a atividade dessa molécula em *L. major* e *L. donovani* (Zakai & Zimmo, 2000). O efeito sobre o crescimento é atribuído pelo efeito na diminuição de esteróis das estruturas de membrana celulares e parece não estar relacionado ao excesso de esqualeno (Roberts et al, 2003).

Moléculas naturais têm mostrado excelente atividade leishmanicida como, por exemplo, as chalconas. A chalcona 2',6'-diidroxi-4'-metoxichalcona (DMC) possui potente atividade leishmanicida atuando na biossíntese e composição de esteróis de *Leishmania amazonensis* (Torres-Santos et al, 2009). Recentemente foi publicada a atividade leishmanicida da tomatidina, que promove a inibição da biossíntese de esteróis 24-alquilados e disfunção mitocondrial (Medina et al. 2012). Além disso, alguns esteróis como o pentalinosterol, um novo derivado de colesterol, e um novo esterol glicosilado isolado da raiz da *Pentalinon andrieuxii*, apresentaram atividade leishmanicida (Pan et al. 2012).

Os antifúngicos imidazólicos e triazólicos possuem uma alta atividade na inibição da biossíntese de esteróis e no crescimento de várias espécies de *Leishmania* (Ramos et al. 1994, Goad et al. 1985, Berman et al. 1986, Beach et al. 1988, Goad 1994) e *T. cruzi* (Beach et al. 1986, Liendo et al. 1999). Eles atuam na enzima do citocromo P450 C-14 desmetilase (CYP51), essencial na biossíntese de esteróis do fim da via, em promastigotas, amastigotas e epimastigotas, ocasionando a diminuição de esteróis C-28 e C-29 e acúmulo de vários esteróis metilados em 14 $\alpha$ . Novas isoformas de CYP51 foram encontradas em *Tripanosoma brucei*, *T. vivax*, *T. cruzi*, e *Leishmania spp*. Essas isoformas possuem 74-86% de identidade entre elas e de 22-33% com C-14 desmetilase de outros reinos biológicos. Há homologia também com a CYP51 de *Mycobacterium tuberculosis* (28%), tomate (28%) e humana (27%) (Lepesheva & Waterman, 2004).

O primeiro esterol da via de biossíntese que acumula após o tratamento com os azóis em promastigotas de *Leishmania* spp. é o dimetilzimosterol (**3**). No entanto, durante uma longa exposição, os esteróis podem ser metabolizados em esteróis alquilados (**4**) ou desmetilados no C-5 (**5**) para produzir finalmente um 4-desmetilesterol (**6**) (Roberts et al, 2003).

Amastigotas e promastigotas de *L. mexicana* em cultura, quando expostos ao cetoconazol, têm a biossíntese de seus esteróis normais majoritários, 5-desidroepisterol (12), ergosterol (13) e episterol (10) prejudicada e ocorre acúmulo de dimetilzimosterol (3) e obtusofoliol (4) (Berman et al. 1986, Goad et al. 1985). O efeito de itraconazol, cetoconazol e fluconazol sobre a biossíntese de esteróis de promastigotas de *L. aethiopica* e *L. donovani*, e subespécies de *L. mexicana* crescidas por longo período na presença de concentrações de azóis causam a diminuição dos esteróis majoritários e a

substituição desses por  $14\alpha$ -metilesteróis endógenos e colesterol exógeno em grande quantidade (Beach et al. 1988).

A perturbação da biossíntese de esteróis pelo itraconazol e cetoconazol também foi analisada em amastigotas de *L. mexicana* demonstrando uma maior sensibilidade a essas moléculas do que macrófagos da linhagem J774 e demonstraram que a infecção com amastigotas resulta na inibição da síntese de colesterol da célula hospedeira. Foi observado também que as amastigotas tratadas apresentaram grande quantidade de colesterol exógeno, como observado em formas promastigotas (Hart et al, 1989).

Em epimastigotas e amastigotas de *T. cruzi* tratadas com os azóis, o acúmulo de 14 $\alpha$ -metilesteróis foi principalmente de lanosterol (**1**) e particularmente do produto de alquilação no C-24, o 24-metilenodesidrolanosterol (**2**). Além disso, em comparação com *Leishmania* spp. a quantidade total de esterol acumulado e a proporção de colesterol não diferem significativamente entre tripomastigotas e epimastigotas de *T. cruzi* tratadas e não tratadas com cetoconazol, sugerindo alguma diferença no processo regulatório comparado com a situação da *Leishmania* spp. (Roberts et al, 2003). O tratamento com o miconazol causou a diminuição de esteróis  $\Delta^{5,7}$  de epimastigotas de *T. cruzi* (Coombs et al, 1991).

O miconazol e a lovastatina (inibidor da HMG CoA redutase) (Stancu & Sima, 2001), foram usadas em combinação para avaliar o potêncial como agentes antileishmania. A combinação foi considerada sinérgica, inibindo promastigotas e amastigotas de *Leishmania* spp. Nas formas promastigotas o efeito foi maior em *L. amazonensis* do que em *L. donovani*. Análises da composição de esteróis de ambos promastigota e amastigota revelaram inibição da C-14 desmetilase pelo miconazol e mostraram evidências da inibição da biossíntese de esteróis pela lovastatina (Haughan et al. 1992).

O efeito do azasterol, um inibidor da  $\Delta^{24}$ - esterol metiltransferase, que inibe a alquilação do C-24 foi estudado em *Leishmania* spp e *T. cruzi* (Gros et al, 2006; Haughan et al. 1995; Jimenez-Jimenez et al. 2008, Lorente et al. 2004,; Rodrigues et al. 2002). A atividade do azasterol mostrou um declínio de 24-alquil esteróis e acúmulo de colesta-5,7,24-trieno-3β-ol (**11**), colesta-7,24-dieno-3β-ol (**9**) e colesterol (Fig. 5) e que os 24 alquil esteróis não são absolutamente necessários para a sobrevivência e crescimento da *Leishmania* spp. e sendo o parasito capaz de usar os esteróis endógenos acumulados e o colesterol captado do meio de cultura (Haughan et al, 1995).

Os inibidores da esqualeno sintase são utilizados como alvo para quimoterapia em *Leishmania* spp. e *T. cruzi* inibindo assim a formação do esqualeno e o seu crescimento (Granthon et al. 2007). Os experimentos com esses inibidores também demonstram um aumento na quantidade de colesterol, que pode ser uma tentativa de manter sua membrana e outras funções (Urbina et al, 2002, Braga et al, 2005, Lorente et al, 2005).

*Leishmania*, embora sintetize esteróis endogenamente, também obtém colesterol exógeno, como foi observado com a utilização dos vários inibidores da via de biossíntese de esteróis, através de receptor de membrana, em grande quantidade (Bastin et al. 1996), indicando que esse processo pode ser relevante para a sobrevivência do parasito em determinadas situações.

### 1.7- Colesterol no parasitismo intracelular

Durante muito tempo, o colesterol foi tido apenas como um componente estrutural da membrana celular mas, atualmente, sabe-se que o colesterol desempenha papéis cruciais na organização, dinâmica e funcionalidade das membranas celulares, como a (i) estabilização de receptores transdutores de sinais (Lagane et al. 2000), (ii) modulação de receptores de acetilcolina (Baier et al. 2010, Borroni & Barrantes 2011), (iii) indução de alterações conformacionais em receptores de oxitocina e outras proteínas de membrana (Muth et al. 2011), (iv) liberação de vesículas sinápticas (Linetti et al. 2010), (v) modulação de canais iônicos (Bukiya et al. 2011) e está envolvido na entrada de microrganismos patogênicos intracelulares, como *Leishmania* (Simons & Toomre 2000, Pucadyil et al. 2004). Além dessas funções, o colesterol tem um importante papel na manutenção de fluidez de membrana, sendo essencial para a funcionalidade das células apresentadoras de antígenos (Mcgee et al. 2011, Trainor et al. 2011).

Em adição aos esteróis C-28 e C-29, *Leishmania* spp. e *T. cruzi* contêm quantidades variáveis de colesterol, que são derivados do meio de cultura ou da célula hospedeira. O cultivo de *Leishmania* spp. na presença de soro fetal bovino resulta no aumento do conteúdo de colesterol na membrana do parasito (Coombs et al, 1991). As formas sanguíneas de *T. brucei* diferem desses outros tripanossomatídeos, uma vez que contêm predominantemente colesterol e reprime a síntese *de novo* de esteróis C-28. O parasito, na forma sanguínea capta o colesterol do meio de cultura ou do sangue através de endocitose mediada pelo receptor de LDL (Coppens & Courtoy, 2000, Coppens &

Courtoy, 1995). No entanto, formas procíclicas podem realizar a biossíntese *de novo* apresentando o gene para uma enzima chave, 2,3-epóxido de esqualeno ciclase, que produz lanosterol (Roberts et al, 2003). Nos tripanossomatídeos, a captação de colesterol se dá, principalmente, através de um receptor de LDL, que é conservado em toda ordem Kinetoplastida, incluindo *Leishmania* spp. e *T. cruzi* (Bastin et al. 1996). Após a incorporação, a LDL é clivada por enzimas lisossomais, levando a liberação do colesterol. Esse sistema tem sido citado na literatura como um bom alvo farmacológico para a tripanossomíase africana ou doença do sono (Coppens et al. 1995).

Além das formas sanguíneas de T. brucei que dependem criticamente da presença de partículas de LDL, que contêm principalmente colesterol, para seu rápido crescimento e para manter suas fontes de lipídeos, podemos citar também o Toxoplasma gondii, pertencente ao filo Apicomplexa. Após a infecção por T. gondii, a célula hospedeira adquire um novo compartimento, o vacuolo parasitóforo (VP). Esse parasito é incapaz de sintetizar vários metabólitos, inclusive seus próprios esteróis, sendo considerados auxotróficos (Coppens et al, 2000). Eles trocam nutrientes através da membrana do vacúolo parasitóforo, com o objetivo de garantir sua sobrevivência e propagação (Sinai et al, 1997). A membrana do VP é bem próxima da mitocôndria e do reticulo endoplasmático da célula do hospedeiro, onde é encontrada toda a maquinaria para a biossíntese de lipídeos do hospedeiro. A membrana do T. gondii é rica em colesterol, que intracelularmente é concentrado em organelas chamadas rhoptrias, que são organelas secretórias apicais. Esse colesterol é obtido tanto da biossíntese de colesterol da célula hospedeira, quanto da fonte de LDL que é captada por essa célula (Coppens & Courtoy, 2000; Sehgal et al. 2005). Corroborando esses dados de utilização do colesterol pelo T. gondii, um estudo mostrou que a infecção por esse parasito induz alterações no metabolismo lipídico da célula hospedeira (Milovanovic et al, 2008).

Vários microorganismos que residem e proliferam dentro de vacúolos no interior da célula hospedeira utilizam o colesterol para sua sobrevivência, como é o caso de algumas bactérias. *Helicobacter pilori*, por exemplo, capta colesterol do hospedeiro, contribuindo para sua virulência, patogenicidade e para a resistência a antibióticos e ao ambiente ácido do estômago. *Mycobacterium tuberculosis* usa o colesterol do hospedeiro como fonte de carbono durante a infecção e controla essa utilização através de fatores de transcrição, além de possuir uma via catabólica altamente conservada para metabolizar o colesterol. *Anaplasma phagocytophilum* utiliza o colesterol para a proliferação na célula hospedeira e a *Coxiella burnetii* necessita do colesterol para sua
replicação (Mcgee et al, 2011, Trainor et al, 2011, Kendall et al. 2010, Xiong et al, 2009, Howe & Heinzen 2006, Howe & Henzen, 2005).

Alterações lipídicas no plasma foram demonstradas em algumas doenças infecciosas e o colesterol em especial é estudado em muitas infecções parasitárias (Portugal et al. 2004). Especificamente na leishmaniose, de uma maneira global, duas abordagens de estudo são utilizadas: a correlação da homeostasia do colesterol sistêmico com a doença e a relação do colesterol da célula hospedeira com a infecção. A primeira abordagem é derivada de observações que pacientes com leishmaniose visceral apresentam hipocolesterolemia e a segunda da importância das "lipid rafts" para a entrada do parasito no macrófago e para a apresentação de antígenos. As duas abordagens se sobrepõem em alguns pontos, mas diferem essencialmente no fato de que os macrófagos *per se* não são responsáveis pela homeostasia de colesterol, papel desempenhado principalmente por hepatócitos.

Pacientes com leishmaniose visceral apresentam diminuição de LDL-colesterol do soro, levando a um processo de hipocolesterolemia, largamente evidenciado nessa forma da doença (Lal et al. 2007, Liberopoulos et al. 2012).

Ghosh e colaboradores mostraram que a hipercolesterolemia oferece proteção contra a infecção causada por Leishmania donovani, enquanto a hipocolesterolemia torna os camundongos mais susceptíveis à infecção pelo parasito (Ghosh et al, 2012). Recentes trabalhos mostraram que a hipocolesterolemia observada na infeção por Leishmania donovani é devido a liberação da metaloprotease GP63 pelo parasito infectando células de Kupffer no fígado, que cliva a dicer (Endonuclease RNAse III) nos hepatócitos, reduzindo a expressão de miR122, levando a redução da produção de colesterol. miR122 é um regulador póstranscricional (miRNAs), que é expresso abundantemente no fígado, modulando uma grande variedade de funções. Compreende mais do ue 70% da quantidade de miRNA no fígado, sendo largamente responsável pela homeostasia e metabolismo lipídico. Esses eventos afetam a homeostasia do colesterol levando a isso a evolução da infecção, por conta de falhas na apresentação de antígenos (Ghosh et al, 2013; Descoteaux et al, 2013). O processo de transporte da GP63 do vacúolo parasitóforo das células de Kupffer até os hepatócitos e a própria expressão de GP63 por amastigotas ainda carece de esclarecimento. Corroborando esses dados, estudos anteriores demonstraram que lipoproteínas são capazes de modular a resposta imune celular na leishmaniose (Soares et al, 2010). Outros estudos mostram que macrófagos infectados com Leishmania donovani tem uma significativa diminuição do colesterol de membrana, e que a administração de colesterol em hamsters infectados oferece uma forte proteção, mostrando a importância do colesterol na membrana do macrófago para a correta apresentação de antígeno e ativação do sistema imune (Sem et al, 2011; Banerjee et al, 2009).

Por outro lado, macrófagos infectados tem seu metabolismo do colesterol alterado, mostrando aumento da expressão de enzimas da via, aumento de receptores de LDL e diminuição de transportadores ABC que fazem o efluxo de colesterol levando, então, a um acúmulo de colesterol dentro do macrófago (Rabhi et al, 2012; Foréa et al, 2009). Esse colesterol pode estar sendo utilizado de alguma forma pelo parasito, uma vez que já foi demonstrada a presença do colesterol em amastigotas (Hart et al. 1989, Berman et al. 1986). Promastigotas de *L. amazonensis*, sob pressão farmacológica de inibidores da biossíntese de esteróis, endocita mais LDL do meio de cultura e é mais sensível a esses inibidores quando privada de fontes exógenas de colesterol, mostrando um papel importante do colesterol na atividade dos inibidores da biossíntese do ergosterol (Andrade-Neto et al. 2011; de Cicco et al, 2012).

## 1.8- Captação do colesterol via receptor de Lipoproteína de baixa Densidade (LDL)

O colesterol, ésteres de colesterol, triacilgliceróis e fosfolípideos são transportados de um tecido para outro pelo plasma sanguíneo na forma de lipoproteínas plasmáticas (Hoover-Plow & Huang, 2013). As lipoproteínas são complexos moleculares de proteínas transportadoras específicas chamadas de apolipoproteínas com combinações variadas de fosfolípideos, colesterol, ésteres do colesterol e triacilglicerídeos. As apoproteínas são divididas em cinco classes principais: Apo A, B, C, D e E e várias subclasses. A fração lipídica das lipoproteínas é muito variável, e permite a classificação das mesmas em 5 grupos, de acordo com suas densidades e mobilidade eletroforética:

 - Quilomícron – é a lipoproteína menos densa, transportadora de triacilglicerol exógeno na corrente sanguínea.

- VLDL – "Lipoproteína de Densidade Muito Baixa", transporta triacilglicerol endógeno.

 IDL – "Lipoproteína de Densidade Intermediária", é formada na transformação de VLDL em LDL. - LDL – "Lipoproteína de Densidade Baixa", é a principal transportadora de colesterol; seus níveis aumentados no sangue aumentam o risco de infarto agudo do miocárdio.

HDL –"Lipoproteína de Densidade Alta", atua retirando o colesterol da circulação.
Seus níveis aumentados no sangue estão associados a uma diminuição do risco de infarto agudo do miocárdio.

A lipoproteína de baixa densidade (LDL) é muito rica em colesterol e em ésteres de colesterol e contém a apoB-100 como sua principal apolipopreteína. A LDL transporta o colesterol para os tecidos periféricos, que possuem receptores de superfície específicos que reconhecem a apoB100 (receptores de LDL). A ligação de LDL em seu receptor inicia o processo de endocitose, para no final do processo o colesterol e ácidos graxos serem liberados. Os tripanossomatídeos também possuem receptor para LDL, que é conservado em toda ordem kinetoplastidae (Bastin et al, 1996), localizado na bolsa flagelar, e indica que o colesterol obtido por esse parasito seja proveniente da captação e metabolização da LDL.

### 1.9- Transporte intracelular do colesterol.

A quantidade, distribuição e transporte de colesterol intracelular é fortemente regulado em células de mamíferos, para a manutenção da função celular. A distribuição do colesterol em diferentes compartimentos subcelulares é mantida por uma combinação de transporte mediado por vesículas e de proteínas que transferem substâncias para o citoplasma ou para dentro das organelas. Podemos citar algumas proteínas ABC (ATP-binding cassette) e proteínas intracelulares que atuam no transporte de colesterol intracelular e extracelular (Tarling et al, 2013; Tarling & Edwards, 2011; Elizabeth et al, 2005; Storch et al, 2009).

A superfamília de proteínas ABC é composta por proteínas que combinam a hidrólise de ATP com várias funções biológicas. Essas proteínas estão envolvidas no transporte de inúmeras moléculas através de membranas biológicas, incluindo aminoácidos, açúcares, peptídeos, lipídeos, íons e fármacos. Nos eucariotos essas proteínas estão principalmente relacionadas à exportação de moléculas do citoplasma para o espaço extracelular ou para compartimentos intracelulares. Muitas proteínas ABC estão envolvidas no transporte de fosfolipídeos e colesterol, como por exemplo, as proteínas da subfamília ABCG e ABCA (Leprohon et al. 2006).

Um número considerável de proteínas ABC foi encontrado no genoma dos parasitos da família Trypanosomatidae (Campos-Salinas et al. 2013). As funções dessas

proteínas compreendem, transporte e translocação de fosfolipídeos, transporte de heme e resistência. (Campos-Salinas et al. 2013, Parodi-Talice et al. 2003, Araujo-Santos et al. 2005).

Os transportadores ABC em *Leishmania* foram descritos inicialmente através do estudo de mecanismo de resistência aos fármacos. O primeiro transportador ABC identificado em *Leishmania* foi o MRPA (PGPA), um membro da subfamília ABCC, que confere resistência ao antimônio. As proteínas ABC podem transportar além dos antimoniais pentavalentes, miltefosina, pentamidina e sitamaquina. O genoma da *Leishmania* contém cerca de 40 - 50 genes ABC, representando um número grande de subfamílias (de ABCA a ABCH). Os transportadores ABCG4 e ABCG6, localizados na membrana plasmática e bolsa flagelar, ABCA2 e ABCA4, localizados na bolsa flagelar e em vesículas internas do parasito têm sido caracterizados como transportadores de fosfolípideos em *Leishmania* (Campos-Salinas et al. 2013, Leprohon et al. 2011, Leprohon et al. 2009).

Além das proteínas ABC, outras proteínas também estão envolvidas com o transporte de colesterol em células de mamíferos. Essas proteínas intracelulares são importantes para exportar o colesterol de organelas endocíticas. A perda de função dessas proteínas causa o sequestro de colesterol derivado de LDL e de outros lipídeos nessa organelas, levando a uma desordem neurodegenerativa progressiva. Além dessas proteínas intracelulares, foi descrita uma proteína presente na membrana de enterócitos tendo um papel importante no transporte de colesterol intestinal. Essas três proteínas possuem um domínio chamado de "sterol-sensing domain" SSD que é comum para proteínas que tem o papel de regular a homeostasia do colestero (Storch et al, 2009).

O transporte intracelular de colesterol pode ser bloqueado e modulado usando alguns inibidores. Podemos citar a progesterona e a imipramina que são usadas para inibir o transporte de colesterol derivado da LDL dos lisossomos para o restante da célula (Butler et al. 1992, Howe & Heinzen, 2006, Howe & Henzen, 2005, Nishikawa et al. 2011, Nishikawa et al. 2005). A captação de LDL é mediada via receptor e posteriormente seguida pela transferência da LDL para os lisossomos. A hidrólise lisossomal dos ésteres de colesterila libera colesterol, que então é distribuído por toda célula. A imipramina reduz a atividade lisossomal e causa grande acúmulo de colesterol nos lisossomos, inibindo o movimento do colesterol dos lisossomos para a membrana plasmática (Howe & Henzen, 2005). A progesterona mostrou induzir o acúmulo reversível de colesterol nos lisossomos de fibroblastos durante o processamento endocítico da LDL. Além de ser capaz de bloquear o transporte do colesterol proveniente da endocitose de LDL dos lisossomos, a progesterona também atua em outras fontes de colesterol intracelular (Butler et al. 1992). Na presença de progesterona, grandes quantidades de colesterol derivado da LDL acumulam nos lisossomos (Mcgookey & Anderson 1983).

O tratamento com os inibidores do metabolismo de colesterol na infeção por *Coxiela burnetti* em muitos casos altera a morfologia do vacúolo parasitóforo (VP) e reduzem, mas não eliminam, o transporte de colesterol para a membrana do VP, com uma redução no conteúdo de colesterol do VP. Essa alteração e redução no conteúdo de colesterol do VP. Essa alteração e redução no conteúdo de colesterol do vacúolo parasitóforo é diretamente proporcional a redução da replicação da bactéria (Howe & Heinzen, 2006; Howe & Henzen, 2005).

#### 1.10- Amplificação gênica como mecanismo de resistência em Leishmania

O fenômeno da resistência aos fármacos vem aumentando de forma significativa em todas as doenças parasitárias, transformando-se em um sério problema de saúde pública. O estudo do mecanismo de resistência é importante porque permite o desenvolvimento de ferramentas para o diagnóstico diferencial de resistência, prevenindo assim o tratamento inútil e frequentemente tóxico, permitindo o uso de forma mais racional dos fármacos e associações, minimizando o desenvolvimento de resistência (Myler, 2008).

Os antimoniais têm sido usados há 60 anos para o tratamento da leishmaniose em áreas endêmicas e com relatos de casos de resistência (Sereno et al, 2012, Mandal et al. 2010, Mittal et al, 2007, Kumar et al. 2012; Anacleto et al, 2003). Para permanecer com a sua atividade leishmanicida normal, a concentração e a duração do tratamento foram aumentados durante os anos, sugerindo que o parasito lentamente desenvolve aneuploidias levando a diminuição da susceptibilidade ao fármaco. Outros fatores podem estar relacionados com a perda da eficácia, como a baixa resposta do sistema imune (Mandal et al, 2009). A elucidação dos mecanismos moleculares na resistência ao antimônio é essencial para o desenvolvimento de novas estratégias para o tratamento. Muitos estudos de resistência aos antimoniais foram realizados em promastigotas de *Leishmania* em que a resistência foi induzida *in vitro* sob condições de laboratório. Muito do conhecimento sobre mecanismos de resistência para outras moléculas anti-*Leishmania* é também derivado de parasitos em que a resistência foi induzida *in vitro*, principalmente na forma de promastigota (Singh et al, 2001) (Mukherjee et al, 2013; Dadhich et al, 2009, Mukherjee et al. 2011, Coelho et al, 2012, do Monte-Neto et al. 2011). O estudo de resistência *in vitro* também vem sendo realizado em amastigotas axênicas. Kumar e colaboradores (2013) avaliaram a modulação gênica e os mecanismos moleculares relacionados a resistência ao nelfinavir.

Um dos métodos utilizados para entender melhor os mecanismos de resistência é a abordagem do sequenciamento total do DNA. Amplificação de DNAs podem ser encontradas tanto como DNAs circulares ou linear (amplicons). Podemos visualizar os *amplicons* circulares de *Leishmania* usando a técnica de lise alcalina usada para preparar plasmídeos de bactérias, enquanto o *amplicon* linear pode ser visualizado e isolado por eletroforese de campo pulsátil (PFGE). Mas círculos também podem ser identificados por PFGE/CHEF (Grondin et al. 1998).

Podemos citar alguns exemplos de amplificação gênica detectados em parasitos resistentes, como a região do cromossomo 9 de *L. major* que foi encontrada amplificada em isolados resistentes a antimônio, o gene diidrofolato redutase-timidilato sintase (DHFR-TS) e o gene pteridina redutase (PTR1) nos parasitos resistentes ao metotrexato (Singh et al. 2003, Beverley et al. 1986, Kundig et al. 1999). O gene de MRPA (proteína ABC) de *Leishmania*, um gene bem estabelecido como participante da resistência ao antimônio, foi encontrado amplificado em vários isolados de *L. donovani* em pacientes que não respondem ao tratamento. A presença de fragmentos amplificados de DNA associado ao fenótipo de resitência é sugestiva de implicação na resistência, embora necessite provar com superexpressão ou inativação do gene (Legare et al. 2001, Legare et al. 2001, Legare et al. 2001, Leprohon et al. 2011, El Fadili et al. 2005, Mukherjee et al. 2007).

Antes do genoma de *Leishmania* ser totalmente sequenciado, era necessário isolar o *amplicon*, subclonar fragmentos de DNA relativamente grandes em vetor de expressão, transfectar esse plasmídeos e observar se os parasitos transfectados tornavam-se resistentes (Papadopoulou et al. 1992). Uma vez que o genoma de várias espécies de *Leishmania* foi totalmente sequenciado (www.genedb.org), é possível agora determinar qual porção do genoma está amplificada. Transfecção do gene candidato e testes de susceptibilidade tem que ser realizados para correlacionar o referido gene a resistência (Myler, 2008).

Vale ressaltar que embora o mecanismo de resistência seja frequentemente devido a amplificação gênica, há vários exemplos em que parasitos resistentes modulam RNAs específicos (aumentam ou diminuem) sem que tenha alguma alteração no número de cópias do gene. Alterações na expressão do RNA nem sempre estão correlacionadas com aumento nos níveis de proteína, mas existe uma boa correlação entre aumento nos níveis de proteína e superexpressão do RNA (McNicoll et al. 2006).

### 2- Objetivos

### **Objetivo geral**

Avaliar o papel do colesterol exógeno nos mecanismos de adaptação de *Leishmania* spp a condições de estresse farmacológico e metabólico.

### **Objetivos específicos**

- 1- Estudar a disponibilidade de LDL por amastigotas intracelulares;
- 2- Estudar a influência do colesterol na atividade dos inibidores da biossíntese do ergosterol e na expressão da HMGCoA redutase;
- 3- Estudar a correlação entre o crescimento parasitário em macrófagos peritoneais infectados com *L. amazonensis* com a disponibilidade de colesterol exógeno, com ou sem pressão farmacológica.
- 4- Investigar o sinergismo da associação de inibidores do transporte intracelular de colesterol com inibidores da biossíntese de esteróis sobre a viabilidade de *L. amazonensis in vitro* e *in vivo*.
- 5- Avaliar o papel do colesterol na resistência aos inibidores da biossíntese de esteróis em *L. amazonensis* e *L. braziliensis*;
- Analisar a expressão das principais enzimas da via de biossíntese de esteróis nas cepas selvagens e resistentes;
- 7- Identificar aneuploidia em L. guyanensis resistentes à sinvastatina;

### **3- METODOLOGIA**

#### 3.1- Manutenção e cultivo dos parasitos

Formas promastigotas de *Leishmania amazonensis* (cepa MHOM/BR/77/LTB 0016), *Leishmania amazonensis* GFP (cepa MHOM/BR/77/Josefa) e *Leishmania guyanensis* (cepa MHOM/BR/75/M4147) e *Leishmania braziliensis* (cepa MHOM/BR/77/M2904) foram mantidas a 26 ° C em meio RPMI ou "Minimum Essential Medium"-  $\alpha$ -MEM (Sigma-Aldrich Corp, St Louis, MO, USA) suplementados com 10% de soro fetal bovino (SFB), 100 µg/mL de estreptomicina, e 100 U/mL de penicilina, 5 mg/mL de hemina, 0,5 mg/mL de ácido fólico, 0,2 mg/mL de D-biotina, 4mg/mL de adenina. Para manutenção dos parasitos foram feitos repiques duas vezes por semana até a décima passagem. Os parasitos foram obtidos de lesão de camundongos BALB/c.

### 3.2- Purificação da Lipoproteína de Baixa Densidade (LDL).

O plasma sanguíneo foi gentilmente cedido pelo Banco de Sangue do Serviço de Hemoterapia do Hospital Universitário Clementino Fraga Filho da Universidade Federal do Rio de Janeiro (Rio de Janeiro, RJ, Brasil), através do acordo n.º 171/07, firmado entre o comitê de Ética em Pesquisa do hospital e o Laboratório de Bioquímica de Lipídeos, Instituto de Bioquímica Médica, UFRJ. Desta forma, esta parte do trabalho foi desenvolvida no Laboratório de Bioquímica de Lipídeos, do Instituto de Bioquímica Médica, UFRJ. Sob orientação da Profa. Georgia Correa Atella.

A purificação da LDL foi feita de acordo como descrito por Poumay & Ronveaux, 1985 com algumas modificações. Cerca de 15 mL de plasma foram descongelados e foi adicionado brometo de potássio (KBr) com a finalidade de ajustar sua densidade para 1,3 g/ml. Após o ajuste da densidade, 25 mL de solução salina (NaCl 150 mM) suplementado com 1 mM de ácido etilenodiaminotetracético dissódico (EDTA) foi adicionado nos tubos de centrífuga próprios para o rotor vertical 50vTi (Beckman Coulter Inc, Fullerton, CA, USA) e com a ajuda de uma seringa de vidro e agulha longa de metal, os 15 mL de soro foram depositados no fundo do tubo, formando duas fases.

Os tubos foram centrifugados em ultracentrífuga Beckman Optima LE 80K a 150,000g rpm por 18 h. Ao final a fração superior do gradiente, de cor laranja, contendo as partículas LDL, foi coletada, mantida a 4 °C e dialisadas, segundo Penefsky (1977), antes de sua utilização nos ensaios experimentais. A concentração de proteína da fração

enriquecida em LDL foi quantificada usando o método descrito por Lowry e colaboradores (1951), modificado, na presença de dodecil sulfato de sódio (SDS) 0,5%.

#### 3.3- Complexação das partículas de LDL com nanopartículas de ouro coloidal.

Inicialmente uma solução de nanopartículas de ouro coloidal (15nm) foi preparada através da redução de uma solução aquosa de ácido tetracloroáurico (HAuCl<sub>4</sub>), utilizando duas soluções, uma de citrato de sódio 1% e a outra de ácido tetracloroáurico 1%, preparadas em água desionizada, filtrada, para um volume final de 240 ml. Após aquecer 232,5 ml de água desionizada por 5 minutos, foram acrescentados 15 ml de citrato de sódio 1% e agitando e fervendo por cerca de 2 minutos. Após esse período, foi aumentada a agitação e 2,5 mL da solução de ácido tetracloroáurico 1% foram adicionados com a ajuda de uma seringa, sob fervura e agitação por aproximadamente 5 minutos. Após o preparo, a solução de ouro foi armazenada à 4°C.

Para a determinação do *gold number* (proporção ideal entre a concentração de proteínas e ouro coloidal, para ocorrer a complexação), o pH da solução de ouro coloidal foi ajustado em 5,5 e a concentração da solução de LDL ajustada a 1 mg/ml. O *gold number* foi determinado pelo método prático, por diluição seriada em placa, segundo metodologia adaptada de (Hayt et al, 1989). A complexação foi realizada, então, com a proporção de 31,25 µg de proteína da solução de LDL em 10 ml da solução de ouro coloidal. A mistura da LDL com ouro coloidal foi agitada por 3 minutos e acrescentada de 1 ml de polietilenoglicol 1%, seguida de nova agitação. A solução foi, então, centrifugada a 50.000*g* por 45 minutos. O sobrenadante foi retirado e o pellet ressuspenso em 1 ml de polietilenoglicol (PEG) 20.000 a 0,2mg/ml em PBS, pH 7,2, originando a suspensão utilizada nos experimentos de microscopia eletrônica de transmissão.

### **3.4-** Microscopia Confocal

Para os experimentos de microscopia confocal, macrófagos peritoneais de camundongos suíços (1,0 x  $10^{6}$ /ml) foram plaqueados e aderidos em lab-teks por um período de 1 hora e infectados com 3,0 x  $10^{6}$ /ml promastigotas metacíclicas de *L. amazonensis* (cepa MHOM/BR/77/Josefa) transfectadas com *Green Fluorescent Protein* (GFP) em meio RPMI suplementado com 10% de soro fetal bovino por 72 horas a 37 °C (Costa et al, 2011). Os macrófagos foram lavados e incubados com meio sem soro 24 horas antes da incubação com a lipoproteína de baixa densidade (LDL)

marcada com Alexa Fluor®594 AcLDL (Invitrogen, Life Technologies Corporation), apolipoproteína B marcada em vermelho. Os macrófagos infectados foram incubados por 30 minutos ou 2 horas e 30 minutos nas concentrações de 0,125 e 0,5 µg/ml e por 30 minutos na concentração de 20 µg/ml. Após esse período as células foram lavadas 3 vezes em PBS, fixadas com paraformaldeído 4% por 10 min e incubadas com DAPI, para marcar o núcleo das células, por 20 min. As lâminas foram montadas utilizando o líquido de montagem Prolong® Gold Antifade (Invitrogen, Life Technologies Corporation) e observadas no microscópio confocal.

#### 3.5- Microscopia Eletrônica de Transmissão

Para os experimentos de microscopia eletrônica de transmissão, macrófagos peritoneais de camundongos suícos  $(1,0 \times 10^{6}/\text{ml})$  foram plaqueados e aderidos em placas de petri pequenas por um período de 1 hora e infectados com 3,0 x 10<sup>6</sup>/ml promastigotas metacíclicas de L. amazonensis (cepa MHOM/BR/77/LTB0016) por 3 horas. Após esse período as placas foram lavadas com meio sem soro e incubadas por 72 horas a 37°C. No período de 48 horas foi adicionado meio RPMI sem soro, com o objetivo de aumentar a expressão dos receptores de LDL e evitar a competição com as partículas do soro. A LDL marcada com ouro coloidal, na diluição de 1:10, foi incubada 4 horas antes de terminar o período de incubação final. Após esse período, os macrófagos infectados e não infectados foram lavados com PBS e fixados por 40 minutos na solução de 2,5% de glutaraldeído, diluído no tampão cacodilato de sódio 0,1M, pH 7,4. As células foram lavadas 3 vezes com o mesmo tampão. A pós-fixação foi feita com 1% de tetróxido de ósmio em tampão cacodilato de sódio 0,2 M, contendo 0.8% de ferrocianeto de potássio e 5 mM de cloreto de sódio, por 20 minutos. Após esse período as células foram lavadas 3 vezes com cacodilato de sódio 0,1 M. Subsequentemente as células foram desidratadas em uma série crescente de acetona, 30 %, 50 %, 70 % e 100 %, por 5 minutos cada e incubadas a 4 °C. Na concentração de 70% de acetona as células foram removidas das placas. Após a desidratação, as células foram embebidas em Epon (Ennes-Vidal, 2011). Secções ultrafinas foram coletadas, marcadas com acetato de uranila e analisadas no micorscópio eletrônico de transmissão CEM-900 (Oberkochen, Alemanha).

#### 3.6- Deslipidação do soro fetal bovino

Para avaliar o efeito da privação do colesterol no crescimento da *Leishmania* spp., com ou sem pressão de fármacos inibidores da biossíntese do ergosterol, soro fetal bovino (cultilab) foi deslipidado, utilizando uma combinação de dois solventes, butanol e éter diisopropílico (DIPE).

A extração dos lipídeos foi feita em temperatura ambiente em tubos de 15 mL. Alíquotas de 5 ml de soro contendo 0,5 mg de ácido etilenodiamino tetraacético (EDTA), com 10 mL de fase orgânica consistindo de butanol-DIPE (40:60 v/v) (Tedia Brazil) foram colocados no tubo nesta ordem. Os tubos foram presos em orbital, com rotação de 30 rpm, por 30 minutos. Após a extração, a mistura foi centrifugada a 2000 rpm/2min para separação das fases orgânica e aquosa. A fase aquosa, que contém o soro, foi separada da fase orgânica, com cuidadosa sucção utilizando uma seringa, e então submetida à análise de seus lipídeos por TLC e dosagem do colesterol por Amplex Red (Invitrogen), um teste colorimétrico (Cham & Knowles, 1976). O soro fetal bovino deslipidado (SFBd) foi, esterilizado por filtração em membrana Milex- GV de 0,22µm (Milipore S.A., Molsheim, França). Esta parte do trabalho foi desenvolvida em colaboração com o Laboratório de Bioquímica de Lipídeos, do Instituto de Bioquímica Médica, UFRJ, sob orientação da Profa. Georgia Correa Atella.

## 3.7- Ensaios sobre amastigotas intracelulares com ou sem fonte de colesterol exógeno.

Para estudar a influência da fonte de colesterol exógeno no crescimento de amastigotas intracelulares, macrófagos peritoneais murinos (M $\Phi$ ) (1,0 x 10<sup>6</sup>células/ml) (Os experimentos foram realizados em lâminas, câmaras lab-teks (Thermo Scientific Nunc) foram infectados com 3 x 10<sup>6</sup>promastigotas/ml de *L. amazonensis* (cepa MHOM/BR/77/LTB 0016), e cultivados em meio RPMI (Sigma-Aldrich Corp, St Louis, MO, USA) suplementado com 10% de soro fetal bovino completo ou deslipidado., na ausência ou presença de miconazol, cetoconazol (0-8 µM), sinvastatina (0-40 µM) ou 25-OH-colesterol (0-40 µM) por um período de incubação de 72 horas. Após o tempo de incubação, as lâminas foram coradas com panótipo rápido e o índice de infecção foi calculado por meio da fórmula: % MØ infectados x N° de amastigotas/N° MØ totais.

#### 3.8- Ensaios de associação de fármacos.

Promastigotas e macrófagos peritoneais infectados ou não com *L. amazonensis* foram incubados com os inibidores da biossíntese do ergosterol ou inibidores do transporte do colesterol individualmente ou em associação por 72 horas. O crescimento parasitário de promastigotas e a viabilidade dos macrófagos foram avaliados por Sal de Tratazólio (MTT) e o índice de infecção foi determinado por microscopia óptica.

Para avaliar a atividade dos inibidores da biossíntese do ergosterol associados com os inibidores do transporte do colesterol, promastigotas de *L. amazonensis* foram mantidos em frascos para cultivo celular a 26°C em meio RPMI sem vermelho de fenol (Sigma-Aldrich Corp, St Louis, MO, USA) suplementado como descrito no item 3.1, com 10% de soro fetal bovino. As células foram monitoradas microscopicamente e os experimentos foram realizados com um mesmo número de passagens.

Os testes em promastigotas foram realizados em placa de 96 poços, com uma concentração inicial de 1,0 x 10<sup>6</sup> promastigotas/ml e com as concentrações das moléculas variando de 0 a 24 µM para cetoconazol e miconazol, de 0 a 100 µM para terbinafina (inibidores da biossíntese do ergosterol), de 0 a 100 µM para LBqT01, de 0 a 25 µM para imipramina e de 0 a 100 µM para progesterona (inibidores do transporte do colesterol), (Sigma-Aldrich). Para os experimentos de associação, as concentrações dos inibidores da utilização do colesterol variaram de 0-10 µM para LBqT01, de 0-5 µM para imipramina e de 0-25 µM para progesterona. A placa de 96 poços foi incubada a 26 °C por 72 horas. Após esse período o crescimento parasitário foi avaliado por ensaio colorimétrico MTT. Foram adicionados 10% de MTT (5 mg/mL) por poço e a placa foi incubada a 37°C por 1 hora. Após esse período, foram acrescentados 80 µL de dimetilsulfóxido (DMSO-100%), para dissolver os cristais de formazan. A reação foi analisada no espectrofotômetro no comprimento de 570 nm. Os valores de IC50 foram obtidos por regressnao não linear no programa Graphpad Prism 4 (Graphpad software, Inc, La Jolla, USA). Nos experimentos de associação foi calculado o índice da concentração inibitória fracional (FICI) para análise do sinergismo. A fórmula utilizada para calcular o FICI foi a seguinte  $FICI = IC_{50}$  de A em combinação/ $IC_{50}$  de A sozinha + IC<sub>50</sub> de B em combinação/IC<sub>50</sub> de B sozinha (Hallander et al, 1982). A interpretação dos resultados de FICI, segundo as diretrizes publicadas por são: FICI < 0,5 sinergismo; 0.5 < FICI > 4 - sem interação;  $FICI \ge 4$  - antagonismo (Odds e cols, 2003).

Para os experimentos de atividade em amastigotas intracelulares, macrófagos peritoneais foram infectados com promastigotas de *L. amazonensis*, na presença ou ausência dos inibidores, associados ou não, em câmaras Lab-teks, a 37°C por 72 horas. As concentrações das moléculas variaram de 0 a 32  $\mu$ M para cetoconazol, de 0 a 16  $\mu$ M para miconazol, de 0 a 80  $\mu$ M para terbinafina, de 0 a 40  $\mu$ M para LBqT01, de 0 a 25  $\mu$ M para imipramina e de 0 a 100  $\mu$ M para progesterona. Para os testes de associação com os inibidores da utilização do colesterol foi usada somente uma concentração de cada inibidor. As concentrações utilizadas foram de 20  $\mu$ M, 12,5  $\mu$ M e 25  $\mu$ M de LBqT01, imipramina e progesterona, respectivamente. Testes de toxicidade em macrófagos peritoneais não infectados também foram realizados nas mesmas concentrações por 72 horas a 37 °C. Após esse período, as células foram incubadas com 10% de MTT por 1 hora a 37 °C. O sobrenadante foi retirado e foram adicionados 200  $\mu$ I de DMSO (100%), para dissolver os cristais de formazan. A absorbância foi lida em espectrofotômetro utilizando o comprimento de onda de 570 nm.

### 3.9- Extração dos lipídeos

Os lipídeos de promastigotas de *L. amazonensis*, *L. braziliensis* e *L. guyanensis* selvagens e resistentes foram extraídos usando o método de Bligh e Dyer (1959). Foram adicionados as amostras metanol, clorofórmio e água (2:1:0,5 v/v). Após agitação da mistura de 5 em 5 minutos por 1 hora, a solução foi centrifugada por 20 min a 3.000 rpm e o sobrenadante, contendo os lipídeos, foi separado do precipitado. O precipitado foi submetido a uma segunda extração, tendo sido adicionado da mesma mistura de solventes descrita acima, seguindo-se agitação de 5 em 5 minutos por 1 hora, e nova centrifugação. Os sobrenadantes foram unificados e a eles adicionados água destilada e clorofórmio (1:1 v/v). Após 40 segundos de agitação, o material foi novamente centrifugado (3.000 rpm/30 min). A fase inferior (orgânica), contendo os lipídeos, foi então separada com o auxílio de seringa de vidro e transferida para tubos de 1,5 ml, resistentes a solventes orgânicos (Axygen Scientific Inc., Union city, CA, USA). O solvente foi evaporado por arraste de nitrogênio gasoso (N<sub>2</sub>) e os lipídeos analisados por cromatografia em camada fina (CCF/TLC) ou por cromatografia gasosa acoplada a espectrometria de massas (GC/EM), conforme descrito a seguir.

# 3.10- Análise dos lipídeos neutros de *L. amazonensis*, *L. braziliensis* e *L. guyanensis* por Cromatografia em Camada Fina (CCF/TLC).

Promastigotas de *L. amazonensis, L. braziliensis* e *L. guyanensis* selvagens ou resistentes aos inibidores da biossíntese do ergosterol (sinvastatina, terbinafina e miconazol) em meio suplementado com 10% de soro fetal bovino e promastigotas de *L.* amazonenses cultivados sem fonte de colesterol exógeno, substituindo o soro fetal bovino pelo Nutridoma-SP (suplemento para meio de cultura livre de soro fetal bovino) (Roche), foram incubados em frascos de cultura celular a 26 °C por 72 h. Após esse período as células foram lavadas 3x com PBS e os lípideos foram extraídos conforme descrito acima.

Os lipídeos extraídos foram analisados por cromatografia em camada fina (TLC) em placa de sílica (Silica Gel, 60F254, Merck KGaA, Frankfurt, DS, Alemanha) após ressuspensão em 50 µl de clorofórmio. A placa cromatográfica foi previamente impregnada com nitrato de prata (1%) em metanol, com o objetivo de separar o colesterol do ergosterol que possuem estruturas extremamente semelhantes, uma vez que o nitrato de prata separa com grande eficiência compostos com ligações duplas de carbono. Foram utilizadas duas corridas com uma combinação diferente de solventes. A primeira corrida foi feita até a metade da placa utilizando a seguinte mistura de solventes: hexano:éter etílico:ácido acético (60:40:1 v/v) e a segunda corrida foi feita com hexano:clorofórmio:ácido acético (80:20:1 v/v). As placas foram, então, borrifadas com reagente de Charring (10% CuSO<sub>4</sub> + 8% H<sub>3</sub>PO<sub>4</sub>) e aquecidas a 200° para revelação (Andrade-neto et al, 2011). O colesterol e o ergosterol foram identificados através de comparação com padrões comerciais com concentrações de 1mg/ml (Sigma-Aldrich Corp, St Louis, MO, USA). A placa de TLC foi submetida a análise por densitometria. A imagem da TLC foi digitalizada e analisada pelo programa "ImageMaster TotalLab v1.11". (UA – Unidades arbitrárias).

# 3.11- Análise do perfil de esteróis por Cromatografia Gasosa Acoplada ao Espectrômetro de massas (GC/MS).

Promastigotas de *L. amazonensis* foram cultivadas na ausência ou na presença de 10, 20 e 40  $\mu$ M de LBqT01 ou progesterona, com 2, 4 e 8  $\mu$ M de miconazol ou cetoconazol e com 8, 16 e 32  $\mu$ M de terbinafina ou somente meio de cultura por 72 horas. 1x10<sup>8</sup> parasitos de cada cultura foram lavados 3 vezes em tampão PBS e os esteróis foram extraídos como descrito no item 3.9. Para a separação e identificação dos

esteróis foi utilizado a cromatografia gasosa acoplada ao espectrômetro de massas (CG/MS). As amostras foram injetadas no equipamento GCMS-QP2010 Ultra (Shimadzu Scientific Instruments, Tóquio, Japão). Após a injeção, a temperatura da coluna foi mantida a 50 °C por 1 minuto e então aumentada a 270 °C na razão de 10 °C/min e finalmente a 300°C na razão de 1 °C/min. O fluxo do gás (He) foi mantido constante a 1.1 mL/min. As temperaturas do injetor e do detector foram de 250°C e 280 °C, respectivamente (Torres-Santos et al, 2009).

### 3.12- Indução de resistência aos inibidores da biossíntese do ergosterol

Promastigotas de L. amazonensis (cepa MHOM/BR/77/LTB 0016), L. braziliensis (cepa MHOM/BR/77/M2904) e L. guyanensis (cepa MHOM/BR/77/M4147) foram cultivados em meio a-Mem adicionado de concentrações crescentes de sinvastatina, terbinafina ou miconazol, começando com a concentração de IC<sub>50</sub> de cada molécula, estabelecido como descrito no item 3.8. A indução de resistência das cepas selvagens de L. amazonensis iniciou com os valores de IC<sub>50</sub> de 24 µM, 16 µM e 2,5 µM da sinvastatina, terbinafina e miconazol, respectivamente. As concentrações foram aumentadas sequencialmente duas vezes até a concentração de 100 µM, 100 µM e 16 µM, para sinvastatina, terbinafina e miconazol, respectivamente. As células foram monitoradas e as passagens foram feitas com um inóculo inicial de 1 x 10<sup>6</sup> promastigotas/mL. Para a indução de resistência das cepas selvagens de L. braziliensis e L. guyanensis foi utilizado o mesmo procedimento. A indução da cepa selvagem de L. *braziliensis* iniciou com o valor de IC<sub>50</sub> de 9  $\mu$ M de terbinafina e da cepa selvagem de L. guyanensis iniciou com a concentração de IC<sub>50</sub> de 30 µM e 1,9 µM de sinvastatina e miconazol, respectivamente. As concentrações foram aumentadas sequencialmente duas vezes até a concentração de 60 µM para terbinafina na cepa de L. braziliensis e até a concentração de 80 µM e 12 µM de sinvastatina e miconazol, respectivamente na cepa de L. guyanensis.

# 3.13- Análise da expressão gênica de enzimas da biossíntese do ergosterol em promastigotas de *L. amazonensis* e *L. braziliensis* por PCR quantitativo.

Para análise da expressão gênica das enzimas da via de biossíntese do ergosterol por PCR quantitativo (tempo real) foram utilizados as cepas de *L. amazonensis* e de *L.* 

*braziliensis* selvagens e resistentes aos inibidores. A expressão das enzimas também foi avaliada em promastigotas de *L. amazonensis* cultivadas sem fonte de colesterol ou cultivadas com 80% de soro fetal bovino.

O RNA foi extraído de aproximadamente  $1 \times 10^7$  promastigotas em fase logaritma de crescimento utilizando o kit RNAeasy Plus (Qiagen Sciences, Maryland, USA). Para a extração de RNA, as células foram lavadas 2 vezes com tampão hepes-NaCl e ressuspendidas com 600 µl do tampão RLT e homogeneizadas por 30 segundos no vortex. O lisado homogeneizado foi transferido para uma coluna em um tubo coletor para eliminação do DNA e centrifugado por 30 segundos a 10.000 rpm. Após a centrifugação, a coluna foi desprezada e no tubo coletor foram adicionados 600 µl de etanol 70%. Em seguida, 700 µl foram transferidos para uma coluna de RNA acoplada em um tubo de 2 ml e centrifugado a 10.000 rpm por 15 segundos. Na coluna foram adicionados 700 µl do tampão RW1 para centrifugação a 8000xg por 15 segundos. 500 µl do tampão RPE foram adicionados duas vezes, com centrifugação por 8000xg por 15 segundos e por 1 minuto, para eliminar qualquer vestígio de álcool do tampão RPE. O RNA foi ressuspendido com 50 µl de água livre de nuclease. A dosagem do RNA foi realizada usando o equipamento NanoDrop Lite (Thermo Scientific). A síntese de DNA complementar foi realizada através do kit Superscript Indirect cDNA Labeling (Invitrogen, Carlsbad, CA, USA), conforme o manual do fabricante. Para cada síntese foram utilizados 5  $\mu$ g de RNA (625ng/ $\mu$ l).

Para os experimentos de PCR em tempo real foi usado o SYBR® Supermix Green (Bio- Rad, Hercules, CA, USA). O PCR em tempo real foi feito usando o termociclador Rotor-Gene (RG 3000, Corbett Research, San Francisco, USA). Quantidades iguais de cDNA foram colocadas em triplicata e amplificadas em 25  $\mu$ L de reação contendo SYBR® Supermix Green (50%), 1  $\mu$ L do iniciador reverso (10mM), 1  $\mu$ L do iniciador direto (10 mM), 1  $\mu$ L de cDNA e 9,5  $\mu$ L de água livre de nuclease. Inicialmente no termociclador, a mistura foi incubada a 95 °C por 5 min e então 30 ciclos de 95, 60 e 72 °C por 15 segundos. Três triplicatas e replicatas biológicas foram utilizadas em cada reação. A quantidade relativa dos produtos gerados do PCR de cada conjunto de iniciador foi baseado no valor de (threshold cycle) (Ct) (calculado usando o método de 2  $-\Delta\Delta C_t$  com o GAPDH como controle endógeno (do Monte-Neto et al. 2011). Os níveis de expressão gênica foram normalizados através da análise da expressão mRNA

constitutivo, do gene da gliceraldeído-3-fosfato desidrogenase (GAPDH, código de acesso: *LbrM30.2950*, LmxM29.2980).

Os iniciadores para os genes HMGCoA redutase ( código de acesso: LbrM30.3180, LmxM29.3190), farnesiltransferase (código de acesso: LmxM30.2940), esqualeno sintase (código de acesso: LbrM31.3310), esqualeno monooxigenase (código de acesso: LbrM13.1480, LmxM13.1620), lanosterol sintase (código de acesso: LbrM06.0650, Lmx06.0650), lanosterol C-14 desmetilase (código de acesso: LbrM11.0880, AB250970.1), 24-esterol metiltransferase (código de acesso: LbrM35.2600, **Ouest**<sup>SM</sup> *GQ451910.1*) foram desenhados usando Primer (www.idtdna.com/Scitools/Applications/Primerquest).

As sequências dos iniciadores para o gene controle da GAPDH são direto 5'-GGTAAGCTCGGTGTGGATTAC- 3' e reverso 5'- CGCTGATCACGACCTTCTTC-3' para L. mexicana (LmxM29.2980) e direto 5'- CGACCAGGACCTTATTGGTAAA-3' e reverso 5'- CACCGTATCGTGCTTCATCT-3' para L. braziliensis (LbrM30.2950). As sequências dos iniciadores para o gene HMGCoA redutase são direto 5'-TCGCCATTCGTCGTGAAA-3' e reverso 5'- GCTCCAGTCGTAGTTCTTGTAG-3' (L. mexicana- LmxM29.3190) e direto 5'- CGCCATCCGTCGTGATATT-3' e reverso 5'- CCCAGTCGTAGTTCTTGTAAGG-3' (L. braziliensis- LbrM30.3180), para o gene farnesiltransferase são direto 5'- CAAACATCATCCGCGACTACTA-3' e reverso 5'- CACTCTTCAGCTCCTTCAGTTC-3' (L. mexicana- LmxM30.2940), para o gene esqualeno sintase são direto 5'-GACGGAGCTGAAGGATCTAAAG-3' e reverse 5'- GTCCTGCAGAGTGGAAAGATAG-3' (L. braziliensis-LbrM31.3310), 5'esqualeno monooxigenase são direto para gene da 0 5'-GCTGAAAGAGGTAGGCATGAA-3' e reverso CTTATCGTCCACCACCACATAG-3' (L. mexicana- LmxM13.1620) e direto 5'-CGCTGAAGGAAGTTGGTATGA-3' 5'e reverso CAAAGTCGCCAAAGTGGAAAG-3' (L. braziliensis- LbrM13.1480) e para o gene lanosterol sintase são direto 5'- AACAACCCAATCCACTACCC-3' e reverso 5'-CTACGCGATAGCCGCATATT-3' (L. braziliensis- LbrM06.0650) e direto 5'-GATCTTGATGCCGGATTGGA-3' 5'e reverso CAGGCCGTAGAAGTATGAGAAG-3' (L. mexicana Lmx06.0650) e para o gene Lanosterol C-14 desmetilase são direto 5'- GCTGAGTGCGAAGAAGAAGTA-3' e reverso 5'- ACTTGCTGTGCTGGTGAA-3' (L. amazonensis- AB250970.1) e direto 5'-5'-ACCTCTACCATCACCACTACTT-3' e reverso

39

CTGGGAACTCGTCAATCTCTTC-3' (*L. braziliensis - LbrM11.0880*) e para o gene 24-esterol metiltransferase são direto 5'-CGAGTACCATCGCAAGATCAA-3' e reverso 5'- TGACGTCTATGACCTCCTCTAC-3' (*L. braziliensis- LbrM35.2600*) e direto 5'- ATGAGCTTAGCCGACAACAC-3' e reverso 5'- GGGCTTGATGACACGAAAGA-3' (*L. amazonensis - GQ451910.1*).

### 3.14- Atividade da LBqT01 associada ao Cetoconazol in vivo.

Para a avaliar a atividade *in vivo* da associação da LBqT01, inibidor da utilização do colesterol, com o cetoconazol, inibidor da biossíntese do ergosterol, camundongos BALB/c (5 animais por grupo) foram infectados na orelha direita com  $2x10^6$ promastigotas de L. amazonensis em fase estacionária. O início do tratamento foi após 7 dias de infecção. Os animais foram tratados com LBqT01 (10 mg/kg/dia), cetoconazol (100 mg/kg/dia), glucantime (100 mg/kg/dia) e a combinação de LBqT01+cetoconazol (10 mg/kg/dia + 100 mg/kg/dia). A administração oral foi escolhida para o tratamento com a LBqT01, cetoconazol e LBqT01+cetoconazol, enquanto a administração do fármaco de referência, glucantime, foi intraperitoneal. Os animais foram tratados 5 dias por semana por um período de 33 dias. Controles negativos também foram similarmente tratados com PBS. A medida da orelha, informando a evolução da infecção, foi registrada duas vezes por semana. Após o período de tratamento, os animais foram eutanaziados para a avaliação toxicológica. Os níveis no soro das enzimas creatina, alanina aminotransferase (ALT), aspartato aminotransferase (AST), colesterol e creatina cinase foram medidas usando a plataforma tecnológica de análises clínicas do Programa de Desenvolvimento Tecnológico de Insumos para a Saúde (PDTIS) da Fundação Oswaldo Cruz.

### 3.15- Caracterização e análise filogenética.

A identificação da *L. amazonensis* (cepa MHOM/BR/77/LTB 0016) foi feita pelo estudo do sequenciamento do gene que codifica a enzima diidrofolato redutasetimidilato sintase (DHFR-TS) e da *L. guyanensis* (cepa MHOM/BR/77/M4147) e *L. braziliensis* (cepa MHOM/BR/75/M2904), foi feita pela análise dos genes da pteridina redutase (PTR1).

As sequências dos iniciadores para o gene DHFR-TS são direto 5'-GGCTTCCCTCAACCTGTTATAC-3' e reverso 5'- TTGAGTGGCCGGAACTTTAC-3' (*L. amazonensis- X51735-1*), para o gene PTR1 são direto- 5'-

### GGCTTCCCTCAACCTGTTATAC-3' reverso – 5'- TTGAGTGGCCGGAACTTTAC-3' (*L. guyanensis- FJ234150.1*) e direto- 5'- GCTCCTATTTCCCTCGTTCAG-3'reverso- 5'-TGTCATGGCGTCGATGATATT-3' (*L. braziliensis* – LbrM23.0300).

O DNA genômico foi extraído dos parasitos na fase logaritmica de crescimento usando o reagente DNAzol (Invitrogen) como descrito pelo fabricante. As reações de PCR foram realizadas com um volume final de 50 µL usando os iniciadores listados acima e continham 100 ng de DNA genômico, 50 pmol de cada iniciador, 0,2 mM de dNTPs, 1.5 mM de MgCl<sub>2</sub> e 5 U de Taq polimerase. A amplificação foi feita em 30 ciclos, cada ciclo usando as seguintes condições: desnaturação a 94°C por 1 minuto, anelamento a 62°C por 1 minuto e extensão a 72 °C por 1-2 minutos (dependendo do tamanho dos produtos de PCR). A extensão final foi feita a 72°C por 5 minutos. Os produtos de PCR foram inseridos em um gel de agarose 1%, e purificados com o kit QIAquick Gel Extraction (Qiagen) e sequenciadas com o sequenciador ABI Prism 3100 DNA (plataforma de sequenciamento- Université Laval- Quebec- Canadá). As sequências obtidas foram comparadas com outras espécies de *Leishmania* presentes no banco de dados GeneBank usando o Lasergene Software (DNASTAR, Inc.).

### **3.16-** Sequenciamento do DNA total

Para os experimentos de sequenciamento do DNA total da cepa selvagem e resistente a sinvastatina de *L. guyanensis* os parasitos precisaram ser clonados. A clonagem foi feita plaqueando 50  $\mu$ l da cultura na fase log de crescimento em placas de petri contendo 25 ml de meio de cultura  $\alpha$ -Mem duas vezes concentrado, 20 mL de Bacto agar, 5 mL de soro fetal bovino, 100  $\mu$ L de hemina 5 mg/mL.

O DNA total do clone de promastigotas de *L. guyanensis* selvagens e resistentes a sinvastatina foi isolado na fase logarítmica de crescimento dos parasitos usando o protocolo de extração com fenol, de acordo com Smyth e colaboradores, 1992. Foram realizadas duas extrações, para maior purificação do DNA. Para o sequenciamento total do DNA as amostras foram preparadas de acordo com o kit Nextera<sup>tm</sup> DNA Illumina (Illumina Inc). O DNA total da cepa selvagem e resistente foi sequenciado usando o Hiseq9000, Illumina (Coelho et al, 2012).

#### 3.17- Clonagem e transfecção dos Transportadores ABC

Para o estudo da função de transportadores ABC no transporte de colesterol/ergosterol e na resistência aos inibidores da biossíntese do ergosterol, os genes para ABCG1, ABCG4 e ABCG6 foram clonados, subclonados e transfectados em promastigotas de *L. amazonensis* LTB0016.

Esses transportadores foram primeiramente amplificados por PCR. Os transportadores ABCG1 (GeneDB-L. mexicana, código de acesso LmxM06.0080), ABCG4 (GeneDB-L. mexicana, código de acesso LmxM15.0890) e ABCG6 (GeneDB-L. mexicana, código de acesso LmxM36.2890) foram isolados do DNA genômico de L. amazonensis LTB0016 por PCR usando os primers, ABCG1 direto 5'-5'-TCTAGAATGTCCCGCTTAGACAACGAACCG-3' e reverso 5'-AAGCTTCTACATCTTCTCGTGAGCGGCCAC-3', ABCG4 direto TCTAGAATGGAGACGGAAGTCGATCAGGCC-3' e reverso 5'-CATATGTTACCACCGGTACTTGCGCCGCCT-3', 5'-ABCG6 direto TCTAGAATGTCGTCTCCGGCGCCACCTACC-3' e reverso 5'-AAGCTTTCACTTTCCCTCAGTGGACCGAAA-3'. Os iniciadores possuem as sequências das enzimas de restrição XbaI (TCTAGA), usada nos iniciadores dos transportadores ABCG1, ABCG4 e ABCG6, HindIII (AAGCTT), usada nos iniciadores dos transportadores ABCG1 e ABCG6, Nde1 (CATATG), usada no iniciador do transportador ABCG4.

Para a expressão homóloga nos parasitos, cada gene foi clonado em vetor de expressão pGEM T easy (Promega) usando bactérias competentes DH5 $\alpha$  (E.coli). A sequência de cada gene foi liberada do pGEM T, usando as enzimas de restrição XbaI e *Hind*III ou *Nde*-1 e subclonados no vetor de expressão psp72aneoa (possui o gene de resistência a neomicina) e transfectados em promastigotas de *L. amazonensis* para a geração de 3 mutantes superexpressando cada gene. Os parasitos transfectados foram selecionados pela resistência a neomicina, como descrito por Perez-Victoria, 2003.

### **4- RESULTADOS**

### **CAPÍTULO 1:**

## Influência do Colesterol na atividade dos inibidores da biossíntese do ergosterol

### 4.1 - Disponibilidade de LDL para amastigotas intracelulares.

Esse capítulo se dedica a estudar a influência do colesterol exógeno na atividade dos inibidores da biossíntese do ergosterol. Inicialmente, mostraremos como as amastigotas intracelulares tem acesso ao colesterol, através da endocitose de LDL, e também qual é a influência da falta da fonte exógena de colesterol no crescimento do parasito.

Para avaliar a disponibilidade de LDL para amastigotas intracelulares, macrófagos peritoneais murinos foram infectados com *L. amazonensis*-GFP e incubados com LDL marcada com Alexafluor- 594 (vermelho) ou infectados com *L. amazonensis* e incubados com LDL-ouro.

Macrófagos peritoneais infectados com *L. amazonensis*-GFP foram incubados com LDL-alexa flúor a 0,125 ou 0,5  $\mu$ g/mL por 30 minutos ou 2 horas e 30 minutos (Fig. 6). Podemos observar que a LDL está distribuída no interior do macrófago, inclusive ao redor das amastigotas, (Fig. 6).

Os resultados observados na microscopia confocal foram corroborados por microscopia eletrônica de transmissão. Na Figura 7 (painel A e painel B) os macrófagos não foram infectados, mostrando a distribuição das partículas de LDL em células normais. As partículas de LDL-ouro (pontos escuros) são endocitadas e ficam armazenadas em vacúolos endocíticos, para serem processadas e utilizadas pela célula hospedeira. Na Fig. 7 (Painel C e painel D), macrófagos infectados com *L. amazonensis* foram incubados com partículas de LDL-ouro. Os vacúolos endocíticos contendo as partículas de LDL estão se fundindo com o vacúolo parasitóforo. Observamos, também, a presença de partículas de LDL livres no interior do vacúolo parasitóforo, inclusive bem próximo das amastigotas, sugerindo até a adesão à membrana dos parasitos Essas imagens demonstram que amastigotas intracelulares tem acesso a LDL e, dessa forma, podem estar obtendo seu conteúdo, principalmente colesterol. Nas setas brancas observamos as partículas de LDL-ouro. O asterisco representa as amastigotas dentreo do vacúolo parasitóforo.



**Figura 6: Distribuição de partículas de LDL em macrófagos infectados com** *L. amazonensis.* Macrófagos peritoneais infectados com *L. amazonensis*-GFP foram incubados com partículas de LDL marcadas com alexa flúor, conforme os tempos e concentrações indicados, e as imagens foram adquiridas em microscópio confocal. Verde - amastigotas de *L.* amazonensis; vermelho - partículas de LDL; azul - núcleos/cinetoplastos (DAPI)



**Figura 7: Disponibilidade de LDL para amastigotas intracelulares.** Macrófagos peritoneais infectados ou não com *L. amazonensis* foram incubados com LDL-ouro por 3 horas e analisados por microscopia eletrônica de transmissão. A e B - Macrófagos não infectados; C e D - Macrófagos infectados. Setas - partículas de LDL; asteriscos - amastigotas de *L. amazonensis*; VP - vacúolo parasitóforo.

## 4.2- Regulação da biossíntese do ergosterol na presença ou ausência de fonte exógena de colesterol.

Após demonstrar que promastigotas de *Leishmania* obtêm colesterol através de endocitose de LDL (Andrade-Neto, et al, 2011) e que amastigotas podem ter acesso a partículas de LDL, mesmo estando dentro do vacúolo parasitóforo, fomos investigar qual seria o papel do colesterol na regulação da biossíntese do ergosterol. Para o estudo da regulação gênica, a enzima avaliada foi a HMGCoA redutase, etapa limitante da biossíntese de colesterol em células de mamíferos, e que também está presente na biossíntese de ergosterol em *Leishmania* spp. Além de avaliar a expressão desse gene por PCR quantitativo, o perfil de produção de esteróis em diferentes condições de cultura foi avaliado por TLC.

Para a análise da expressão dos genes por PCR quantitativo, promastigotas de *L. amazonensis* foram cultivadas por diversas passagens em meio sem fonte de colesterol, utilizando o Nutridoma-SP em substituição ao soro, ou com excesso de colesterol, cultivadas com 80% de soro fetal bovino (única passagem). Como podemos observar na Figura 8A, a expressão de HMGCoA redutase está aumentada em até 3 vezes na cepa cultivadas com 80% de soro em única passagens), e levemente diminuída quando cultivadas com 80% de soro em única passagem, com maior fonte de colesterol exógeno, sugerindo que quanto menor a quantidade de colesterol exógeno disponível, maior a expressão da HMGCoA redutase.

Em seguida, promastigotas de *L. amazonensis* foram cultivadas por 72 horas com 10 ou 20% de SFB ou cultivadas por várias passagens com 10% de Nutridoma-sp (sem colesterol). Podemos observar o aumento do colesterol (CHO) diretamente proporcional ao aumento de soro fetal bovino (Fig. 8B-C). A quantidade de colesterol (CHO) é maior nos parasitos cultivados com 20% do que com 10% de SFB. Os parasitos cultivados por várias passagens no nutridoma tem uma dimuição no colesterol (CHO), mas ainda observamos uma quantidade expressiva de colesterol mostrando que, de alguma forma, os parasitos não perderam o conteúdo total de colesterol das suas membranas, mesmo sendo cultivados sem fonte de colesterol exógeno.

O aumento ou diminuição do conteúdo de colesterol, além de modular a expressão da HMGCoA redutase, modifica o conteúdo de esteróis endógenos da *Leishmania*. Os parasitos cultivados sem fonte de colesterol (WCHOL) apresentam uma maior produção das bandas ND2 e ergosterol (ERG), mostrando que o aumento da expressão da HMGCoA redutase resulta em uma maior produção dos esteróis com

esqueleto ergostano, que pode ser interpretada como um mecanismo homeostático para manter o conteúdo global de esteróis e a membrana estável. As bandas ND1 e ND2, que por falta de padrões comerciais não puderam ser identificadas, provavelmente são os outros esteróis com esqueleto ergostano já descritos em *Leishmania* spp, o episterol e o desidroepisterol.

Possivelmente, o conteúdo de colesterol influencia a expressão da HMGCoA redutase, regulando a biossíntese de ergosterol. A discreta diminuição da expressão desta enzima nos parasitos cultivados com 80% de SFB pode ter sido causado pelo tempo de incubação de 72 horas, curto demais para causar uma regulação maior da enzima.

Esses resultados mostram, então, que a alteração no conteúdo de colesterol do parasito pode modular uma enzima importante na biossíntese do ergosterol e modificar o conteúdo de esteróis endógenos de *Leishmania*.



**Figura 8: Regulação da biossíntese do ergosterol.** (A) promastigotas de *L. amazonensis* foram cultivadas a 26°C em meio  $\alpha$ -Mem com 80% de soro fetal bovino (HMGCoA-80% serum) por 72 horas ou por várias passagens em meio com nutridoma-sp (HMGCoA WithoutChol) e a expressão da HMGCoA redutase foi avaliada por PCR em tempo real (quantitativo). (B) para a análise do perfil de esteróis, os parasitos foram cultivados com 20% (WT 20%SFB) ou 10% (WT 10%SFB) de soro fetal bovino por 72 horas ou por várias passagens em meio com nutridoma-SP (CHO). Os lípideos neutros foram extraídos e submetidos a TLC. (C) a placa de TLC foi submetida a análise por densitometria. A imagem da TLC foi digitalizada e analisada pelo programa "ImageMaster TotalLab v1.11". (UA – Unidades arbitrárias). Legenda: padrão de colesterol (st CHO), colesterol+ergosterol (st CHO and ERG), ergosterol (st ERG), lanosterol (LAN), não determinado (ND).

### 4.3- Efeito da ausência de colesterol exógeno sobre a atividade leishmanicida em amastigotas intracelulares

Depois de observar que a amastigota intracelular tem acesso a LDL endocitada pelo macrófago e mostrar que a ausência de colesterol exogéno pode alterar o conteúdo de esteróis endógenos de promastigotas, avaliamos o efeito da ausência de fontes de colesterol exógeno sobre o crescimento do parasito e sobre a atividade leishmanicida do cetoconazol, miconazol e sinvastatina em amastigotas intracelulares. Macrófagos infectados também foram tratados com 25-OH colesterol, o qual inibe tanto a endocitose de LDL quanto a biossíntese de colesterol pelo macrófago.

Os parasitos apresentaram maior crescimento em macrófagos peritoneais cultivados em meio com soro deslipidado em relação aos cultivados em soro normal (Fig. 9A). Por outro lado, os parasitos tornaram-se mais sensíveis à atividade leishmanicida do cetoconazol (painel B), miconazol (painel C) e sinvastatina (painel D) quando os macrófagos infectados foram cultivados no soro deslipidado, comparado com o soro normal (Fig. 9B-D). O cetoconazol apresentou IC<sub>50</sub> de 6  $\mu$ M na presença de soro completo, enquanto com soro deslipidado o IC<sub>50</sub> foi de 1,4  $\mu$ M, uma diminuição de aproximadamente seis vezes. O miconazol apresentou IC<sub>50</sub> de 4  $\mu$ M com soro completo e 0,5  $\mu$ M com soro deslipidado, uma diminuição maior do que quatro vezes e a sinvastatina apresentou IC<sub>50</sub> de 6  $\mu$ M com soro completo e de 2  $\mu$ M com soro deslipidado, uma diminuição de 3 vezes. Os resultados mostram que a ausência de colesterol exógeno influenciam na atividade dos inibidores da biossíntese do ergosterol.

O tratamento com 25-OH colesterol foi capaz de inibir o crescimento de amastigotas intracelulares e também apresentou diferença de potência na presença de soro completo ou deslipidado. O IC<sub>50</sub> com soro completo foi de 7  $\mu$ M e com soro deslipidado foi de 3,5  $\mu$ M. A inibição da endocitose de LDL e da produção de colesterol exógeno pela 25-OH colesterol parece influenciar no crescimento do parasito, mostrando que de alguma forma o colesterol obtido pelo macrófago, seja via LDL ou produção endógena pode participar no crescimento de amastigotas intracelulares.



Figura 9: Efeito da ausência de colesterol exógeno sobre o crescimento e da atividade leishmanicida do cetoconazol, miconazol, sinvastatina e 25-OH colesterol em amastigotas intracelulares. Macrófagos peritoneais infectados com *L. amazonensis* foram incubados em meio de cultura RPMI suplementado com soro completo ou deslipidado. As culturas permaneceram sem tratamento (A) ou foram tratadas com cetoconazol (B), miconazol (C), sinvastatina (D) ou 25-OH colesterol (D) por 72 horas. Os experimentos foram feitos em triplicatas. Os resultados foram expressos em porcentagem do índice de infecção, pelo seguinte cálculo: % MØ infectados x N° de amastigotas/ N° MØ totais. Os experimentos foram realizados em triplicatas, n=3. Os gráficos são representativos de um experimento, com o valor do desvio padrão. Os gráficos e os valores de IC<sub>50</sub> foram obtidos no programa Graphpad Prism 4. Teste *t* student, \*p<0.5, \*\*p>0.05 \*\*\* p<0.001 em relação ao grupo controle.

4.4- Atividade leishmanicida dos inibidores do transporte de colesterol associados aos inibidores da biossíntese do ergosterol sobre promastigotas e amastigotas intracelulares.

# 4.4.1 – Efeito dos inibidores do transporte de colesterol associados aos inibidores da biossíntese do ergosterol sobre promastigotas de *L. amazonensis*.

Uma vez constatado na forma amastigota que a ausência do colesterol aumenta a atividade do miconazol, cetoconazol e sinvastatina fomos avaliar o efeito de substâncias que inibem a entrada ou o transporte intracelular de colesterol associadas aos inibidores da biossíntese do ergosterol inicialmente em promastigotas de *L. amazonensis*, com o objetivo de analisar o efeito direto nos parasitos . Para isso, utilizamos 3 fármacos como ferramentas farmacológicas: A progesterona, que bloqueia a translocação do colesterol após a degradação da LDL nos lisossomos; a imipramina e o fármaco experimental LBqT01, que inibem o transporte do colesterol por vias ainda não completamente elucidadas.

Esses inibidores foram avaliados, individualmente ou em associação com inibidores da biossíntese do ergosterol. Para avaliar graficamente a interação, os dados também foram plotados na forma de isobolograma, e para estimar o tipo de interação (sinergismo, antagonismo ou neutro), calculando o Índice da Concentração Inibitória Fracional (FICI). A fórmula utilizada para calcular o FICI foi a seguinte: FICI = IC50 de A em combinação/IC50 de A sozinha + IC50 de B em combinação/IC50 de B sozinha. A interpretação dos resultados de FICI, segundo as diretrizes publicadas por Odds (2003)(Odds 2003) são: FICI  $\leq 0.5$  – sinergismo; 0.5 < FICI < 4 - sem interação ou aditivo; FICI  $\geq 4$  – antagonismo.

Os inibidores apresentaram atividade leishmanicida contra promastigotas de *L. amazonensis*, com IC<sub>50</sub> de 30, 5,5 e 40  $\mu$ M, para LBqT 01 (Fig. 10A), imipramina (Fig. 10H) e progesterona (Fig. 10Q), respectivamente.

O IC<sub>50</sub> dos inibidores da biossíntese de esteróis, cetoconazol, miconazol e terbinafina, diminuiu com a associação com os inibidores do tranasporte de colesterol, como podemos observar nos isobologramas (Figs. 10C, E, G, J, M, O, R) e nas tabelas 2, 3 e 4..

As associações entre LBqT01 e cetoconazol, miconazol ou terbinafina resultaram em sinergismo, com valores de FICI de 0,5, 0,2 e 0,5, respectivamente (Figs. 10B, D e F).

A associação entre imipramina e miconazol apresentou valor de FICI igual a 0,5, indicando efeito sinérgico (Fig. 10M). Observamos nas Figuras 5I e 5O as associações de imipramina com cetoconazol e terbinafina, respectivamente, que apresentaram valores de FICI igual a 0,7, indicando efeito aditivo. Em todas as associações observamos o aumento da atividade leishmanicida. O cetoconazol também apresentou uma maior atividade leishmanicida quando associado com a progesterona (Fig. 10R). Essa associação mostrou valor de FICI igual a 0,6, indicando efeito aditivo.















54

G)





Figura 10: Avaliação da atividade leishmanicida dos inibidores do transporte de colesterol associados aos inibidores da biossíntese de esteróis. Promastigotas de *L. amazonensis* foram incubados com os inibidores sozinhos ou associados em diferentes concentrações por 72 horas a 26°C. (A) LBqT 01, (B) LBqT 01 + cetoconazol, (C) isobolograma –LBqT 01 + cetoconazol, (D) LBqT 01 + miconazol, (E) isobolograma – LBqT 01 + miconazol, (F) LBqT 01 + terbinafina, (G) isobolograma – LBqT 01 + terbinafina, (H) imipramina, (I) imipramina+cetoconazol, (L) isobolograma – imipramina + cetoconazol, (M) imipramina + miconazol, (N) isobolograma – imipramina + miconazol, (O) imipramina + terbinafina, (P) isobolograma – imipramina + terbinafina, (Q) progesterona, (R) progesterona + cetoconazol, (S) – isobolograma – progesterona + cetoconazol. Cada ponto plotado nos isobologramas representa a IC<sub>50</sub> dos fármacos sozinhos ou em associação. A reta unindo os ICs<sub>50</sub> individuais representa a linha de aditividade. Os experimentos foram realizados em triplicatas, n=3. Os gráficos são representativos de um experimento, com o valor do desvio padrão. Os gráficos e os valores de IC<sub>50</sub> foram obtidos no programa Graphpad Prism 4. Teste *t* student, \*p<0,5, \*\*p<0,05 \*\*\* p<0,001 em relação ao grupo controle.
LBqT01	Cetoconazol	Miconazol	Terbinafina
0	2,5	2,7	15
2,5	1,2	1,2	5,7
5	0,6	0,6	4,8
10	0,2	0,2	3.13
30	0	0	0

### Tabela 2: Valores de IC<sub>50</sub> (µM) do cetoconazol, miconazol e terbinafina individualmente ou associados com LBqT01.

Os valores de  $IC_{50}$  foram estimados como descrito no item 3.8.

### Tabela 3: Valores de IC<sub>50</sub> (µM) do cetoconazol, miconazol e terbinafina individualmente ou associados com Imipramina.

Imipramina	Cetoconazol	Miconazol	Terbinafina
0	2,5	2,7	15
1,25	1,47	0,9	5,3
2,5	1,04	0,6	3
5	0,13	0,05	0,6
5,5	0	0	0

Os valores de IC<sub>50</sub> foram estimados como descrito no item 3.8.

## Tabela 4: Valores de IC<sub>50</sub> (µM) do cetoconazol individualmente ou associados com progesterona.

Progesterona	Cetoconazol
0	2,5
6,25	1
12,5	0,6
25	0,05
40	0

Os valores de IC<sub>50</sub> foram estimados como descrito no item 3.8.

# 4.4.2 – Toxicidade dos inibidores de utilização de colesterol e dos inibidores da biossíntese de esteróis sobre macrófagos peritoneais.

Para avaliar a atividade dos inibidores de utilização de colesterol pela célula hospedeira, associados com os inibidores da biossíntese do ergosterol, fomos inicialmente analisar a toxicidade desses fármacos. Como é possível observar na Fig. 12, somente a sinvastatina em todas as concentrações testadas (Fig. 11G) e a terbinafina na concentração de 80 µM (Figs. 11F, J, N, R) foram tóxicas para os macrófagos.

Com base no resultado de toxicidade, os ensaios de atividade leishmanicida foram planejados. A sinvastatina não foi testada em macrófagos infectados devido a sua toxicidade em todas as concentrações.















LBqT (20μM)



H)











M)





Q)







**Figura 11 – Efeito da toxicidade dos inibidores em macrófagos peritoneais.** Macrófagos peritoneais não infectados foram incubados com os inibidores da utilização do colesterol individualmente ou associados aos inibidores da biossíntese de esteróis por 72 horas a 37°C. Após esse período, as células foram incubadas com MTT por 1 hora a 37°C. O sobrenadante foi retirado e foram adicionados 200µl de DMSO, para dissolver os cristais de formazan. A absorbância foi lida em espectrofotômetro a 570nm. (A) LBqT 01, (B) imipramina, (C) progesterona, (D) cetoconazol, (E) miconazol, (F) terbinafina, (G) sinvastatina, (H) 20 µM LBqT 01 + cetoconazol, (I) 20 µM LBqT 01 + miconazol, (J) 20 µM LBqT 01 + terbinafina, (L) 12,5 µM imipramina + cetoconazol, (M) 12,5 µM imipramina + miconazol, (N) 12,5 µM progesterona + terbinafina. Os experimentos foram realizados em triplicatas, n=3. \*\*\*P<0.001 em relação ao controle.

4.4.3 – Atividade leishmanicida dos inibidores da utilização de colesterol e inibidores da biossíntese de esteróis sobre macrófagos infectados com *L. amazonensis*.

Após avaliar a toxicidade, iniciamos os testes de atividade em macrófagos infectados com *L. amazonensis*.

As Figuras 12A, 12E e 12I representam a atividade leishmanicida em amastigotas intracelulares do inibidor de entrada e transporte do colesterol, a LBqT01, e dos inibidores do transporte de colesterol, imipramina e progesterona, respectivamente. Esses inibidores apresentaram atividade e mostraram IC<sub>50</sub> igual a 22  $\mu$ M para LBqT01, 16  $\mu$ M para imipramina e 28  $\mu$ M para progesterona.

As associações entre LBqT01 (20  $\mu$ M), cetoconazol ou miconazol apresentaram excelente atividade leishmanida. O cetoconazol e o miconazol, individualmente, apresentaram IC<sub>50</sub> de 7  $\mu$ M e 4,7  $\mu$ M, respectivamente enquanto que quando associadas à LBqT01, houve redução para 3  $\mu$ M e 2  $\mu$ M, respectivamente (Figs. 12B e C). A

associação da LBqT 01 mais terbinafina não apresentou diferença em relação ao fármaco individualmente, com IC<sub>50</sub> de 23  $\mu$ M (Fig 12D).

A atividade leishmanicida do cetoconazol e do miconazol foi aumentada quando associados a imipramina (12,5  $\mu$ M), apresentando IC<sub>50</sub> de 3,8  $\mu$ M e 3,5  $\mu$ M, respectivamente (Figs. 12F e 12G). Assim como foi observado na associação da LBqT01, o IC<sub>50</sub> da terbinafina não foi alterado quando associada à imipramina (Fig. 12H).

A associação entre progesterona e cetoconazol mostrou excelente atividade leishmanicida. O cetoconazol apresentou IC<sub>50</sub> de 7  $\mu$ M e quando foi associada a 25  $\mu$ M de progesterona, observamos uma diminuição no valor de IC50 para 4  $\mu$ M (Fig. 12J). O IC<sub>50</sub> do miconazol foi ligeiramente reduzido de 4,7  $\mu$ M para 4,2  $\mu$ M (Fig. 12L). O tratamento com terbinafina mostrou uma redução no IC<sub>50</sub> de 23  $\mu$ M para 18  $\mu$ M quando associado com a progesterona (Fig. 12M).

Os resultados apresentados nas Figuras 10 e 12, mostram que os inibidores da utilização do colesterol pelo macrófago tem atividade *per se* direta no parasito e que, além disso, o bloqueio da captação e biossíntese de colesterol pelo macrófago influencia a atividade dos inibidores da biossíntese do ergosterol.





**Figura 12:** Atividade leishmanicida dos inibidores em amastigotas intracelulares. Macrófagos peritoneais infectados com *L. amazonensis* não tratados ou tratados com os inibidores da utilização de colesterol e inibidores da biossíntese de esteróis foram incubados por 72 horas a 37°C. Após a incubação, as células foram fixadas e coradas. O índice de infecção foi calculado através da fórmula: % MØ infectados x N° de amastigotas/ N° MØ totais. (A) LBqT01, (B) 20  $\mu$ M LBqT01 + cetoconazol, (C) 20  $\mu$ M LBqT01 + miconazol, (D) 20  $\mu$ M LBqT01 + terbinafina, (E) imipramina, (F) 12,5  $\mu$ M imipramina + cetoconazol, (G) 12,5  $\mu$ M imipramina + miconazol, (H) 12,5  $\mu$ M imipramina + terbinafina, (I) progesterona, (J) 25  $\mu$ M progesterona + cetoconazol, (L) 25  $\mu$ M progesterona + miconazol, (M) 25  $\mu$ M progesterona + terbinafina. Os experimentos foram realizados em triplicatas, n=3. Os gráficos são representativos de um experimento, com o valor do desvio padrão. \*p<0,05, \*\*p<0,01, \*\*\*p<0,001.

# 4.5- Alteração no perfil de esteróis dos parasitos tratados com os inibidores da biossíntese do ergosterol e inibidores da utilização do colesterol

A análise da alteração do conteúdo de esteróis provocado por inibidores da biossíntese do ergosterol (miconazol, cetoconazol e terbinafina) e inibidores da utilização do colesterol (LBqT01, progesterona e imipramina) em promastigotas de *L. amazonensis* foi avaliada por cromatografia gasosa acoplada ao espectômetro de massas (CG-MS). Na Figura 13 (painel A à painel O) podemos observar o perfil cromatográfico dos esteróis dos parasitos tratados com diferentes concentrações dos fármacos descritos. É importante notar que a concentração de cada esterol na amostra é diretamente

proporcional a área do seu respectivo sinal. Dessa forma, uma análise mostrando a quantidade relativa percentual de cada esterol foi realizada através da integração da área dos picos. Tabela 5.

#### A) Controle (C):



### B) Miconazol 2 µM (M2)



### C) Miconazol 8 µM (M8)



### D) Cetoconazol 2 $\mu M$ (C2)

 $\binom{2}{4}$  (3)

28.0

0.25



65

30.0

(24)

31.0

32.0

33.0

(9)

34.0

35.0

36.0

37.0



L) Progesterona 10 µM



### J) LBqT01 40 µM





#### M) Progesterona 20 µM



Figura 13: Efeito dos inibidores da biossíntese do ergosterol e dos inibidores da utilização do colesterol sobre o perfil de esteróis de *L. amazonensis*. Promastigotas de *L. amazonensis* foram crescidas com 10, 20 e 40  $\mu$ M de LBqT01, 10 e 20  $\mu$ M de progesterona, com 2 e 8  $\mu$ M de miconazol, 2 e 8  $\mu$ M de cetoconazol e com 4 e 8  $\mu$ M de terbinafina, 4 e 8  $\mu$ M de imipramina ou somente meio de cultura por 72 horas. Os lipídeos neutros foram extraídos e analisados por GC-MS. Legenda: (M) miconazol; (C) contaminantes do solvente.

Tabela 5: Análise do efeito dos inibidores da biossíntese de ergosterol e dos inibidores da utilização de colesterol exógeno no perfil de esteróis de L. amazonensis

		С	M2	<b>M8</b>	C2	<b>C8</b>	T4	Т8	L10	L20	L40	P10	P20	I4	<b>I8</b>
Substância	SubstânciaPMQuantidade Relativa (%)														
(1) Esqualeno	410	20,61	6,89	0,5	4,12	0.82	25,7	28	7	5,47	2,02	4,43	6,79	7	12,22
(2) Ergosta-5,8,22-trien-3β-ol	396	1,28	-	-	-	-	0,87	0,85	-	-	-	1,29	-	0,44	-
(3) Ergosta-4,7,22-trien-3β-ol	396	1,79	-	-	-	-	1,28	1.02	-	-	-	1,29	47,17	0,38	-
(4) Desconhecido	376	0,55	-	-	-	-	4,36	7,47	-	-	-	-	-	0,42	-
(5) Ergosta-5,7-dien-3β-ol (24 desidroepisterol)	396	1,01	-	-	-	-	1,76	2,17	-	-	-	6,54	-	-	-
(6) Colesterol	386	0,95	7,87	27,59	4,71	0,51	5,74	5,12	16,85	17,58	45,86	3,24	8,98	1,72	4,6
(7) Ergosta-5,7,24-trien-3β-ol (desidroepisterol)	396	69,76	3,27	2,11	-	-	46,8	40,9	53,74	25,46	1,01	31,24	-	82,05	46,63
(8) Ergosta-7,24-dien-3β-ol (Episterol)	398	3,81	-	-	-	-	6,69	7,12	-	-	-	6,56	-	-	-
(9) Lanosterol	426	0,24	3,06	0,2	0,97	0,74	0,96	0,84	8,26	35,08	38,1	2,84	13,85	0,78	1,81
(10) Ergosta-5,24 (28)-dien-3β-ol	398	-	1,94	-	5,1	2,37	-	-	-	-	-	-	-	-	-
(11) Estigmasta-4,7,22-trien-3α-ol	410	-	1,68	-	1,35	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
(12) 14α-metilergosta-8,24(28)-dien-3β-ol	412	-	52,41	36,48	50,85	78,16	-	-	-	6,15	-	2,7	-	0,85	-
(13) $4\alpha$ -14 $\alpha$ -dimetilergosta-8,24(28)-dien-3 $\beta$ -ol,	426	-	17,88	24,5	15,31	12,68	3,55	2,61	-	-	-	-	-	-	-
(obtusifoliol)															
(14) Estigmasta-5,7-dien-3β-ol	412	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
(15) Desconhecido	365	-	-	-	0,68	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-
(16) Ergosta-5,22-dien-3β-ol	380	-	-	-	-	0,15	-	-	-	-	-	-	-	-	-
(17) Colesta-8,24-dien-3β-ol (Zimosterol)	398	-	-	-	-	0,18	-	-	-	-	-	-	-	-	-
(18) Estigmasta-5,7,22-trien-3β-ol	412	-	-	-	-	3,36	-	-	-	-	-	-	-	-	-
(19) Estigmasta 5,7,24-trien-3β-ol	412	-	-	-	-	0,43	-	-	-	-	-	-	-	-	-
(20) Não identificado	410	-	-	-	-	0,12	-	-	-	-	-	-	-	-	-
(21) Não identificado	398	-	-	-	-	0,25	-	-	-	-	-	-	-	-	-
(22) Não identificado	503	-	-	-	-	-	0,9	-	-	-	-	-	-	-	-
(23) Não identificado	394	-	-	-	-	-	1,4	-	-	-	-	-	-	-	-
(24) Não identificado	394	-	-	-	-	-	-	1,41	-	-	-	-	-	-	-
(25) 26,26-dimetil-5,23-ergostadieno	426	-	-	-	-	-	-	-	1,28	10,26	0,4	-	-	-	-
(26) 4-metilcolesta-8,24-dien-3β-ol	398	-	-	-	-	-	-	-	-	-	0,5	-	-	-	-
(27) Não identificado	398	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	1,48	-	-	-
(28)  Nao identificado	3/6	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	2,75	-	-	-
(29)  Esterol dimetilado	382	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	14,78	5,97	4,73	10,24
(30) Colesta-5,24-dien-3p-ol (Desmosterol) (21) Não identificado	280	-	-	-	-		-	-		-	-	3 3 3	0.26	1.36	4,09
(31) Nao Identificado (32) Não identificado	380 406	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	5,55	9,20	0.28	-
(32) Não identificado	400	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	-	7.8
	412														7,0

## 4.6- Atividade leishmanicida *in vivo* da associação de inibidor do biossíntese do ergosterol com um inibidor do transporte do colesterol exógeno.

Para os testes *in vivo* foram selecionados a LBqT01 e o cetoconazol que apresentaram excelente atividade antipromastigota e antiamastigota *in vitro*, e não apresentaram toxicidade em macrófagos peritoneais sozinhos ou associados. Como podemos ver na Figura 14A, o tratamento oral com cetoconazol ou LBqT01 individualmente foi capaz de controlar o desenvolvimento da lesão de forma semelhante. Quando os fármacos foram associados, o desenvolvimento da lesão foi controlado de forma mais eficaz, sugerindo um efeito sinérgico.

Além do controle do desenvolvimento da lesão, não foi observada nenhuma diferença significativa nos níveis séricos das enzimas ALT, AST, creatinina e creatina quinase nos animais tratados e não tratados, mostrando que o tratamento não foi tóxico para o hospedeiro. O colesterol também foi dosado e também não apresentou nenhum alteração significativa (Figs. 14B-F).





F)



Figura 14: Atividade Leishmanicida *in vivo* do tratamento oral do cetoconazol em associação com LBqT01. Camundongos BALB/c (5/grupo) foram infectados na orelha direita com  $2x10^6$  promastigotas de *L. amazonensis* em fase estacionária e os animais foram tratados com LBqT01 (10 mg/kg/dia), cetoconazol (100mg/kg/dia), antimoniato de meglumina (100mg/kg/dia) e a combinação de LBqT01+cetoconazol (10 mg/kg/dia + 100mg/kg/dia). Os animais foram tratados 5 dias por semana por um período de 33 dias. Controles negativos também foram similarmente tratados com PBS. A - Desenvolvimento da lesão durante o tratamento. B-F - Avaliação bioquímica da toxicidade do tratamento, conforme os parâmetros indicados. ALT - Alalina aminotransferase; AST - aspartate aminotransferase. Teste *t* student, \*p<0,5, \*\*p<0,05 \*\*\* p<0,001 em relação ao grupo controle.

### CAPÍTULO 2:

Avaliação do papel do colesterol exógeno e da expressão gênica relacionada a resistência aos inibidores da biossíntese de ergosterol

## 4.7- Caracterização das espécies de *L. braziliensis* (M2904), *L amazonensis* (LTB0016) e *L. guyanensis* (M4147)

Para avaliar a relação do colesterol exógeno com o metabolismo de esteróis endógenos, cepas de *L. amazonensis* e *L. braziliensis* resistentes aos inibidores da biossíntese do ergosterol (miconazol, terbinafina e sinvastatina), foram induzidas por pressão farmacológica.

Antes de iniciar os estudos de resistência e expressão gênica, porém, uma análise filogenética foi realizada para confirmar a identificação de cada espécie. Para a caracterização das cepas de *L. braziliensis e L. guyanensis* (selvagem) (Figs. 15 a 18), foi analisado o gene da pteridina redutase (PTR1) e para *L. amazonensis* (selvagem, sem colesterol e resistentes ao miconazol, terbinafina ou sinvastatina) (Fig. 19 e 20) foi analisado o gene da diidrofolato redutase-timidilato sintase (DHFR-TS). Para confirmar a identificação, as sequências desses genes devem ter 100% de homologia quando comparadas com as sequências correspondes no GeneBank Database. A análise da caracterização mostrou que as espécies estudadas estão corretas.



Figura 15: Alinhamento das sequências do gene PTR1 de *L. braziliensis* MHOM/BR/1975/M2904 selvagem. O DNA genômico foi isolado de promastigotas de *L. braziliensis* na fase log de crescimento, usando o reagente DNAzol (invitrogen), como descrito pelo fabricante. Reação de PCR foi realizada usando iniciadores direto e inverso do gene PTR1 de *L. braziliensis*. A sequência de PTR1 obtida de *L. braziliensis* foi alinhada com sequências de outras espécies (*L. major, L. mexicana, L.infantum*)

depositadas no GeneBank Database (TriTrypDB), usando o programa DNASTAR. Lmex\_PTR1\_TriTrypDB (sequência da PTR1 de *L. mexicana*, GeneBank Database), Lbr\_M2904\_PTR1 (sequência da PTR1 de *L. braziliensis* selvagem), Lbr\_PTR1\_TriTrypDB (sequência da PTR1 de *L. infantum*, GeneBank Database), Lin\_PTR1\_TriTrypDB (sequência da PTR1 de *L. infantum*, GeneBank Database), Lmj\_PTR1\_TriTrypDB (sequência da PTR1 de *L. infantum*, GeneBank Database), Lmj\_PTR1\_TriTrypDB (sequência da PTR1 de *L. infantum*, GeneBank Database), Lmj\_PTR1\_TriTrypDB (sequência da PTR1 de *L. infantum*, GeneBank Database), Lmj\_PTR1\_TriTrypDB (sequência da PTR1 de *L. infantum*, GeneBank Database), Lmj\_PTR1\_TriTrypDB (sequência da PTR1 de *L. infantum*, GeneBank Database), Lmj\_PTR1\_TriTrypDB (sequência da PTR1 de *L. infantum*, GeneBank Database), Lmj\_PTR1\_TriTrypDB (sequência da PTR1 de *L. infantum*, GeneBank Database), Lmj\_PTR1\_TriTrypDB (sequência da PTR1 de *L. infantum*, GeneBank Database), Lmj\_PTR1\_TriTrypDB (sequência da PTR1 de *L. major*, GeneBank Database).



Figura16: Análise Filogenética da sequência de PTR1 de *L. braziliensis* MHOM/BR/1975/M2904 selvagem. As sequências de PTR1 de *L. braziliensis* foram comparadas com as sequências de PTR1 de *L. infantum*, *L. major*, *L. mexicana L. braziliensis*, depositadas no GenBank Database (TriTrypDB).



Figura 17: Alinhamento das sequências do gene PTR1 de *L. guyanensis* MHOM/BR/1975/M4147 selvagem . O DNA genômico foi isolado de promastigotas de *L. guyanensis* na fase log de crescimento, usando o reagente DNAzol (invitrogen), como descrito pelo fabricante. Reação de PCR foi realizada usando primers senso e anti senso do gene PTR1 de *L. guyanensis*. A sequência de PTR1 obtida de *L. braziliensis* foi alinhada com sequências de outras espécies (*L. major, L. mexicana, L.infantum*) depositas no GeneBank Database (TriTrypDB), usando o programa DNASTAR. Lmex\_PTR1\_TriTrypDB (sequência da PTR1 de *L. mexicana*, GeneBank Database), Lbr\_M2904\_PTR1 (sequência da PTR1 de *L. braziliensis*, GeneBank Database), Lin\_PTR1\_TriTrypDB (sequência da PTR1 de *L. infantum*, GeneBank Database), Lmj\_PTR1\_TriTrypDB (sequência da PTR1 de *L. major*, GeneBank Database). Os alinhamentos foram obtidos pela ferramenta MultiAlign.



Figura 18: Análise Filogenética da sequência de PTR1 de *L. guyanensis* MHOM/BR/1975/M4147 selvagem. As sequências de PTR1 de *L. guyanensis* foram comparadas com as sequências de PTR1 de *L. infantum*, *L. major*, *L. mexicana L. braziliensis*, depositadas no GenBank Database (TriTrypDB).



Figura 19: Alinhamento das sequências do gene DHFR-TS de *L*. amazonensis MHOM/BR/77//LTB0016 selvagem, resistentes (miconazol, terbinafina e sinvastatina) e sem colesterol. O DNA gênomico foi isolado de promastigotas de L. amazonensis selvagem, resistentes e sem colesterol na fase log de crescimento, usando o reagente DNAzol (invitrogen), como descrito pelo fabricante. A reação de PCR foi realizada usando iniciadores direto e inverso do gene DHFR-TS de L. mexicana. A sequência de DHFR-TS obtida de L. amazonensis foi alinhada com sequências de outras espécies (L. major, L. mexicana, L.infantum, L. braziliensis e L. tarentolae) depositadas no GeneBank Database (TriTrypDB), usando o programa DNASTAR. Lamaz-LTB0016-WT-DHF (sequência da DHFR-TS de L. amazonensis selvagem), Lamaz-LTB0016-MR-DHF (sequência da DHFR-TS de L. amazonensis resistente ao miconazol), Lamaz-LTB0016-TR-DHF (sequência da DHFR-TS de L. amazonensis resistente a terbinafina), Lamaz-LTB0016-SR-DHF (sequência da DHFR-TS de L. amazonensis resistente a sinvastatina), Lamaz-LTB0016-CHO-DHF (sequência da DHFR-TS de L. amazonensis cultivada sem colesterol), Lamaz-DHFR-TriTrypDB (sequência da DHFR-TS, GeneBank Database), Lmex-DHFR-TriTrypDB (sequência da DHFR-TS de L. mexicana, GeneBank Database), Linf-DHFR-TriTrypDB (sequência da DHFR-TS de L. infantum, GeneBank Database), Lmj-DHFR-TriTrypDB (sequência da DHFR-TS de L. major, GeneBank Database), Lta-DHFR-TriTrypDB (sequência da gene DHFR-TS de L. tarentolae, GeneBank Database), Lbr-DHFR-TriTrypDB (sequência da DHFR-TS de L. braziliensis, GeneBank Database).



Figura 20: Análise Filogenética da sequência de DHFR-TS de *L. amazonensis* MHOM/BR/77//LTB0016 selvagem, resistentes (miconazol, terbinafina e sinvastatina) e sem colesterol. As sequências de DHFR-TS de *L. amazonensis* das cepas selvagens, resistentes e sem colesterol foram comparadas com as sequências de DHFR-TS de *L. amazonensis*, *L. infantum*, *L. major*, *L. mexicana*, *L. tarentolae*, *L. braziliensis*, depositadas no GenBank Database (TriTrypDB).

# 4.8- Indução de resistência aos inibidores da biossíntese de ergosterol em promastigotas de *L. amazonenses, L braziliensis* e *L. guyanensis*.

Para iniciar a indução de resistência, experimentos foram realizados para determinar os valores de IC<sub>50</sub> dos inibidores da biossíntese do ergosterol nas cepas selvagens . A concentração utilizada para iniciar a seleção das cepas resistentes foi a IC<sub>50</sub> de cada inibidor (miconazol 2,7  $\mu$ M, terbinafina 16,33  $\mu$ M e sinvastatina 24  $\mu$ M para *L. amazonensis*, terbinafina 9  $\mu$ M para *L. braziliensis* e ; miconazol 1,9  $\mu$ M e sinvastatina 30  $\mu$ M para *L. guyanensis*). Na Tabela 6 podemos ver a concentração máxima atingida na indução de resistência a cada inibidor. As cepas resistentes selecionadas foram as seguintes: *Leishmania amazonensis* resistente ao miconazol (MicoRes016), *Leishmania amazonensis* resistente a terbinafina (TerbRes0100), *Leishmania amazonensis* resistente a sinvastatina (SimvRes0100), *Leishmania braziliensis* resistente a terbinafina (TerbRes060) e *Leishmania guyanensis* resistente ao miconazol (MicoRes012) e *L. guyanensis* resistente a sinvastatina (SimvRes080).

	L. amazonensis	L. braziliensis	L. guyanensis
Miconazol	16	12	-
Terbinafina	100	60	-
Sinvastatina	100	-	80

Tabela 6 : Concentração máxima (μM) utilizada na indução de resistência aos inibidores da biossíntese do ergosterol

# 4.9- Atividade leishmanicida dos inibidores da biossíntese de ergosterol em promastigotas de *L. amazonensis* selvagem e resistentes.

Após a obtenção das cepas resistentes, a atividade antileishmania dos inibidores da biossíntese do ergosterol (miconazol, terbinafina e sinvastatina) foi avaliada nos parasitos resistentes. As cepas resistentes MicoRes016, TerbRes0100 e SimvRes0100 apresentaram IC<sub>50</sub> de 20  $\mu$ M, 45  $\mu$ M e 77  $\mu$ M, respectivamente (Tabela 7).

Experimentos de resistência cruzada com fármacos que possuem outros mecanismos de ação foram realizados (miltefosina, anfotericina B e antimônio III (SbIII) (Fig. 21 A-S). As cepas resistentes ao miconazol (MicoRes016) apresentaram resistência cruzada à sinvastatina e anfotericina B e ficaram mais sensíveis ao tratamento com SbIII. As cepas resistentes à terbinafina (TerbRes0100) apresentaram resistência cruzada ao miconazol, sinvastatina, anfotericina B e SbIII e as cepas resistentes à sinvastatina tiveram resistência cruzada à terbinafina, miltefosina, anfotericina B, SbIII e miconazol (Tabela 7).







Figura 21: Atividade leishmanicida do miconazol, terbinafina, sinvastatina, miltefosina, anfotericina B e antimônio III nas cepas de *L. amazonensis* selvagens e resistentes aos inibidores da biossíntese do ergosterol. Promastigotas de *L. amazonensis* selvagens e resistentes aos inibidores da biossíntese do ergosterol foram incubadas com diversas concentrações de miconazol, terbinafina, sinvastatina, miltefosina, anfotericina B e antimônio III por 96 horas a 26°C, em placa de 24 poços. Após o período de incubação a densidade óptica (D.O) foi medida com a utilização de um espectofotômetro. Os experimentos foram realizados em triplicata.

mibidores du prossintese do ergosteron							
	Lamaz WT	Lamaz MicoRes 016	Lamaz TerbRes 0100	Lamaz SimvRes 100			
Miconazol (µM)	2,7	20	17.7	7			
Terbinafina (μM)	16,33	19,06	45	45			
Sinvastatina (µM)	24	60,37	76	77			
Miltefosina (µM)	7	10,72	10,62	19,13			
Anfotericina Β (μΜ)	0,0625	0.8	0,2	0,2			
Sb III (μM)	27,85	16,74	57,16	93,48			

Tabela 7: Valores de IC<sub>50</sub> das cepas de *L. amazonensis* selvagens e resistentes aos inibidores da biossíntese do ergosterol.

As cores destacam a ocorrência de resistência cruzada

# 4.10- Atividade leishmanicida dos inibidores da biossíntese de ergosterol em promastigotas de *L. braziliensis e L. guyanensis* resistentes e selvagens.

Após a obtenção de promastigotas de resistentes, a atividade leishmanicida dos inibidores da biossíntese do ergosterol (miconazol, terbinafina e sinvastatina) foi avaliada nos parasitos. As cepas de *L. braziliensis* resistentes MicoRes012 e TerbRes060 apresentaram IC<sub>50</sub> de 10  $\mu$ M e 30 $\mu$ M e a cepa de *L. guyanensis* resistente SimvRes080 apresentou IC<sub>50</sub> de 70  $\mu$ M (Tabelas 8 e 9).

Experimentos de resistência cruzada com fármacos que possuem outros mecanismos de ação também foram realizados (miltefosina, anfotericina B e antimônio III (SbIII) (Fig. 22 A-S). As cepas resistentes ao miconazol (MicoRes012) apresentaram resistência cruzada a todos os fármacos testados. A cepa resistente à terbinafina (TerbRes060) apresentou resistência cruzada somente à sinvastatina. A cepa de *L. guyanensis* resistente a sinvastatina apresentou resistência cruzada à anfotericina B, ao antimônio III e à miltefosina.







Figura 22: Atividade leishmanicida de miconazol, terbinafina, simvastatina, miltefosina, anfotericina B e antimônio III nas cepas de *L. braziliensis e L. guyanensis* selvagens e resistentes aos inibidores da biossíntese do ergosterol. Promastigotas de *L. amazonensis* selvagens e resistentes aos inibidores da biossíntese do ergosterol foram incubadas com diversas concentrações de miconazol, terbinafina, simvastatina, miltefosina, anfotericina B e antimônio III por 96 horas a 26°C, em placa de 24 poços. Após o período de incubação a densidade óptica (D.O) foi medida com a utilização de um espectofotômetro. Os experimentos foram realizados em triplicata. Legenda:A-F cepa de *L. guyanensis* resistente a o miconazol; G-M cepa de *L. braziliensis* resitente a terbinafina; N-S: cepa de *L. guyanensis* resistente a sinvastatina.

	Lbraz WT	Lbraz TerbRes 060
Miconazol (µM)	1,7	3,6
Terbinafina(µM)	9	30
Sinvastatina(µM)	40	76,42
Miltefosina(µM)	11,7	14,7
Anfotericina B(µM)	0,2	0,2
Sb III(μM)	21,4	11,64

 Tabela 8 : Valores de IC<sub>50</sub> das cepas de *L. braziliensis* selvagens e resistentes aos inibidores da biossíntese do ergosterol.

As cores destacam a ocorrência de resistência cruzada

Tabela 9: Valores de IC50 das cepas de L. guyanensis selvagens e resistentes aos inibidoresda biossíntese do ergosterol.

	Lguy WT	Lguy Mico 012	Lguy SimRes 080
Miconazol (µM)	1,9	10	2
Terbinafina(µM)	20,45	30	13,7
Sinvastatina(µM)	30	70	75
Miltefosina(µM)	4,2	28	8,3
Anfotericina Β(μΜ)	0,1	0,4	0,2
Sb III(µM)	14	56	25

As cores destacam a ocorrência de resistência cruzada

## 4.11- Modulação da via de biossíntese de esteróis e utilização de colesterol exógeno pelas cepas resistentes aos inibidores da biossíntese do ergosterol.

Para avaliar o mecanismo de resistência das cepas resistentes aos inibidores da biossíntese do ergosterol, a expressão das principais enzimas da via foi analisada por PCR quantitativo e o perfil de esteróis avaliado por TLC.

As enzimas avaliadas por PCR quantitativo foram HMGCoA redutase (inibida pela sinvastatina), esqualeno epoxidase (inibida pela terbinafina), lanosterol sintetase, lanosterol C-14 desmetilase (inibida pelo miconazol), farnesiltransferase, esqualeno sintase, esqualeno monooxigenase ou esterol 24-metiltransferase (Fig. 23).

A cepa de *L. amazonensis* resistente a sinvastatina apresentou aumento da concentração de transcritos de mRNA da HMGCoA redutase de 4,5 vezes, da lanosterol sintase 2 vezes e diminuição na expressão da lanosterol C-14 desmetilase de 2 vezes. As enzimas farnesiltransferase, esqualeno monooxigenase e esterol 24-metiltransferase não tiveram alteração significativa. O perfil de esteróis da cepa resistente também foi alterado, com diminuição da banda ND2 (esterol com esqueleto ergostano) e um pequeno aumento de colesterol (Fig 24).

As enzimas avaliadas na cepa de *L. amazonensis* resistente ao miconazol foram HMGCoA redutase e lanosterol C-14 desmetilase. A enzima que é inibida pelo miconazol, a lanosterol C-14 desmetilase, surpreendentemente não apresentou alteração significativa. A enzima HMGCoA redutase apresentou diminuição na expressão de mRNA de 24 vezes. O perfil de esteróis também foi alterado, mostrando uma diminuição das bandas ND2 e ergosterol (ERG) e um pequeno aumento de lanosterol e um grande aumento de colesterol. O colesterol provavelmente está sendo usado em substituição a diminuição as esteróis com esqueleto ergostano, podendo estar relacionado ao mecanismo de resistência (Fig 25).

A cepa de *L. amazonensis* resistente a terbinafina apresentou pequena diminuição na expressão da HMGCoA redutase e aumento de 2 vezes na esqualeno monooxigenase, enzima que é inibida pela terbinafina. O perfil de esteróis também foi alterado, mostrando diminuição da banda ND2, e aumento de colesterol, lanosterol, ND1 e ergosterol. (Fig. 26).

A cepa de *L. braziliensis* resistente a terbinafina apresentou pequeno aumento na expressão da lanosterol C-14 desmetilase, aumento de 4 vezes na expressão da esqualeno monooxigenase e de 10 vezes na HMGCoA redutase. Esse aumento da HMGCoA pode explicar a resistência cruzada apresentada a sinvastatina. O perfil de

esteróis também foi alterado, mostrando uma diminuição da banda ND2 e ergosterol (ERG) e um aumento de lanosterol ou outro esterol similar, metilado em 14, com mesmo padrão de corrida cromatográfica (Fig. 27).

Não foi possível avaliar a expressão das enzimas da *L. guyanensis* resistente ao miconazol por PCR quantitativo, mas essa cepa apresentou diminuição das bandas ND2 e ergosterol (ERG) e acúmulo de colesterol e lanosterol (ou similar) (Fig. 28). Esse acúmulo foi semelhante ao apresentado pela cepa de *L. amazonensis* resistente ao miconazol, mostrando que o colesterol tem um papel importante no mecanismo de ação das cepas resistentes.



**Figura 23: Esquema da via de biossíntese de esteróis**. As enzimas avaliadas nos experimentos de PCR quantitativo estão representadas em negrito e os fármacos utilizados na indução de resistência estão representados em vermelho. A sinvastatina inibe a HMGCoA redutase, a terbinafina inibe a esqualeno epoxidase (esqualeno monooxigenase), e o miconazol inibe a lanosterol C-14 desmetilase.



**Figura 24**: Alteração da biossíntese do ergosterol na cepa de *L.amazonensis* resistente a simvastatina. A expressão de mRNA e o perfil de esteróis foram avaliados em promastigota de *L. amazonensis* selvagem (WT) e resistente a sinvastatina (SimRes). Legenda:, colesterol (CHO), ergosterol (ERG), lanosterol (LAN), Banda não identificada 1 (ND1), banda não identificada 2 (ND2), (HMGCoA redutase), farnesiltransferase (Farnesyl), esqualeno monooxigenase (Sqmon), lanosterol sintetase (LanSyn), lanosterol C-14 desmetilase (C-14), esterol 24-metiltransferase (24-Methyl).



**Figura 25**: Alteração da biossíntese do ergosterol na cepa de *L.amazonensis* resistente ao miconazol. A expressão de mRNA e o perfil de esteróis foram avaliados em promastigota de *L. amazonensis* selvagem (WT) e resistente a miconazol (MicoRes). Legenda:, colesterol (CHO), ergosterol (ERG), lanosterol (LAN), Banda não identificada 1 (ND1), banda não identificada 2 (ND2), (HMGCoA redutase), lanosterol C-14 desmetilase (C-14).



**Figura 26:** Alteração da biossíntese do ergosterol na cepa de *L.amazonensis* resistente a terbinafina. A expressão de mRNA e o perfil de esteróis foram avaliados em promastigota de *L. amazonensis* selvagem (WT) e resistente a terbinafina (TerbRes). Legenda:, colesterol (CHO), ergosterol (ERG), lanosterol (LAN), Banda não identificada 1 (ND1), banda não identificada 2 (ND2), (HMGCoA redutase), esqualeno monooxigenase (Sqmon).



**Figura 27:** Alteração da biossíntese do ergosterol na cepa de *L. braziliensis* resistente a terbinafina. A expressão de mRNA e o perfil de esteróis foram avaliados em promastigota de *L. braziliensis* selvagem (WT) e resistente a terbinafina (TerbRes). Legenda:, colesterol (CHO), ergosterol (ERG), lanosterol (LAN), Banda não identificada 1 (ND1), banda não identificada 2 (ND2), (HMGCoA redutase), esqualeno monooxigenase (Sqmon), lanosterol C-14 desmetilase (C-14).



**Figura 28:** Alteração da biossíntese do ergosterol na cepa de *L. guyanensis* resistente ao miconazol. O perfil de esteróis foram avaliados em promastigota de *L. braziliensis* selvagem (WT) e resistente ao miconazol (MicoRes). Legenda:, colesterol (CHO), ergosterol (ERG), lanosterol (LAN), Banda não identificada 1 (ND1), banda não identificada 2 (ND2).
#### 4.12 – Análise do genoma total da cepa de *L. guyanensis* resistente a sinvastatina.

O DNA total da cepa de *L. guyanensis* resistente a sinvastatina foi sequenciado, com o objetivo de buscar alguma amplificação gênica que possa estar relacionado com a resistência apresentada um mecanismo frequentemente observado nos fenômenos de resistência em *Leishmania* spp, (Myler, 2008). Foram sequenciados os 35 cromossomos das cepas selvagem e resistente a sinvastatina (Fig. 29A-G1). Foi obtido um total de 27.809.293 e 15.573.027 "reads" (número de sequências lidas) da cepa selvagem e resistente. Os valores de "reads" podem ser usados para prever as variações no número de cópias, sendo de amplificações ou deleções.

Observamos alterações nos cromossomos 14 e 17. Os cromossomos 14 e 17 apresentaram um número maior de genes amplificados (Figs. 29 O e R), que compreendem a janela genômica de 470.000 até 520.000 para o cromossomo 14 e de 345.000 até 395.000 para o cromossomo 17. No cromossomo 14 foram amplificados 16 genes e no cromossomo 17 foram 10 genes.

Dentre os genes amplificados no cromossomo 14 podemos citar os genes da tirosina fosfatase (LbrM.14.1280), da cinesina k39 (LbrM.14.1310) e da cinesina (Lbr.14.1170), os dois últimos relacionadas à motilidade do parasita. Além desses genes citados acima, 13 genes foram identificados como proteína hipotética. Desse grupo podemos citar os domínios da proteína que é codificada por esse gene, que foram encontradas através de análise de BLASTP: LbrM14.1180 (membro 2 da família da proteína que promove a polimerização da tubulina), Lbr14.1210 (proteína 39A), Lbr14.1260 (mucina-7), LbrM14.1240 (proteína vacuolar SNF8 – complexo ESCRT-II subunidade VPS22), LbrM14.1160 (membro 2 da família da proteína que promove a polimerização da tubulina), LbrM14.1300 (fosfoglicerato desidrogenase).

No cromossomo 17 podemos citar os genes da proteína cinase (LbrM17.0900), fosfaditilinositol cinase (LbrM17.0840), "splicing factor 3A" (LbrM17.0860), "DNAJ domain protein" (LbrM.17.0860), queuina RNAt ribosiltransferase (LbrM.17.0880), OSMB-like cinesina (LbrM.17.0810). Além desses genes descritos acima, foram encontrados 4 genes que codificam proteínas hipotéticas. O domínio da proteína que é codificada por esse gene foi encontrado através de análise de BLASTP: LbrM.17.0830 (floculina-11), Lbr.17.0870 (mucina-3), LbrM.17.0820 (adesina rica em serina) e LbrM.17.0850 (mucina-19 e mucina-17). Em conjunto, esses resultados indicam que a cepa resistente a sinvastatina amplificou alguns genes para sobreviver aos estresse contínuo provocado pela pressão farmacológica. Testes adicionais deverão ser realizados para confirmar essas alterações e identificar o mecanismo envolvido na resistência.











**Figura 29:** Análise da variação do número de cópias dos cromossomos *L. guyanensis* resistente a sinvastatina. O DNA dos parasitos resistentes e selvagens foi extraído e sequenciado (Hiseq). Para o sequenciamento total do DNA as amostras foram preparadas como descrito no item 3.16.. O DNA total da cepa selvagem e resistente foi sequenciado.

### 4.13 - Clonagem dos transportadores ABCG1, ABCG4 E ABCG6

Os transportadore ABC possuem diversas funções nas células de mamíferos, transportando fosfolipídeos e colesterol. Os transportadores ABCG1, ABCG4 e ABCG6 transportam colesterol fosfolipídeos em células de mamíferos. Estes dois últimos já foram descritos em *Leishmania* spp. com a função de transporte de fosfolipídeo.

Para estudar o papel dos transportadores ABC no transporte de esteróis em *Leishmania*, transportadores ABCG1, ABCG4 e ABCG6 foram amplificados e clonados. Na Figura 30 podemos observar a amplificação de cada gene. Na Figura 31 observamos a clonagem de cada gene no vetor de expressão pGemT easy. Observamos duas bandas na figura, uma correspondente ao vetor PGemT (3015 pb) e o inserto de cada gene (ABCG1: 1974 bp; ABCG4: 2232 bp; ABCG6: 2043 bp). As bandas de cada inserto foram purificadas e uma alíquota foi enviada para o sequenciamento. Nas Figuras 32, 33 e 34 podemos ver o alinhamento das sequências dos transportadores ABCG1, ABCG4 e ABCG6, respectivamente. Um BLAST também foi realizado para

confirmar as sequências. As sequências dos transportadores ABCG1, ABCG4 e ABCG6 de *L. amazonensis* apresentaram 98% de homologia com os transportadores de *L. mexicana* (Genebank Database). Após a clonagem, os genes foram subclonados em vetor psp72 $\alpha$ NEO $\alpha$  e transfectados em promastigotas de *L. amazonensis* (Figs. 35, 36, 37). No final da transfecção, conseguimos obter 3 mutantes, cada um superexpressando cada transportador ABC.



**Figura 30 : Amplificação dos transportadores ABCG1, ABCG4 e ABCG6.** As sequências gênicas dos transportadores ABCG1, ABCG4 e ABCG6 foram amplificadas do DNA genômico de *L. amazonensis* por PCR usando os primers senso e antisenso de cada gene. Tamanho da sequência de cada gene: ABCG1: 1974 bp; ABCG4: 2232 bp; ABCG6: 2043 bp. Legenda: P (padrão de peso molecular – DNA leader).



Figura 31: Clonagem dos transportadores ABCG1, ABCG4 e ABCG6 no vetor de clonagem pGemT easy. Transportadores ABCG1, ABCG4 e ABCG6 foram clonados em vetor de expressão pGEM T easy usando bactérias competentes DH5 $\alpha$ . A sequência de cada gene foi liberada do pGEM T, usando as enzimas de restrição XbaI e HindIII. Tamanho do vetor pGemT: 3015pb. Legenda: P (padrão de peso molecular – DNA leader).

	1	10	20	30	40	50	60	70	80	90	100	110	120	0 130
LnexH06,0080-ABCG1-T LanazLTB0016-ABCG1 Consensus	CGATA CGG CGa	CGGAGAA GAGGGAA GaaGaA	iccaagaga iccaagaga iccaagaga	ATATCAGCAA ATAACNGCAN ATAACAGCAA	CGACGGTCACO CGACGGTCACO CGACGGTCACO	CAGCCCATTTO CAGCCCATTTO CAGCCCATTTO	CCTCTGGCGAO CCTCTGGCGAO CCTCTGGCGAO	CGTAACCCC CGTAACCCC CGTAACCCC	CGGCTGCACO CGGCTGCACO CGGCTGCACO	IGCTCCATCAT IGCTCCATCAT IGCTCCATCAT	TGAATTCGAO TGAATTCGAO TGAATTCGAO	TCCAGAACGO TCCAGAACGO TCCAGAACGO	:CGAAGGTAGI :CGAAGG <mark>C</mark> AGI :CGAAGG <mark>C</mark> AGI	ICAGCGTGCCG ICAGCGTGCCG ICAGCGTGCCG
	131	140	150	160	170	180	190	200	210	) 220	230	240	25	260
LnexH06,0080-ABCG1-T LanazLTB0016-ABCG1 Consensus	AACAG AACAG AACAG	ICTACTCO ICTACTCO ICTACTCO	CTGCCGCT CTGCCGCT CTGCCGCT	GTCATGGCACI GTCATGGCACI GTCATGGCACI	AGGCTGTGCTF AGGCTG <mark>A</mark> GCTF AGGCTG <mark>a</mark> GCTF	ICAGCGTCGGI ICAGCGTCGGI ICAGCGTCGGI	Caagaagcgca Caagaagcgca Caagaagcgca	ITCCTGTGCA ITCCTGTGCA ITCCTGTGCA	GGCTGACGGO GGCTGACGGO GGCTGACGGO	GACTGCGCTG GACTGCGCTG GACTGCGCTG	CCCGGGCGAT CCCGGGCGAT CCCGGGCGAT	GCCTCGCGG GCCTCGCGA GCCTCGCGA	CCTCGGGTCO CCTCGGGTCO CCTCGGGTCO	STC <mark>C</mark> GGTGCCG STCTGGTGCCG STC <b>C</b> GGTGCCG
	261	270	280	290	300	310	320	330	340	) 350	360	370	380	) 390
LnexH06.0080-ABCG1-T LanazLTB0016-ABCG1 Consensus	gcaag gcaag gcaag	iacaacgt iacaacgt iacaacgt	TCCTGAAC TCCTGAAC TCCTGAAC	GCGATCTGCGI GCGATCTGCGI GCGATCTGCGI	ACCGACTAGCO ACCGACTAGCO ACCGACTAGCO	TCTGGCGGTI TCTGGCGGTI TCTGGCGGTI	AAGCTGACGC1 AAGCTGAAGC1 AAGCTGAAGC1	GAGCGGGAG GAGCGGGAG GAGCGGGAG	GCGCCAGCTO GCGCCAGCTO GCGCCAGCTO	IGGCGACTGTG IGGCGACTGTG IGGCGACTGTG	AGTTCGAGCO AGTTCGAGCO AGTTCGAGCO	IGCACTTTCGO IGCACTTTCGO IGCACTTTCGO	:AAGGCGATG :AAGGCGATG :AAGGCGATG	GGTTCGTGGC GGTTCGTGGC GGTTCGTGGC
	391	400	410	420	430	440	450	460	470	480	490	500	510	520
LnexH06,0080-ABCG1-T LanazLTB0016-ABCG1 Consensus	GCAGG GCAGG GCAGG	ACGACAT ACGACAT ACGACAT	ICATCTCGC ICATCTCGC ICATCTCGC	CGCTGTCGACI CGCTGTCGACI CGCTGTCGACI	GCCGTACGACO GCCGTACGACO GCCGTACGACO	CGCTGTGGT CGCTGTGGT CGCTGTGGT	TCTCGCTGCG( TCTCGCTGCG( TCTCGCTGCG(	ACGCGGCGC ACGCGGCGC ACGCGGCGC	GGGACGAGCO GGGACGAGCO GGGACGAGCO	CGTGCGGAGAG CGTGCGGAGAG CGTGCGGAGAGAC	GGCGGAGCGT GGCGGAGCGT GGCGGAGCGT	GTGCATGAGO GTGCATGAGO GTGCATGAGO	ITGCTGAATG Itgctgaatg Itgctgaatg	ICCTGCGGTTG ICCTGCGGTTG ICCTGCGGTTG
	521 	530	540	550	560	570	580	590	600	610	620	630	64	) 650
LnexH06,0080-ABCG1-T LanazLTB0016-ABCG1 Consensus	CGGCA CGGCA CGGCA	ICTGCTGC ICTGCTGC ICTGCTGC	CGGCACGAA CGGCACGAA CGGCACGAA	GGTCGGCATTI GGTCGGCATTI GGTCGGCATTI	CCCGGCCTGGF CCCGGCCTGGF CCCGGCCTGGF	IGGCTGGGCT( IGGCTGGGCT( IGGCTGGGCT(	GTCTGGTGGGG GTCTGGTGGGG GTCTGGTGGGG	AGCGCAAGC AGCGCAAGC AGCGCAAGC	GGTGCAGCA1 GGTGCAGCA1 GGTGCAGCA1	CGGGATCGAG CGGGATCGAG CGGGATCGAG	CTGATCTGCO CTGATCTGCO CTGATCTGCO	ACCCGAAGA1 ACCCGAAGA1 ACCCGAAGA1	CCTGCTGCT CCTGCTGCT CCTGCTGCT	rgacgagccga rgacgagccga rgacgagccga
	651	660	670	680	690	700	710	720	730	) 740	750	760	770	) 780
LnexH06,0080-ABCG1-T LanazLTB0016-ABCG1 Consensus	CGTCT CGTCT CGTCT	GGGCTGG GGGCTGG GGGCTGG	ACTCCGTG ACTCCGTG ACTCCGTG	ACATCTGCGAI Acatctgcgai Acatctgcgai	AGGTGGTGCAC AGGTGGTGCAC AGGTGGTGCAC	CTGCTGCGCO CTGCTGCGCO CTGCTGCGCO	CAGCTGTCGCO Cagctgtcgco Cagctgtcgco	GACGGG <mark>C</mark> CG GACGGGTCG GACGGG <mark>C</mark> CG	CACCATGATO Caccatgato Caccatgato	CTACACGATCO CTACACGATCO CTACACGATCO	ATCAGCCGAC ATCAGCCGAC ATCAGCCGAC	TGCGGAGGTO TGCGGAGGTO TGCGGAGGTO	ICTGTCGTAC Ictgtcgtac Ictgtcgtac	rtcgacgacgt rtcgacgacgt rtcgacgacgt
	781	790	800	810	820	830	840	850	860	870	880	890	900	) <b>91</b> 0
LnexH06,0080-ABCG1-T LanazLTB0016-ABCG1 Consensus	GATGC GATGC GATGC	TGATGAC TGATGAC TGATGAC	CGCAGGG <mark>CC</mark> CGCAGGGGTC CGCAGGGGCC	GCATTGCGTAI GCATTGCGTAI GCATTGCGTAI	CCACGGGACGF CCACGGGACGF CCACGGGACGF	ITGGCTGCGT( ITGGCTGCGT( ITGGCTGCGT(	CGCTGGACTAO CGCTGGACTAO CGCTGGACTAO	TTCGAGTCC TTCGAGTCC TTCGAGTCC	ATCGGGTTCC Atcgggttcc Atcgggttcc	CGTGCCCGGA CGTGCCCGCA CGTGCCCGCA	CAAGTACACO CAAGTACACO CAAGTACACO	ICCGACGGACI ICCGACGGACI ICCGACGGACI	ACTACATGG Actacatgg Actacatgg	FGCTGCTGCAG FGCTGCTGCAG FGCTGCTGCAG
	911 	920	930	940	950	960	970	980	990	) 1000	1010	1020	103	) 1040
LnexM06,0080-ABCG1-T LanazLTB0016-ABCG1 Consensus	GACAG GACAG GACAG	icgtgacg icgtgacg icgtgacg	AGCAATGT Agcaatgt Agcaatgt	CCTGATCAAG CCTGATCAAG CCTGATCAAG	CGTTGGCGCAF CGTTGGCGCAF CGTTGGCGCAF	IGTACCTGAAI Igtacctgaai Igtacctgaai	GGACGCACCTO GAACGGACCTO GaACGCACCTO	GCACGCCGC GCACGCCGC GCACGCCGC	ACACTGCCGO ACACTGCCGO ACACTGCCGO	TGTGCGTCTC TGTGCGTCTC TGTGCGTCTC	GCGAGGAGCO GCGAGGAGCO GCGAGGAGCO	GCAGTGATTO GCAGTGATTO GCAGTGATTO	GTCTGCTGCI GTCTGCTGCI GTCTGCTGCI GTCTGCTGCI	SCGGTTCCTGG SCGGTTCCTGG SCGGTTCCTGG
	1041	1050	1060	1070	1080	1090	1100	1110	1120	) 1130	1140	1150	116	) 1170
LnexH06,0080-ABCG1-T LanazLTB0016-ABCG1 Consensus	ATGCG AtgCG AtgCG	TACATTO TACATTO TACATTO	CGAAGTTC CGAAGTTC CGAAGTTC	GGCAGCTCGCI GGCAGCTCGCI GGCAGCTCGCI	CGGCTGTGCAG CGGCTGTGCAG CGGCTGTGCAG	TTGTACGAGO TTGTACGAGO TTGTACGAGO	CTGACGCTGCO CTGACGCTGCO CTGACGCTGCO	CACGATGAT CACGATGAT CACGATGAT	AGAGATCTCO Agagatctco Agagatctco	ICGCGACTCCC ICGCGACTCCC ICGCGACTCCC	TGTACCTGT1 TGTACCTGT1 TGTACCTGT1	CTCGTACATO CTCGTACATO CTCGTACATO	GCGCAGGCGI GCGCAGGCGI GCGCAGGCGI	ATCTTCTTCGC ATCTTCTTCGC ATCTTCTTCGC
	1171	1180	1190	1200	1210	1220	1230	1240	1250	) 1260	1270	1280	129	) 1300
LnexH06,0080-ABCG1-T LanazLTB0016-ABCG1 Consensus	CGTCG CGTCG CGTCG	TTGTAGO TTGTAGO TTGTAGO	ICCTGATCT	TCTTGAACGT( TCTTGAACGT( TCTTGAACGT(	GCAGGACAATA GCGGGACAATO GCaGGACAATa	TAGAGGGGG TAGAGGGGG TAGAGGGGGG	TTCAGGATCGO TTCAGGATCGO TTCAGGATCGO	CAGGGCGTG CAGGGCGTG CAGGGCGTG	CTGTTCATGE CTGTTCATGE CTGTTCATGE	ICCGTGATGAA ICCGTGATGAA ICCGTGATGAA	CCGTGCCATO CCGTGCCATO CCGTGCCATO	AGCTCGACGI AGCTCGACGI AGCTCGACGI	TCATCATGA TCATCATGA TCATCATGA	ICAATACGTTC ICAATACGTTC ICAATACGTTC
	1301	1310	1320	1330	1340	1350	1360	1370	1380	) 1390	1400	1410	142	0 1430
LnexH06.0080-ABCG1-T LanazLTB0016-ABCG1 Consensus	aacaa Aacaa Aacaa	ITGCGCGT ITGTGCGT ITGCGCGT	GCCGTGTT GCCGTGTT GCCGTGTT	CATGCGTGAGI CATGCGTGAGI CATGCGTGAGI	CAGCAAGCTGO Cagcaagctgo Cagcaagctgo	TGCGTACTCI CGCGTACTCI CGCGTACTCI	GCCGCTGATG1 GCCGCTGATG1 GCCGCTGATG1	TCTTCCTTG TCTTCCTTG TCTTCCTTG	GCCGCAGTTI GCCGCAGTTI GCCGCAGTTI	CGCCGAGTTT CGCCGAGTTT CGCCGAGTTT	CCCGTGCAGA CCCGTGCAGA CCCGTGCAGA	ITTCTTGCCGT ITTCTTGCCGT ITTCTTGCCGT	GCTGGTGGA GCTGGTGGA GCTGGTGGA	GAGCTGCATCC GAGCTGCATCC GAGCTGCATCC
	1431	1440	1450	1460	1470	1480	1490	1500	1510	) 1520	1530	1540	1550	1560
LnexH06.0080-ABCG1-T LanazLTB0016-ABCG1 Consensus	TTTAC TTTAC TTTAC	TGGACGG TGGACGG TGGACGG	TGGGGCTG TGGGGCTG TGGGGCTG	CATCATCATCI Catcatcatci Catcatcatci Catcatcatci	CCGGCTCCTTC CCGGCTCCTTC CCGGCTCCTTC	TTCTACTAC TTCTACTAC TTCTACTAC	TTTGGTGTGA TTTGGTGTGA TTTGGTGTGA	TGCGCTGCT TGCGCTGCT TGCGCTGCT	GTCGCAGGTO GTCGCAGGTO GTCGCAGGTO	IGCAACAGGCC IGCAACGGGCC IGCAACaGGCC	TCGGCTTCAC TCGGCTTCGC TCGGCTTCaC	GATC <mark>G</mark> CGACO GATCTCGACO GATC <mark>8</mark> CGACO	TCGTTCCCG TCGTTCCCG TCGTTCCCG	ICGCTTGTGGT ICGCTTGTGGT ICGCTTGTGGT
	1561	1570	1580	1590	1600	1610	1620	1630	1640	1650	1660	1670	1680	1690
LnexM06.0080-ABCG1-T LanazLTB0016-ABCG1 Consensus	GAGTT GAGTT GAGTT	CTGGCAC CTGCGGT CTGCCGG	CGCATCGG GGCGCCTC CGCacCgc	TCTCCTTTAT TAATTTTGAT TaaccTTgAT	GCTGCTGTCTC TCCGCTGGCTC BCcGCTGgCTC	TAGGCGGTGI TAGGCGGTGI TAGGCGGTGI	GCCTTTTCGCF GCCT <mark>G</mark> TTCGCF GCCT <mark>g</mark> TTCGCF	AGCACGGAC Agcacggac Agcacggac	CGTCTGCGCC CGTCTGCGCC CGTCTGCGCC	CGTACTGGTA CGTACTGGTA CGTACTGGTA	CTGGCTGGAO CTGGCTGGAO CTGGCTGGAO	AAGCCGTCCT AAGCCGTCCT AAGCCGTCCT	TCACGCGGCI TCATGCGGCI TCAcGCGGCI	ICGCGTACATC ICGCGTACATC ICGCGTACATC
	1691	1700	1710	1720	1730	1740	1750	1760	1770	1780	1790	1800	181	1820
LnexM06.0080-ABCG1-T LanazLTB0016-ABCG1 Consensus	CTCGT CTCGT CTCGT	GCTGCGC GCTGCGC GCTGCGC	CAATGAGCT CAATGAGCT CAATGAGCT	ACACAATGTGI Acacaatgtgi Acacaatgtgi	CACCACATTGO Caccacattgo Caccacattgo	CTGCGACTA ATGCGACTA TGCGACTA	CTACCGCTGGO CTACCGCTGGO CTACCGCTGGO	GCGACGGGT GCGACGGGT GCGACGGGT	ACTGCATCAF Actgtatcaf Actgcatcaf	ICCAGCCGCGT ICCAGCCGCGT ICCAGCCGCGT	GACGGGGGGCF GACGGGGGGCF GACGGGGGGCF	ICAGTGATGCO ICAGTGATGCO ICAGTGATGCO	TCTGCTCGG TCTGCTTGG TCTGCTcGG	GTTTGACGGTG GTTTGACGGTG GTTTGACGGTG
	1821	1830	1840	1850	1860	1870	1880	183 						
LnexH06,0080-ABCG1-T LanazLTB0016-ABCG1	ATCCG	CAGTCGO CAGTCGO	CGAGTGTG CGAGTGTG	TACATGTGGG TACATGTGGG	TGTCGCTCGTO TGTCGCTCGTO	GTTATGTT <mark>G</mark> GTTATGTT <mark>C</mark>	TTCCTGCTCC	ica Ica						

Consensus ATCCGCAGTCGGCGAGTGTGTACATGTGGGGGTGTCGCTCGTGGTTATGTTCTTCCTGCTCANCA

Figura 32 : Sequenciamento do transportador ABCG1. Legenda: Lmex.06.0080-ABCG1 (sequência de L. mexicana do transportador ABCG1 depositada no Gene bank Database), LamazLTB0016-ABCG1 (sequência de L .amazonensis LTB0016 do transportador ABCG1 amplificada).

	1	10	20	30	40	50	60	70	80	90	100	110	120	130
LnexH,15,0890-ABCG4- LanazLTB0016-ABCG4 Consensus	ATGGA Atgga Atgga	GACGGAAGT GACGGAAGT GACGGAAGT	CGATCAGGCO CGATCAGGCO CGATCAGGCO	CACGAGC-C CAGAATTNC CACaAgc.C	GTCT-GTCGG GTCTTGTCGG GTCT.GTCGG	GACACCGACO GACACCGACO GACACCGACO	GAGCTCACAA GAGCTCACAA GAGCTCACAA	GCATCCCGCC GCATCCCGCC GCATCCCGCC	CCCAGCGGCG1 CCCAGCGGCG1 CCCAGCGGCG1 CCCAGCGGCG1	ICATCGGTGG ICATCGGTGG ICATCGGTGG	CGCCACCGCG CGCCACCGCG CGCCACCGCG	GACGAAATCG GACGAAATCG GACGAAATCG	AAAGGGGAGG AAAGGGGGAGG AAAGGGGGAGG	acgcgaa Acgcgaa Acgcgaa
	131	140	150	160	170	180	190	200	210	220	230	240	250	260
LnexH,15,0890-ABCG4- LanazLTB0016-ABCG4 Consensus	GATAC GATAC GATAC	C <mark>C</mark> GCGCTCA CTGCGCTCA C <mark>C</mark> GCGCTCA	ACCGCGCCCG ACCGCGCCCG ACCGCGCCCG	GAACTTTAC GAACTTTAC GAACTTTAC	ATGGGAGAAC ATGGGAGAAC ATGGGAGAAC	CTAACCTATO CTAACCTATO CTAACCTATO	AGGTCCCGGT AGGTCCCGGT AGGTCCCGGT	CGAGGACAAG CGAGGACAAG CGAGGACAAG	GATGGCAACG1 GATGGCAACG1 GATGGCAACG1	ICATCTACAA ICATCTACAA ICATCTACAA	GACTTTGCTT GACTTTGCTT GACTTTGCTT	TTCAACCTCA TTCAACCTCA TTCAACCTCA	.GCGGGTGCGC IGCGGGTGCGC IGCGGGTGCGC	CAAGGGT CAAGGGT CAAGGGT
	261	270	280	290	300	310	320	330	340	350	360	370	380	390
LnexH,15,0890-ABCG4- LanazLTB0016-ABCG4 Consensus	GGGCG GGGCG GGGCG	CGTGCTGGC CGTGCTGGC CGTGCTGGC	CGATCATGGG CGATCATGGG CGATCATGGG	CCTTCTGGC CCTTCTGGC CCTTCTGGC	GCGGGTAAGA GCGGGTAAGA GCGGGTAAGA	CGACGCTGAT CGACGCTGAT CGACGCTGAT	GGGCACGATC GGGCACGATC GGGCACGATC	ACCGGCAAGC ACCGGCAAGC ACCGGCAAGC	TGTACAACGC( TGTACAACGC( TGTACAACGC(	CACGGCACGG CACGGCACGG CACGGCACGG	CAGGAAGGGT CAGGAAGGGT CAGGAAGGGT	GCTGCTTCAT GCTGCTTCAT GCTGCTTCAT	GAACAACAAC GAACAACAAC GAACAACAAC	ATTTATC Atttatc Atttatc Atttatc
	391	400	410	420	430	440	450	460	470	480	490	500	510	520
LnexH,15,0890-ABCG4- LanazLTB0016-ABCG4 Consensus	AGCAG AGCAG AGCAG	CGCTACAAG CGCTACAAG CGCTACAAG	CGCTTGGTG CGCTTGGTG CGCTTGGTG	CGTACGTGT CGTACGTGT CGTACGTGT	GCCAGGACGA GCCAGGACGA GCCAGGACGA	TATTGTCATO TATTGTCATO TATTGTCATO	iggaaaggaca iggaaaggaca iggaaaggaca	CACCGCGCGA CACCGCGCGA CACCGCGCGCGA	GGCCATCTACT GGCCATCTACT GGCCATCTACT	ITCTCCGCGC ITCTCCGCGC ITCTCCGCGC	GCCTGCGGCT GCCTGCGGCT GCCTGCGGCT	CGGTCTTGAC CGGTCTTGAC CGGTCTTGAC	AGTGAAGC <b>G</b> G AGTGAAGC <mark>A</mark> G AGTGAAGC <mark>a</mark> G	CCCGCCG CCCGCCG CCCGCCG
	521	530	540	550	560	570	580	590	600	610	620	630	640	650
LnexH,15,0890-ABCG4- LanazLTB0016-ABCG4 Consensus	GCGCG GCGCG GCGCG	TCGCAGACO TCGCAGACO TCGCAGACO	TCATCAAGCO TCATCAAGCO TCATCAAGCO	TCTCTCCCT TCTCTCCCT TCTCTCCCT	GACCAAGTGC GACCAAGTGC GACCAAGTGC	CAGGACACGA CAGGACACGA CAGGACACGA	ITTCTTGGTAT ITTCTTGGTAT ITTCTTGGTAT	CCCCGGCATT CCCCGGCATT CCCCGGCATT	CTGAAGGGTG1 CTGAAGGGTG1 CTGAAGGGTG1	ICTCCGGTGG ICTCCGGTGG ICTCCGGTGG	CGAGCGCAAG CGAGCGCAAG CGAGCGCAAG	CGTGCGAACA CGTGCGAACA CGTGCGAACA	TCGGTACTGA TCGGTACTGA TCGGTACTGA	GCTCGTC GCTCGTC GCTCGTC
	651 	660	670	680	690	700	710	720	730	740	750	760	770	780
Lnex11,15,0890-ABC64- LanazLTB0016-ABC64 Consensus	acgaa Acgaa Acgaa	CCCTTTTGT CCCTTTTGT CCCTTTTGT	IGATGCTGCTO IGATGCTGCTO IGATGCTGCTO	GATGAGCCG Gatgagccg Gatgagccg	ACGACAGGCC ACGACAGGCC ACGACAGGCC	TGGATTCTGT TGGATTCTGT TGGATTCTGT	GAACGCCGTG GAACGCCGTG GAACGCCGTG	CGCGTCGGTC CGCGTCGGTC CGCGTCGGTC	ATCT <mark>C</mark> CTTCA ATCTTCTTCA ATCT <mark>C</mark> CTTCA	GATCTAGCC GATCTAGCC GATCTAGCC	AAGAACGACA AAGAACGACA AAGAACGACA	TGCGCACCGT TGCGCACCGT TGCGCACCGT	CATTGCCACC CATTGCCACC CATTGCCACC	GTGCACT GTGCACT GTGCACT
	781	790	800	810	820	830	840	850	860	870	880	890	900	910
LnexH,15,0890-ABCG4- LanazLTB0016-ABCG4 Consensus	CGCCA CGCCA CGCCA	TCGTCGGAG TCGTCGGAG TCGTCGGAG	CTGTTCGACO CTGTTCGACO CTGTTCGACO	TCTTCGACG TCTTCGACG TCTTCGACG	ATCTGCTGCT ATCTGCTGCT ATCTGCTGCT	GCTGGCGAAG GCTGGCGAAG GCTGGCGAAG	IGGCCACGTCA IGGCCACGTCA IGGCCACGTCA	TCTACCACGG TCTACCACGG TCTACCACGG	CCCTACGGCGI CCCTACGGCGI CCCTACGGCGI	GACTCTATCG Gactctatcg Gactctatcg	AGTACTTTGC AGTACTTTGC AGTACTTTGC	CTCCCTCGGC CTCCCTCGGC CTCCCTCGGC	TACGACGTGC TACGACGTGC TACGACGTGC	CGCCGCG CGCCGCG CGCCGCG
	911 	920	930	940	950	960	970	980	990	1000	1010	1020	1030	1040
Lnex11,15,0890-ABCG4- LanazLTB0016-ABCG4 Consensus	CACGA CACGA CACGA	ACCCGACGG ACCCGACGG ACCCGACGG	AGTACTTCA AGTACTTCA AGTACTTCA	GAACCTGCT GAACCTGCT GAACCTGCT	GCAGTTGCCC GCAGTTGCCC GCAGTTGCCC	GAGGAAATCO GAGGAAATCO GAGGAAATCO	TGTCTCAGCT TGTCTCAGCT TGTCTCAGCT	GTGGCTTGCC GTGGCTTGCC GTGGCTTGCC	TGGGAGGACTA TGGGAGGACTA TGGGAGGACTA	ICGTCATGTC ICGTCATGTC ICGTCATGTC	GGATGCGGCG GGATGCGGCG GGATGCGGCG	ACTGACAACC ACTGACAACC ACTGACAACC	CGTGCCTGAC CGTGCCTGAC CGTGCCTGAC	CCCGGTG CCCGGTG CCCGGTG
Lnext1.15.0890-ABCG4- LanazLTB0016-ABCG4 Consensus	1041	1050	1060	1070	1080	1090	1100	1110	1120	1130	1140	1150	1160	1170
	ACCGG ACCGG ACCGG	CGCCATAAC CGCCATAAC CGCCATAAC	CCTGACGGAO CCTGACGGAO CCTGACGGAO	GACTACCTG GACTACCTG GACTACCTG	GAGGAGCAAC GAGGAGCAAC GAGGAGCAAC	TCGAGCTGAA TCGAGCTGAA TCGAGCTGAA	IGGGCGCGAAC IGGGCGCGAAC IGGGCGCGAAC	TTCTGCCTGC TTCTGCCTGC TTCTGCCTGC	AGTTCTCCGAU AGTTCTCCGAU AGTTCTCCGAU	SCTCTTCAAG SCTCTTCAAG SCTCTTCAAG	CGCTCGTGGC CGCTCGTGGC CGCTCGTGGC	GCATGTACCT GCATGTACCT GCATGTACCT	GCGCGATCCC GCGCGATCCC GCGCGATCCC	GGCAACT GGCAACT GGCAACT
	1171	1180	1190	1200	1210	1220	1230	1240	1250	1260	1270	1280	1290	1300
LnexH.15.0890-ABCG4- LanazLTB0016-ABCG4 Consensus	TCTAC TCTAC TCTAC	GGCCGCTCC GGCCGCTCC GGCCGCTCC	CGTGCAGACGO CGTGCAGACGO CGTGCAGACGO	TCTTCTTCG TCTTCTTCG TCTTCTTCG	CCATCCTCCT CCATCCTCCT CCATCCTCCT	TGGCCTGTTC TGGCCTGTTC TGGCCTGTTC	TTCTTTAACC TTCTTTAACC TTCTTTAACC	TGCAGCTGAG TGCAGCTGAA TGCAGCTGAa	CCAGCAGGGCI CCAGCAGGGCI CCAGCAGGGCI	ATGCAGGACC ATGCAGGACC ATGCAGGACC	GCCTCGGCGC GCCTCGGCGC GCCTCGGCGC	GCTCTACATC GCTCTACATC GCTCTACATC	ACGCTCATGA ACGCTCATGA ACGCTCATGA	ACAACCT ACAACCT ACAACCT
	1301 	1310	1320	1330	1340	1350	1360	1370	1380	1390	1400	1410	1420	1430
LnexH,15,0890-ABCG4- LanazLTB0016-ABCG4 Consensus	TTTCG TTTCG TTTCG	GTGCTGCCA GTGCTGCCA GTGCTGCCA	ITGAACGGTA1 ITGAACGGTA1 ITGAACGGTA1	TGCCGCCTT TGCCGCCTT TGCCGCCTT	CCCACCGGAG CCCACCGGAG CCCACCGGAG	CGAGCCGTCT CGAGCCGTCT CGAGCCGTCT	TCCTGCAGGA TCCTGCAGGA TCCTGCAGGA	gcaggcgaac) gcaggcgaac) gcaggcgaac)	GACGCCTACA GACGCCTACA GACGCCTACA GACGCCTACA	icgcgtacac icgcgtacac icgcgtacac	CTACTTCCTC CTACTTCCTC CTACTTCCTC	GCCAAGAACA GCCAAGAACA GCCAAGAACA	TGGCGGAGCT TGGCGGAGCT TGGCGGAGCT	GCCGTGG GCCGTGG GCCGTGG
	1431 	1440	1450	1460	1470	1480	1490	1500	1510	1520	1530	1540	1550	1560 l
LnexH.15.0890-ABCG4- LanazLTB0016-ABCG4 Consensus	CAGAT CAGAT CAGAT	ACTETTEEC ACTETTEEC ACTETTEEC	CGACGGTGTT( CGACGGTGTT( CGACGGTGTT(	GACATCATC GACATCATC GACATCATC	ACGTATTTCA TCGTATTTCA aCGTATTTCA	TGATCCACCT TGATCCACCT TGATCCACCT	TCACCGAAGC TCACCGAAGC TCACCGAAGC	GCCGGTGCCT GCCGATGCCT GCCGaTGCCT	TCTTCGTGCAU TCTTCGTGCAU TCTTCGTGCAU	CTGGTTCATC CTGGTTCATC CTGGTTCATC	CTCGTGCTGC CTCGTGCTGC CTCGTGCTGC	TCGCC-AACT TCGCCCAACT TCGCC.AACT	TGGGCTACTC TGGGCTACTC TGGGCTACTC	CTTCGGC CTTCGGC CTTCGGC
	1561 	1570	1580	1590	1600	1610	1620	1630	1640	1650	1660	1670	1680	1690 I
LnexH,15,0890-HBCG4 LanazLTB0016-ABCG4 Consensus	CTCAT	GTTCGCCAC GTTCGCCAC GTTCGCCAC	CTTCTTCAAG CTTCTTCAAG CTTCTTCAAG	ICHGTCCCHG ICAGTCCCAG ICAGTCCCAG	GCGGCCTTTG GCGGCCTTTG GCGGCCTTTG	CCATGGTTCC CCATGGTTCC CCATGGTTCC	GCTCATCCTG GCTCATCCTG GCTCATCCTG	CTGCCGCTGC CTGCCGCTGC CTGCCGCTGC	TCGTTGTCGTG TCGTTGTCGTG TCGTTGTCGTG	CGGACTGTTC CGGACTGTTC CGGACTGTTC	GCGAACAC <mark>G</mark> G GCGAACAC <mark>G</mark> G GCGAACAC <mark>a</mark> G	HTCGCCTGTH Atcgcctgta Atcgcctgta	CCCGTACTGG ICCCGTACTGG ICCCGTACTGG	GTGTGGT GTGTGGT GTGTGGT
	1691 	1700	1710	1720	1730	1740	1750	1760	1770	1780	1790	1800	1810	1820 I
Lnexfl,15,0890-HBC64- LanazLTB0016-ABC64	TGAAC	TACATCTCC		HUGLUTHUU ACGCCTACC	TCGGCGTCGT	CACGAACGAG	TTCGAGCGCC	TGACGGTCAT	CTGCAACCCCU	TCACGCCCT	TGTGCACGTT	CCCGGACGGG	CAGGTCGTAA	TCGAGTT
consensus	1821	1830	1840	1850	1860	1870	1880	1890	1900	1910	1920	1930	1940	1950
Lnext1,15,0890-ABCG4- LanazLTB0016-ABCG4 Consensus	CATGG CATGG CATGG			ICTGGCAGTC ICTGGCAGTC	ATTCGTCGCC	CTTATCGTGT CTTATCGTGT CTTATCGTGT	ACCAGATCGG ACCAGATCGG ACCAGATCGG		ATCGGCGCCA	CATCGCTCTA	CTACCAGGGC CTACCAGGGC CTACCAGGGC		GCGGTAAGCT GCGGTAAGCT GCGGTAAGCT	
	1951	1960	1970	1980	1990	2000	2010	2020	2030	2040	2050	2060	2070	2080
LnexH.15.0890-ABCG4- LanazLTB0016-ABCG4 Consensus	GTGAA GTGAA GTGAA	GAACCTCCG GAACCTCCG GAACCTCCG	CARACGCGTO CARACGCGTO CARACGCGTO	GCCTCCCCG GCCTCCCCG GCCTCCCCG	CGCGCCATCG CGCGCCATCG CGCGCCATCG	CGTCAGCCCG CGTCAGCCCG CGTCAGCCCG	CAGCAACGAC CAGCAACGAC CAGCAACGAC	GAGCTGTCCG Gagctgtccg Gagctgtccg	ACATTGAGTCO ACATTGAGTCO ACATTGAGTCO	ACGCTGGTG ACGCTGGTG ACGCTGGTG	GGGTCGATCG GGGTCGATCG GGGTCGATCG	AGACGCCGTC AGACGCCGTC AGACGCCGTC	GAACGCGTAC GAACGCGTAC GAACGCGTAC	GACACCG GACACCG GACACCG
	2081	2090	2100	2110	2120	2130	2140	2150	2160	2170	2180	2190	2200	2210
LnexH,15,0890-ABCG4- LanazLTB0016-ABCG4 Consensus	GAGCA GAGCA GAGCA	TCGTCGCCG TCGTCGCCG TCGTCGCCG	GTCAACAACO GTCAACAACO GTCAACAACO	GAGAGAGAACA Gagagagaaca Gagagagaaca	ATCAGCCGAT ATCAGCCGAT ATCAGCCGAT	CTGGGACGGC CTGGGACGGC CTGGGACGGC	GAGCGCGAGC GAGCGCGAGC GAGCGCGAGC	GTGCGACGCT GTGCGACGCT GTGCGACGCT	GCCGTCGCTT( GCCGTCGCTT( GCCGTCGCTT(	GACACGCCGG GACACGCCGG GACACGCCGG	TGACATACGT Tgacatacgt Tgacatacgt	GGAAAGCCCC GGAAAGCCCC GGAAAGCCCC	GTCGACGTGG GTCGACGTGG GTCGACGTGG	AGGATAT Aggatan Aggatan Aggatan
	2211	2220	2230 223	15										
LnexH,15,0890-ABCG4- LanazLTB0016-ABCG4 Consensus	GAGGC GAGGN GAGGN	GGCGCAAGT GGCGCAAGT GGCGCAAGT	ACCGGTGGT ACCGGTGGT ACCGGTGGT	1A 1A 1A										

**Figura 33: Sequenciamento do transportador ABCG4.** Legenda: Lmex.06.0080-ABCG4 (sequência de *L. mexicana* do transportador ABCG4 depositada no Gene bank Database), LamazLTB0016-ABCG4 (sequência de *L. amazonensis* LTB0016 do transportador ABCG4 amplificada).



**Figura 34: Sequenciamento do transportador ABCG6.** Legenda: Lmex.06.0080-ABCG6 (sequência de *L. mexicana* do transportador ABCG6 depositada no Gene bank Database), LamazLTB0016-ABCG6 (sequência de *L. amazonensis* LTB0016 do transportador ABCG6 amplificada).



**Figura 35: Subclonagem do transportador ABCG1 no vetor psp72aNEOa.** Transportador ABCG1 foi subclonado em vetor de expressão psp72aNEOa usando bactérias competentes DH5α. A sequência de cada gene foi liberada do plasmideo, usando as enzimas de restrição XbaI e HindIII. Tamanho do vetor psp72aNEOa : 5021pb. Legenda: DNA (padrão de peso molecular – DNA leader).

DNA		1	2	3	45	6	7	89	DNA	
	(8)		۲		80 ( <b>1</b> 1)	wia	IJ	36 AB	30333 3	ps
									100	
										AI
									And a	
									- Marine	

psp72aNeoa – 5021 bps

ABCG4 – 2232 bps

**Figura 36: Subclonagem do transportador ABCG4 no vetor psp72aNEOa.** Transportador ABCG1, foi subclonado em vetor de expressão psp72aNEOa usando bactérias competentes DH5α. A sequência de cada gene foi liberada do plasmídeo, usando as enzimas de restrição XbaI e ndeI. Tamanho do vetor psp72aNEOa : 5021pb. Legenda: DNA (padrão de peso molecular – DNA leader). Clone de 1-9, positivos.



# psp72aNeoa – 5021 bps ABCG6 – 2043 bps

**Figura 37: Subclonagem do transportador ABCG6 no vetor psp72aNEOa.** Transportador ABCG1 foi subclonado em vetor de expressão psp72aNEOa usando bactérias competentes DH5α. A sequência de cada gene foi liberada do plasmideo, usando as enzimas de restrição XbaI e HindIII. Tamanho do vetor psp72aNEOa : 5021pb. Legenda:DNA (padrão de peso molecular – DNA leader).

### **5- DISCUSSÃO**

A atividade dos inibidores da biossíntese do ergosterol em *Leishmania* spp. tem sido amplamente estudada por diversos autores (Beach et al. 1988; Berman et al. 1986; Berman et al. 1984; Goad et al. 1985; Hart et al. 1989; Medina et al. 2012; Roberts et al. 2003; Vannier-Santos et al. 1999), mostrando-se como um excelente alvo para a quimioterapia das leishmanioses. Alguns desses trabalhos mostram que o tratamento com cetoconazol, inibidor da C14 desmetilase, leva a um aumento do colesterol exógeno na *Leishmania*, mas o mecanismo como isso ocorre, a importância desse colesterol em sua membrana e a utilização do colesterol por amastigotas intracelulares ainda não estão claros.

Promastigotas de *L. amazonensis* aumentam a captação de LDL e o seu conteúdo de colesterol com o tratamento com os inibidores da biossíntese do ergosterol. Além disso, as promastigotas ficam mais sensíveis a esses inibidores quando incubadas em soro deslipidado, sugerindo que fontes de colesterol exógeno possam ser importantes para a sobrevivência dos parasitos quando submetidos a uma condição de pressão farmacológica.

A LDL é o maior carreador extracelular de colesterol, tendo um papel fisiológico importante para a função celular e regulação de vias metabólicas. Os macrófagos possuem receptores de LDL, endocitando em condições normais essas partículas. Em condições patológicas, como o caso de hiperlipidemias, desordens genéticas e estresse oxidativo, componentes específicos da LDL são oxidados, aumentado a captação de LDL (Tsimikas & Miller, 2011).

Visto que a principal célula afetada na infecção por *L. amazonensis* é o macrófago e este possui receptores para LDL, avaliamos se as amastigotas poderiam utilizar partículas de LDL. Nas Figuras 6 e 7, imagens por microscopia confocal e microscopia eletrônica de transmissão indicam que a LDL está disponível para a amastigota no interior do macrófago, sugerindo que a amastigota poderia utilizar o colesterol proveniente da LDL, uma vez, que essas partículas estão em contato com o parasito. Nos resultados de microscopia confocal, podemos observar que as partículas de LDL (vermelho) estão bem próximas das amastigotas intracelulares, provavelmente dentro do vacúolo parasitóforo. O vacúolo parasitóforo (VP) possui proteínas que podem transportar nutrientes tanto do VP para o citoplasma quanto o transporte inverso. Além desse transporte ativo de nutrientes, vesículas intracelulares, como aquelas formadas por endocitose de LDL, podem se fundir com o VP descarregando o seu conteúdo intravesicular. O *Toxoplasma gondii*, que necessita utilizar exclusivamente o

colesterol para sua sobrevivência, aumenta as lesões de aterosclerose pelo acúmulo de LDL oxidada dentro da célula hospedeira. Esse acúmulo é acompanhado pela diminuição da colesterolemia (Portugal et al. 2004). Relatos de hipocolesterolemia em pacientes com leishmaniose visceral também são observados, podendo ser indicativos de que o parasito esteja consumindo a LDL ou interferindo com o controle da homeostasia da célula hospedeira (Lal et al. 2007, Liberopoulos et al. 2002). Resultados recentementes publicado por Fernandes e colaboradores (2013), mostram que a infecção por *L. major* aumenta a migração de células inflamatórias para as lesões ateroscleróticas e promovem aterogênese. Esse aumento é acompanhado por um processo de colesterolemia. Esses efeitos são consequência do estímulo no sistema imune pela infecção por *L major* que estimula componentes inflamatórios da aterosclerose, que são ativados pelos parasitos nos macrófagos. Existem alguns resultados controversos em relação a modulação da homeostasia do colesterol do hospedeiro, mas parece não haver dúvida que realmente a infecção por *Leishmania* altera o metabolismo de colesterol da célula hospedeira.

Macrófagos infectados tem seu metabolismo do colesterol alterado, mostrando aumento da expressão de enzimas da via, aumento de receptores de LDL e diminuição de transportadores ABC que fazem o efluxo de colesterol levando, então, a um acúmulo de colesterol dentro do macrófago (Rabhi et al, 2012; Fortéa et al, 2009). Este colesterol pode ser utilizado de alguma forma pelo parasito, uma vez que já foi demonstrada a presença do colesterol em amastigotas (Hart et al. 1989, Berman et al. 1986). Na Figura 8 observamos que a enzima HMGCoA redutase pode ser regulada pela quantidade de colesterol exógeno dispinível, sugerindo que o colesterol exógeno encontrado nos parasitos pode regular a expressão de enzimas da via de biossíntese do ergosterol..

Além da utilização da LDL, a amastigota pode utilizar o colesterol produzido pelo próprio macrófago, uma vez que na Figura 9 (painel A) observamos um aumento do crescimento parasitário na ausência de colesterol proveniente de LDL. Com a diminuição de colesterol extracelular, proveniente da LDL, o macrófago aumenta a expressão de HMGCoA redutase, enzima limitante para a biossíntese de colesterol, para suprir as necessidades da célula. Esse colesterol pode ser usado pela *Leishmania* em maior quantidade, aumentando a sua multiplicação, assim como o *T. gondii*, que utiliza o colesterol do hospedeiro para sua sobrevivência (Nishikawa et al. 2011, Nishikawa et al. 2005). Amastigotas intracelulares foram mais sensíveis ao cetoconazol, miconazol e sinvastatina quando incubados no soro ausente de colesterol (Fig. 9 –Painel C, D e E,

respectivamente), sugerindo que mesmo no ambiente intracelular a *Leishmania spp* utilizaria o colesterol para substituir o ergosterol. Macrofágos infectados também foram tratados com 24-OH colesterol, que inibe tanto a endocitose de LDL quanto a biossíntese de colesterol pela célula hospedeira. O tratamento diminuiu o índice de infecção, na presença ou ausência do colesterol. Esse resultado é semelhante ao observado nos experimentos com *T. gondii*, que também tem o seu crescimento inibido pela ausência completa de colesterol endógeno e exógeno (Sehgal et al. 2005)

Além do T. gondii, várias bactérias utilizam o colesterol para sua sobrevivência. A bactéria Coxiella burnetti, por exemplo, é um patógeno intracelular obrigatório que necessita do metabolismo de colesterol celular para sua replicação (Howe & Henzen, 2005, Howe & Heinzen, 2006). Para estudar a influência do colesterol, são utilizados inibidores da biossíntese do colesterol do macrófago associados com inibidores de translocação do colesterol, como progesterona e imipramina (Coppens & Courtoy, 2000, Howe & Henzen 2005). A progesterona e a imipramina bloqueiam a liberação do colesterol dos lisossomos, principalmente proveniente da endocitose de partículas de LDL, não permitindo que o mesmo seja distribuído para a utilização da célula. No nosso trabalho nós utilizamos também o fármaco experimental LBqT01, que diminui a entrada de colesterol na célula. Interessantemente, a associação entre inibidores da biossíntese de esteróis com inibidores da utilização do colesterol proveniente da LDL mostrou efeito sinérgico na maioria das combinações em promastigotas e amastigotas intracelulares (Figs. 10 e 12). Esse efeito de diminuição no crescimento parasitário também foi observado com o tratamento com progesterona e imipramina em T. gondii e C. burnetti. O parasito T. gondii e a bacteria C. burnetti necessitam do colesterol para o seu crescimento, pois não sintetizam seus próprios esteróis, e o uso desses inibidores bloqueia a liberação do colesterol lisossomal, consequentemente diminuindo seu crescimento (Nishikawa et al. 2011, Nishikawa et al. 2005, Howe & Henzen 2005). Leishmania, ao contrário de T. gondii e C. burnetti, possui sua maquinaria própria de biossíntese de esteróis com esqueleto ergostano, além de possuir uma quantidade significativa de colesterol na sua membrana. Então, aliado ao uso dos inibidores da utilização do colesterol, também utilizamos inibidores da biossíntese do ergosterol, bloqueando assim todas as fontes de esteróis do parasito, biossíntese endógena e fonte exógena. Os experimentos foram realizados em ambas as formas, promastigota e amastigota, com o objetivo de avaliar o efeito direto dos inibidores da utilização do

colesterol nos parasitos e avaliar a ausência de fonte de colesterol exógeno para as amastigotas intracelulares, associados aos inibidores da biossíntese do ergosterol.

A inibição da utilização do colesterol associado com a inibição da biossíntese do ergosterol apresentou excelente atividade leishmanicida, tanto em promastigotas quanto em amastigotas, sem afetar o macrófago, corroborando o resultado de inibição do crescimento parasitário de promastigotas tratadas com cetoconazol e miconazol em soro deslipidado.

Os inibidores da utilização do colesterol apresentaram excelente atividade antipromastigota, mostrando que possuem um efeito direto nos parasitos. Promastigotas tratados com progesterona, imipramina e LBqT01 apresentaram uma alteração morfológica, com a maioria dos parasitos em uma forma oval (dados não mostrados). Para avaliar uma possível interferência desses fármacos no metabolismo endógeno de esteróis do parasito, lipídeos neutros de promastigotas tratados e não tratados foram extraídos e analisados por (CG/MS).

Na Figura 13 e na tabela 5 observamos alterações no perfil de esteróis dos parasitos tratados com os inibidores da biossíntese do ergosterol (cetoconazol, miconazol e terbinafina) e com os inibidores da utilização do colesterol (LBqT01, progesterona e imipramina). Além da alteração no perfil de esteróis endógenos observamos um aumento no conteúdo de colesterol dos parasitos, mostrando que realmente quando os esteróis endógenos são inibidos ocorre um aumento do colesterol exógeno como um mecanismo compensatório.

Nos parasitos tratados com cetoconazol e miconazol, inibidores da C-14 desmetilase, observamos o acúmulo de esteróis metilados. O tratamento com 2 e 8  $\mu$ M de miconazol e cetoconazol induziu um acúmulo do 14 $\alpha$ -metilergosta-8,24(28)-dien-3 $\beta$ -ol (12) (tabela 5), e de 4 $\alpha$ -14 $\alpha$ -dimetilergosta-8,24(28)-dien-3 $\beta$ -ol, (obtusifoliol) (13). Esses esteróis são acumulados normalmente no tratamento com esse inibidores da C-14 desmetilase (Roberts et al. 2003, Beach et al. 1988). Ocorre também um aumento no conteúdo de colesterol (6) nos parasitos tratados com 2 e 8  $\mu$ M de miconazol e com 2  $\mu$ M de cetoconazol. Esse aumento de colesterol observado foi relatado pelo nosso grupo (Andrade-neto et al, 2011). A falta da biossíntese de esteróis da *Leishmania* ocasiona um aumento de colesterol exógeno, provavelmente através de um mecanismo compensatório, com o objetivo de suprir as necessidades de esteróis. O tratamento com

4 e 8  $\mu$ M de terbinafina, inibidor da esqueleno epoxidase, apresentou acúmulo de 4 $\alpha$ -14 $\alpha$ -dimetilergosta-8,24(28)-dien-3 $\beta$ -ol, (obtusifoliol) (13).

O acúmulo de 14 $\alpha$ -metilergosta-8,24(28)-dien-3 $\beta$ -ol (**12**) também foi observado no tratamento com 10  $\mu$ M de LBqT 01, progesterona e 4 $\mu$ M de imipramina. Os parasitos tratados com 10, 20 e 40  $\mu$ M de LBqT01 apresentaram um acúmulo de colesterol e lanosterol dose dependente e acúmulo de esteróis metilados, (25)26,26dimetil-5,23-ergostadieno (**25**) nas três concentrações testadas e de 4-metilcolesta-8,24dien-3 $\beta$ -ol (**26**) na maior concentração. Essas alterações mostram que principalmente o tratamento com LBqT01 está interferindo na biossíntese de esteróis da *Leishmania*. O tratamento com progesterona também altera a biossíntese do ergosterol com acúmulo de esteróis metilados.

A imipramina, que foi utilizada como um bloqueador do colesterol lisossomal, também apresentou atividade na biossíntese do ergosterol. No tratamento com 4 µM de imipramina, observamos uma grande quantidade de ergosta-5,7-dien-3β-ol (desidroepisterol) (7) (principal esterol encontrado em L. amazonensis) (Torres-Santos et al. 2009), mas também verificamos um acúmulo de um esterol dimetilado (29), colesta-5,24-dien-3β-ol (desmosterol) (30) e também o surgimento de três sinais desconhecidas, que não são encontrados no controle. No tratamento com 8 µM observamos um acúmulo maior de esterol dimetilado (29) e acúmulo de esqualeno (1) menor quantidade de ergosta-5,7-dien-3β-ol (desidroepisterol) (7) e ausência dos esteróis, ergosta-5,8,22-trien-3β-ol (2), ergosta-4,7,22-trien-3β-ol (3), desconhecido (4) e ergosta-5,7-dien-3β-ol (24 desidroepisterol) (5). Baseado nesses dados, concluimos que a imipramina também possui atividade na biossíntese do ergosterol.

Após o estudo do mecanismo de ação dos inibidores da biossíntese do ergosterol e dos inibidores da utilização do colesterol, o cetoconazol e o inibidor (LBqT01) foram testados associados ou não na infecção por leishmaniose cutânea no modelo murino. Como demonstrado na Figura 14, a associação apresentou excelente atividade leishmanicida, com redução do tamanho da lesão.

A resistência clínica para os azóis foi observada em isolados de *Candida albicans*, aumentando o problema mundial de saúde pública, que é pior em pacientes infectados com HIV (Melo et al. 2009, Manzano-Gayosso et al. 2008, Rautemaa et al. 2008). A resistência fúngica parece ser devido ao efluxo da molécula pela superexpressão de transportadores ABC e de vários genes ERG que codificam enzimas

113

da via de biossíntese de esteróis (Tsao et al, 2009; Croft et al, 2006). Mutações, rearranjos, amplificações de genes dos alvos de moléculas são eventos comuns na resistência e, especificamente em *Leishmania* spp., amplificação gênica após seleção gradual para resistência é um fenômeno bem conhecido (Coderre et al, 1983).

Estudos experimentais sobre superexpressão da C-14 desmetilase em *Tripanosoma cruzi* tratado com inibidores da biossíntese foram publicados (Hankins et al, 2005). A indução de resistência *in vitro* em *Leishmania* spp. e *T. cruzi* tem sido bastante estudada. Por exemplo, indução de resistência para os azóis em *T. cruzi* (Buckner et al, 1999), caracterização de resistência à atovaquona em promastigotas de *L. infantum* (Cauchetier et al, 2002), desenvolvimento e caracterização de promastigotas de *L. donovani* resistentes à paromomicina (Maarouf et al, 1998), demonstrando que o mecanismo de resistência adquirido pelos parasitos. Dentre os mecanismos estudados, temos a superexpressão de transportadores ABC e dos alvos farmacológicos. Alteração na composição lipídica, como aumento no conteúdo de colesterol, é observada em alguns casos de resistência. Surpreendentemente, estudos sobre a resistência adquirida aos azóis em *Leishmania* spp. não têm sido publicados (Croft et al. 2006, Legare et al. 2001a).

Foram geradas três cepas de *L. amazonensis* resistentes ao miconazol, terbinafina e sinvastatina, uma cepa de *L. braziliensis* resistente a terbinafina e duas cepas de *L. guyanensis* resistente ao miconazol e à sinvastatina (Tabela 6). Experimentos de resistência cruzada aos inibidores da biossíntese do ergosterol e à miltefosina, anfotericina B e antimônio foram usados (Fig 21 e 22) (tabela 7, 8 e 9). A expressão gênica das enzimas da biossíntese do ergosterol e o perfil de esteróis das cepas selvagens e resistentes foram avaliados como mecanismo de resistência (Fig.24). A expressão dos genes da biossíntese do ergosterol das cepas de *L. amazonensis* e *L. braziliensis* foi avaliada por PCR quantitativo (PCR tempo real) e o perfil de esteróis foi avaliado por cromatografia em camada delgada (TLC). As enzimas da biossíntese do ergosterol e o perfil de esteróis foi avaliado por cromatografia em camada delgada (TLC). As enzimas da biossíntese do ergosterol e o perfil de esteróis foram modificados nas cepas resistentes em comparação as cepas selvagens, que acumularam principalmente colesterol exógeno (Figs. 24-28).

Foi observada resistência cruzada aos fármacos relacionados e não relacionados a via de biossíntese do ergosterol. A cepa de *L. amazonensis* resistente ao miconazol apresentou resistência cruzada para sinvastatina e anfotericina B. O nível de expressão da HMGCoA redutase (enzima que é inibida pela sinvastatina) está diminuído, mostrando que o mecanismo de resistência cruzada não está relacionado com o alvo principal da sinvastatina. A resistência cruzada à anfotericina B pode ser explicada pela diminuição dos esteróis com esqueleto ergostano (ergosterol) e pelo aumento do colesterol exógeno, uma vez que esse fármaco tem mais afinidade pelo ergosterol (Sundar & Chakravarty 2013). A cepa de *L. amazonensis* resistente à terbinafina apresentou resistência cruzada ao miconazol, sinvastatina, anfotericina B, e antimônio III e a cepa resistente a sinvastatina apresentou à terninafina, miltefosina, anfotericina B e antimônio III.

A cepa de *L. guyanensis* resistente ao miconazol apresentou resistência cruzada à sinvastatina, miltefosina, anfotericina B e antimônio III. Assim como foi observado na cepa de *L. amazonensis* resistente ao miconazol, a resistência cruzada a anfotericina B pode ser explicada pela diminuição dos esteróis com esqueleto ergostano e aumento do colesterol, por questões de baixa afinidade ao colesterol. A cepa de *L. braziliensis* resistente a terbinafina apresentou resistência cruzada somente contra a sinvastatina, que pode ser explicada pelo aumento da expressão da enzima HMGCoA redutase. A cepa de *L. guyanensis* resistente a sinvastatina apresentou resistência cruzada a miltefosina, anfotericina B e antimônio III.

O mecanismo de resistência da cepa de *L. guyanensis* resistente a sinvastatina foi avaliado através do sequenciamento total do DNA (Fig. 29). Os resultados mostram que alguns genes foram amplificados na cepa resistente em comparação com a cepa selvagem. *Leishmania* frequentemente amplifica regiões do genoma em resposta a pressão farmacológica (Coelho *et al*, 2011). O gene da tirosina fosfatase amplificado no cromossomo 14 pode estar relacionado ao mecanismo de resistência, uma vez que atua como um regulador importante no transporte de colesterol e regulação da biossíntese de esteróis, regulando o metabolismo do ácido araquidônico e na reorganização mitocondrial em outros tipos celulares (Cooke et al, 2011). Posteriormente, análises mais profundas nos resultados serão realizadas para explicar o mecanismo de resistência.

Os transportadores ABC que transportam fosfolipídeos e colesterol em células de mamíferos foram clonados e superexpressados em promastigotas de *L. amazonensis* para posterior análise do seu papel no transporte de esteróis em *Leishmania*. Os transportadores transfectados foram: ABCG1, ABCG4 e ABCG6 (Kennedy et al. 2005, Tarling & Edwards, 2011, Schmitz et al, 2001).

Os dados obtidos nesta tese sugerem que amastigotas intracelulares tem acesso ao colesterol proveniente da LDL do hospedeiro e que a inibição desse processo associado aos inibidores da biossíntese do ergosterol pode ser utilizada como uma alternativa terapêutica para o tratamento da leishmaniose.

Resultados promissores foram apresentados com o tratamento associado da LBqT01 + cetonazol, mostrando que existe uma grande correlação entre a atividade dos inibidores da biossíntese do ergosterol e a utilização do colesterol exógeno. O colesterol também foi importante para o mecanismo de resistência de alguns inibidores da biossíntese do ergosterol, como a apresentada pelas cepas de *L. amazonensis* e *L. braziliensis* resistentes ao miconazol.

Juntos, esses resultados reforçam a importância do colesterol exógeno na interação parasito-hospedeiro e seu possível papel na sobrevivência desse patógeno em condições de estresse metabólico ou farmacológico

## **5-REFERÊNCIAS BIBLIOGRÁFICAS**

- Alvar, J, Aparicio, P, Aseffa, A, Den Boer, M, Canavate, C, Dedet, JP, Gradoni, L, Ter Horst, R, Lopez-Velez, R, Moreno, J. The relationship between leishmaniasis and AIDS: the second 10 years. Clinical Microbiology Reviews 2008; 21: 334-+.
- Alvar, J, Velez, ID, Bern, C, Herrero, M, Desjeux, P, Cano, J, Jannin, J, den Boer, M. Leishmaniasis Worldwide and Global Estimates of Its Incidence. Plos One 2012; 7.
- Amato, VS, Tuon, FF, Siqueira, AM, Nicodemo, AC, Neto, VA. Treatment of mucosal leishmaniasis in Latin america: Systematic review. American Journal of Tropical Medicine and Hygiene 2007; 77: 266-274.
- Ameen, M. Cutaneous and mucocutaneous leishmaniasis: emerging therapies and progress in disease management. Expert Opinion on Pharmacotherapy 2010; 11: 557-569.
- Anacleto, C, Abdo, MCB, Ferreira, AVB, Murta, SMF, Romanha, AJ, Fernandes, AP, Moreira, ESA. Structural and functional analysis of an amplification containing a PGPA gene in a glucantime-resistant Leishmania (Viannia) guyanensis cell line. Parasitology Research 2003; 90: 110-118.
- Anastasis,P, Freer,I, Overton,K, Rycroft,D, Singh,SB. The Role of Leucine in Isoprenoid Metabolism - Incorporation of [3-C-13] Leucine and of [2-H-3,4-C-14]-Beta,Beta-Dimethylacrylic Acid Into Phytosterols by Tissue-Cultures of Andrographis-Paniculata. Journal of the Chemical Society-Chemical Communications 1985; 148-149.
- Andrade-Neto,VV, Cicco,NNT, Cunha,EF, Canto-Cavalheiro,MM, Atella,GC, Torres-Santos,EC. The pharmacological inhibition of sterol biosynthesis in Leishmania is counteracted by enhancement of LDL endocytosis. Acta Tropica 2011; 119: 194-198.
- Antinori, S, Cascio, A, Parravicini, C, Bianchi, R, Corbellino, M. Leishmaniasis among organ transplant recipients. Lancet Infectious Diseases 2008; 8: 191-199.
- Araujo-Santos, JM, Parodi-Talice, A, Castanys, S, Gamarro, F. The overexpression of an intracellular ABCA-like transporter alters phospholipid trafficking in Leishmania. Biochemical and Biophysical Research Communications 2005; 330: 349-355.
- Ashford, RW. The leishmaniases as emerging and reemerging zoonoses. International Journal for Parasitology 2000; 30: 1269-1281.
- Azofra,MM, Somovilla,JLP, Porras,MC, Carrillo,LH, Perez,RD. Use of Intralesional Voriconazole for the Treatment of Cutaneous Scedosporium apiospermum Infection. Clinical Infectious Diseases 2010; 51: 255-257.
- Baier,CJ, Gallegos,CE, Levi,V, Barrantes,FJ. Cholesterol modulation of nicotinic acetylcholine receptor surface mobility. European Biophysics Journal with Biophysics Letters 2010; 39: 213-227.
- Bastin,P, Stephan,A, Raper,J, SaintRemy,JM, Opperdoes,FR, Courtoy,PJ. An M(r) 145000 low-density lipoprotein (LDL)-binding protein is conserved throughout the Kinetoplastida order. Molecular and Biochemical Parasitology 1996; 76: 43-56.

- Beach,DH, Goad,LJ, Holz,GG. Effects of Ketoconazole on Sterol Biosynthesis by Trypanosoma-Cruzi Epimastigotes. Biochemical and Biophysical Research Communications 1986; 136: 851-856.
- Beach, DH, Goad, LJ, Holz, GG. Effects of Antimycotic Azoles on Growth and Sterol Biosynthesis of Leishmania Promastigotes. Molecular and Biochemical Parasitology 1988; 31: 149-162.
- Benicio Ede A, Gadelha EP, Talhari A, Silva RM Jr, Ferreira LC, Santos MC, Mira MT, Oliveira CM, Talhari C, Talhari S, Machado PR, Schriefer A. Combining diagnostic procedures for the management of leishmaniasis in areas with high prevalence of Leishmania guyanensis. An Bras Dermatol 2011;86(6):1141-4.
- Berman, JD, Goad, LJ, Beach, DH, Holz, GG. Effects of Ketoconazole on Sterol Biosynthesis by Leishmania-Mexicana Mexicana Amastigotes in Murine Macrophage Tumor-Cells. Molecular and Biochemical Parasitology 1986; 20: 85-92.
- Berman, JD, Holz, GG, Beach, DH. Effects of Ketoconazole on Growth and Sterol Biosynthesis of Leishmania-Mexicana Promastigotes in Culture. Molecular and Biochemical Parasitology 1984; 12: 1-13.
- Beverley, SM, Kapler, J, Cordingley, J. Amplification of the Dihydrofolate Reductase-Thymidylate Synthetase Gene of Leishmania-Major. Journal of Cellular Biochemistry 1986; 126.
- Blanco, VM, Cossio, A, Martinez, JD, Saravia, NG. Clinical and Epidemiologic Profile of Cutaneous Leishmaniasis in Colombian Children: Considerations for Local Treatment. American Journal of Tropical Medicine and Hygiene 2013; 89: 359-364.
- Bligh EG & Dryer MJ. A rapid method of total lipid extraction and purification. Can. J. Biochem. Physiol 1959 37(8): 911-913.
- Blum, JA, Hatz, CF. Treatment of Cutaneous Leishmaniasis in Travelers 2009. Journal of Travel Medicine 2009; 16: 123-131.
- Borroni,V, Barrantes,FJ. Cholesterol Modulates the Rate and Mechanism of Acetylcholine Receptor Internalization. Journal of Biological Chemistry 2011; 286: 17122-17132.
- Braga,MV, Magaraci,F, Lorente,SO, Gilbert,I, de Souza,W. Effects of inhibitors of Delta(24(25))-sterol methyl transferase on the ultrastructure of epimastigotes of Trypanosoma cruzi. Microscopy and Microanalysis 2005; 11: 506-515.
- Buckner,FS, Griffin,JH, Wilson,AJ, Van Voorhis,WC. Sterol biosynthesis inhibitors with potent activity against Trypanosoma cruzi and Leishmania mexicana. Journal of Investigative Medicine 1999; 47: 52A.

- Bukiya,AN, Belani,JD, Rychnovsky,S, Dopico,AM. Specificity of cholesterol and analogs to modulate BK channels points to direct sterol-channel protein interactions. Journal of General Physiology 2011; 137: 93-110.
- Butler, JD, Blanchettemackie, J, Goldin, E, Oneill, RR, Carstea, G, Roff, CF, Patterson, MC, Patel, S, Comly, ME, Cooney, A, Vanier, MT, Brady, RO, Pentchev, PG. Progesterone Blocks Cholesterol Translocation from Lysosomes. Journal of Biological Chemistry 1992; 267: 23797-23805.
- Campos-Salinas, J, Leon-Guerrero, D, Gonzalez-Rey, E, Delgado, M, Castanys, S, Perez-Victoria, JM, Gamarro, F. LABCG2, a New ABC Transporter Implicated in Phosphatidylserine Exposure, Is Involved in the Infectivity and Pathogenicity of Leishmania. Plos Neglected Tropical Diseases 2013; 7.
- Carrero-Lerida, J, Perez-Moreno, G, Castillo-Acosta, VM, Ruiz-Perez, LM, Gonzalez-Pacanowska, D. Intracellular location of the early steps of the isoprenoid biosynthetic pathway in the trypanosomatids Leishmania major and Trypanosoma brucei. International Journal for Parasitology 2009; 39: 307-314.
- Cauchetier, E, Loiseau, PM, Lehman, J, Rivollet, D, Fleury, J, Astier, A, Deniau, M, Paul, M. Characterisation of atovaquone resistance in Leishmania infantum promastigotes. International Journal for Parasitology 2002; 32: 1043-1051.
- Champe PC HR. Metabolismo do colesterol e Esteróides. Bioquímica ilustrada. 1997: 212-32.
- Cham WJ & Knowles BR. A solvent system for delipidation of plama or serum without protein precipitation. J. Lipid Res 1976 17: 176-181.
- Chang, TY, Chang, CCY, Ohgami, N, Yamauchi, Y. Cholesterol sensing, trafficking, and esterification. Annual Review of Cell and Developmental Biology 2006; 22: 129-157.
- Coderre, JA, Beverley, SM, Schimke, RT, Santi, DV. Overproduction of A Bifunctional Thymidylate Synthetase-Dihydrofolate Reductase and Dna Amplification in Methotrexate-Resistant Leishmania-Tropica. Proceedings of the National Academy of Sciences of the United States of America-Biological Sciences 1983; 80: 2132-2136.
- Coelho,AC, Boisvert,S, Mukherjee,A, Leprohon,P, Corbeil,J, Ouellette,M. Multiple Mutations in Heterogeneous Miltefosine-Resistant Leishmania major Population as Determined by Whole Genome Sequencing. Plos Neglected Tropical Diseases 2012; 6.
- Cooke, M, Mele, P, Maloberti, P, Duarte, A, Poderoso, C, Orlando, U, Paz, C, Maciel, FC, Podesta, EJ. Tyrosine phosphatases as key regulators of StAR induction and cholesterol transport: SHP2 as a potential tyrosine phosphatase involved in steroid synthesis. Molecular and Cellular Endocrinology 2011; 336: 63-69.
- Coombs GH NM. Lipid biochemistry of trypanosomatids. Biochemical Protozoology . 1991: 312-28.

- Coppens, I, Courtoy, PJ. Exogenous and Endogenous Sources of Sterols in the Culture-Adapted Procyclic Trypomastigotes of Trypanosoma-Brucei. Molecular and Biochemical Parasitology 1995; 73: 179-188.
- Coppens,I, Courtoy,PJ. The adaptative mechanisms of trypanosoma Brucei for sterol homeostasis in its different life-cycle environments. Annual Review of Microbiology 2000; 54: 129-156.
- Coppens, I, Levade, T, Courtoy, PJ. Host Plasma Low-Density-Lipoprotein Particles As An Essential Source of Lipids for the Blood-Stream Forms of Trypanosoma-Brucei. Journal of Biological Chemistry 1995; 270: 5736-5741.
- Costa<u>Sdos S</u>, <u>de Assis Golim M</u>, <u>Rossi-Bergmann B</u>, Costa<u>FT</u>, <u>Giorgio S</u>.Use of in vivo and in vitro systems to select Leishmania amazonensis expressing green fluorescent protein. <u>Korean J Parasitol.</u> 2011 Dec;49(4):357-64
- Croft,SL, Sundar,S, Fairlamb,AH. Drug resistance in leishmaniasis. Clinical Microbiology Reviews 2006; 19: 111-+.

<u>da Cunha-Júnior EF, Pacienza-Lima W, Ribeiro GA, Netto CD, do Canto-Cavalheiro MM, da Silva AJ, Costa PR, Rossi-Bergmann B, Torres-Santos EC</u>Effectiveness of the local or oral delivery of the novel naphthopterocarpanquinone LQB-118 against cutaneous leishmaniasis. J Antimicrob Chemother. 2011;66(7):1555-9.

- Dadhich, S, Maharjan, M, Chatterjee, M, Mukherjee, A, Madhubala, R. Identification of Potential Biomarkers for Antimony Susceptibility/Resistance in Leishmania Donovani. American Journal of Tropical Medicine and Hygiene 2009; 81: 10-11.
- Daneshbod, Y, Oryan, A, Davarmanesh, M, Shirian, S, Negahban, S, Aledavood, A, Davarpanah, MA, Soleimanpoor, H, Daneshbod, K. Clinical, Histopathologic, and Cytologic Diagnosis of Mucosal Leishmaniasis and Literature Review. Archives of Pathology & Laboratory Medicine 2011; 135: 478-482.
- <u>de Brito ME, Andrade MS, Dantas-Torres F, Rodrigues EH, Cavalcanti Mde P, de</u> <u>Almeida AM, Brandão-Filho SP</u>.Cutaneous leishmaniasis in northeastern Brazil: a critical appraisal of studies conducted in State of Pernambuco. <u>Rev Soc Bras Med</u> <u>Trop.</u> 2012 45(4):425-9.
- De Cicco<u>NN</u>, Pereira MG, Corrêa JR, Andrade-Neto VV, Saraiva FB, Chagas-Lima AC, Gondim KC, Torres-Santos EC, Folly E, Saraiva EM, Cunha-E-Silva NL, Soares MJ, Atella GC. LDL uptake by Leishmania amazonensis: involvement of membrane lipid microdomains. <u>Exp Parasitol.</u> 2012 Apr;130(4):330-40.
- Desjeux,P, Ghosh,RS, Dhalaria,P, Strub-Wourgaft,N, Zijlstra,EE. Report of the Post Kala-Azar Dermal Leishmaniasis (PKDL) consortium meeting, New Delhi, India, 27-29 June 2012. Parasites & Vectors 2013; 6.
- do Monte-Neto,RL, Coelho,AC, Raymond,F, Legare,D, Corbeil,J, Melo,MN, Frezard,F, Ouellette,M. Gene Expression Profiling and Molecular Characterization of

Antimony Resistance in Leishmania amazonensis. Plos Neglected Tropical Diseases 2011; 5.

- Ejazi,SA, Ali,N. Developments in diagnosis and treatment of visceral leishmaniasis during the last decade and future prospects. Expert Review of Anti-Infective Therapy 2013; 11: 79-98.
- El Fadili,K, Messier,N, Leprohon,P, Roy,G, Guimond,C, Trudel,N, Saravia,NG, Pavadopoulou,B, Legare,D, Oullette,M. Role of the ABC transporter MRPA (PGPA) in antimony resistance in Leishmania infantum axenic and intracellular amastigotes. Antimicrobial Agents and Chemotherapy 2005; 49: 1988-1993.
- Ennes-Vidal V, Menna-Barreto RF, <u>Santos AL</u>, <u>Branquinha MH</u>, <u>d'Avila-Levy CM</u>. MDL28170, a calpain inhibitor, affects Trypanosoma cruzi metacyclogenesis, ultrastructure and attachment to Rhodnius prolixus midgut. <u>PLoS One</u> 2011; 4;6(4):e18371
- Fernandes LR, <u>Ribeiro AC</u>, <u>Segatto M</u>, <u>Santos LF</u>, <u>Amaral J</u>, <u>Portugal LR</u>, <u>Leite</u> <u>JI</u>.Leishmania major Self-Limited Infection Increases Blood Cholesterol and Promotes Atherosclerosis Development. <u>Cholesterol.</u> 2013;2013:754580.
- Fortéa JO, Llave EL, Regnault B, Coppée JY, Milon M, Lang T and Prina E. Transcriptional signatures of BALB/c mouse macrophages housing multiplying *Leishmania amazonensis* amastigotes.. BMC Genomics 2009;10:119:1-11.
  - Fraga J, Veland N, Montalvo AM, Praet N, Boggild AK, Valencia BM, Arévalo J, Llanos-Cuentas A, Dujardin JC, Van der Auwera G.Accurate and rapid species typing from cutaneous and mucocutaneous leishmaniasis lesions of the New World. Diagn Microbiol Infect Dis 2012 ;74(2):142-50.
- Ginger, ML, Chance, ML, Goad, LJ. Carbon sources for fatty acid and sterol biosynthesis in Leishmania species. Biochemical Society Transactions 1996; 24: S434.
- Ginger, ML, Chance, ML, Goad, LJ. Elucidation of carbon sources used for the biosynthesis of fatty acids and sterols in the trypanosomatid Leishmania mexicana. Biochemical Journal 1999; 342: 397-405.
- Goad,LJ. The Effects of Antifungal Compounds on Growth and Sterol-Metabolism in Plants and Protozoa. Biochemical Society Transactions 1994; 22: 629-635.
- Goad,LJ, Holz,GG, Beach,DH. Sterols of Leishmania Species Implications for Biosynthesis. Molecular and Biochemical Parasitology 1984; 10: 161-170.
- Goad,LJ, Holz,GG, Beach,DH. Sterols of Ketoconazole-Inhibited Leishmania-Mexicana-Mexicana Promastigotes. Molecular and Biochemical Parasitology 1985; 15: 257-279.

- Ghosh\_J, <u>Das S</u>, <u>Guha R</u>, Ghosh\_D, <u>Naskar K</u>, <u>Das A</u>, <u>Roy S</u>.Hyperlipidemia offers protection against Leishmania donovani infection: role of membrane cholesterol. J <u>Lipid Res</u> 2012;53(12):2560-72.
- Ghosh J, Bose M, Roy S, Bhattacharyya SN.Leishmania donovani targets Dicer1 to downregulate miR-122, lower serum cholesterol, and facilitate murine liver infection. Cell Host Microbe 2013;13;13(3):277-88
- Granthon,AC, Braga,MV, Rodrigues,JCF, Cammerer,S, Lorente,SO, Gilbert,IH, Urbina,JA, de Souza,W. Alterations on the growth and ultrastructure of Leishmania chagasi induced by squalene synthase inhibitors. Veterinary Parasitology 2007; 146: 25-34.
- Grondin,K, Kundig,C, Roy,G, Ouellette,M. Linear amplicons as precursors of amplified circles in methotrexate-resistant Leishmania tarentolae. Nucleic Acids Research 1998; 26: 3372-3378.
- Gros, L, Lorente, SO, Jimenez, CJ, Yardley, V, Rattray, L, Wharton, H, Little, S, Croft, SL, Ruiz-Perez, LM, Gonzalez-Pacanowska, D, Gilbert, IH. Evaluation of azasterols as anti-parasitics. Journal of Medicinal Chemistry 2006; 49: 6094-6103.
- <u>Guerra JA</u>, <u>Prestes SR</u>, <u>Silveira H</u>, <u>Coelho LI</u>, <u>Gama P</u>, <u>Moura A</u>, <u>Amato V</u>, <u>Barbosa</u> <u>Md</u>, <u>Ferreira LC</u>Mucosal Leishmaniasis caused by Leishmania (Viannia) braziliensis and Leishmania (Viannia) guyanensis in the Brazilian Amazon. <u>PLoS</u> <u>Negl Trop Dis</u> 2011 8;5(3):e980.
- Hallander HO, Dornbusch K, Gezelius L, Jacobson K, Karlsson I. Synergism Between Aminoglycosides and Cephalosporins with Antipseudomonal Activity - Interaction Index and Killing Curve Method. Antimicrobial Agents and Chemotherapy 1982 22(5):743-752.
- Hankins,EG, Gillespie,JR, Aikenhead,K, Buckner,FS. Upregulation of sterol C14demethylase expression in Trypanosoma cruzi treated with sterol biosynthesis inhibitors. Molecular and Biochemical Parasitology 2005; 144: 68-75.
- Hart, DT, Lauwers, WJ, Willemsens, G, Vandenbossche, H, Opperdoes, FR. Perturbation of Sterol Biosynthesis by Itraconazole and Ketoconazole in Leishmania-Mexicana-Mexicana Infected Macrophages. Molecular and Biochemical Parasitology 1989; 33: 123-134.
- Haughan, PA, Chance, ML, Goad, LJ. Synergism Invitro of Lovastatin and Miconazole As Antileishmanial Agents. Biochemical Pharmacology 1992; 44: 2199-2206.
- Haughan, PA, Chance, ML, Goad, LJ. Effects of An Azasterol Inhibitor of Sterol 24-Transmethylation on Sterol Biosynthesis and Growth of Leishmania-Donovani Promastigotes. Biochemical Journal 1995; 308: 31-38.
- Hayat, M.A. Colloidal gold: A cytochemical marker for light and fluorescent microscopy and for transmission and scanning electron microscopy. Scaning Electron Microsc 1981;11:9-31.

- Holz,GG, Goad,LJ, Galvaoquintao,L, Keithley,JS, Beach,DH. Leishmania Amastigotes Incorporate and Transform Macrophage Host-Cell Sterols. Journal of Cellular Biochemistry 1986; 162.
- Hoover-Plow, J, Huang, MG. Lipoprotein(a) metabolism: Potential sites for therapeutic targets. Metabolism-Clinical and Experimental 2013; 62: 479-491.
- Howe, D, Heinzen, RA. Coxiella burnetii inhabits a cholesterol-rich vacuole and influences cellular cholesterol metabolism. Cellular Microbiology 2006; 8: 496-507.
- Howe,D, Henzen,RA. Replication of Coxiella burnetii is inhibited in CHOK-1 cells treated with inhibitors of cholesterol metabolism. Rickettsioses: from Genome to Proteome, Pathobiology, and Rickettsiae As An International Threat 2005; 1063: 123-129.
- Jimenez-Jimenez, C, Carrero-Lerida, J, Sealey-Cardona, M, Perez, LMR, Urbina, JA, Pacanowska, DG. Delta(24(25))-sterol methenyltransferase: Intracellular localization and azasterol sensitivity in Leishmania major promastigotes over expressing the enzyme. Molecular and Biochemical Parasitology 2008; 160: 52-59.
- Kendall,SL, Burgess,P, Balhana,R, Withers,M, ten Bokum,A, Lott,JS, Gao,C, Uhia-Castro,I, Stoker,NG. Cholesterol utilization in mycobacteria is controlled by two TetR-type transcriptional regulators: kstR and kstR2. Microbiology-Sgm 2010; 156: 1362-1371.
- Kennedy,MA, Barrera,GC, Nakamura,K, Baldan,A, Tarr,P, Fishbein,MC, Frank,J, Francone,OL, Edwards,PA. ABCG1 has a critical role in mediating cholesterol efflux to HDL and preventing cellular lipid accumulation. Cell Metabolism 2005; 1: 121-131.
- Kovacs,WJ, Krisans,S. Cholesterol biosynthesis and regulation: Role of peroxisomes. Peroxisomal Disorders and Regulation of Genes 2003; 544: 315-327.
- Kovacs, WJ, Olivier, LM, Krisans, SK. Central role of peroxisomes in isoprenoid biosynthesis. Progress in Lipid Research 2002; 41: 369-391.
- Kovacs,WJ, Tape,KN, Shackelford,JE, Duan,XY, Kasumov,T, Kelleher,JK, Brunengraber,H, Krisans,SK. Localization of the pre-squalene segment of the isoprenoid biosynthetic pathway in mammalian peroxisomes. Histochemistry and Cell Biology 2007; 127: 273-290.
- Kumar,D, Singh,R, Bhandari,V, Kulshrestha,A, Negi,NS, Salotra,P. Biomarkers of antimony resistance: need for expression analysis of multiple genes to distinguish resistance phenotype in clinical isolates of Leishmania donovani. Parasitology Research 2012; 111: 223-230.
- Kundig,C, Haimeur,A, Legare,D, Papadopoulou,B, Ouellette,M. Increased transport of pteridines compensates for mutations in the high affinity folate transporter and contributes to methotrexate resistance in the protozoan parasite Leishmania tarentolae. Embo Journal 1999; 18: 2342-2351.

- Lagane,B, Gaibelet,G, Meilhoc,E, Masson,JM, Cezanne,L, Lopez,A. Role of sterols in modulating the human mu-opioid receptor function in Saccharomyces cerevisiae. Journal of Biological Chemistry 2000; 275: 33197-33200.
- Lal,CS, Kumar,A, Kumar,S, Pandey,K, Kumar,N, Sinha,PK, Bimal,S, Das,P. Hypocholesterolemia and increased triglyceride in pediatric visceral leishmaniasis. Clinica Chimica Acta 2007; 382: 151-153.
- Legare, D, Cayer, S, Singh, AK, Richard, D, Papadopoulou, B, Ouellette, M. ABC proteins of Leishmania. Journal of Bioenergetics and Biomembranes 2001a; 33: 469-474.
- Legare, D, Richard, D, Mukhopadhyay, R, Stierhof, YD, Rosen, BP, Haimeur, A, Papadopoulou, B, Ouellette, M. The Leishmania ATP-binding cassette protein PGPA is an intracellular metal-thiol transporter ATPase. Journal of Biological Chemistry 2001; 276: 26301-26307.
- Lepesheva,GI, Waterman,MR. CYP51 the omnipotent P450. Molecular and Cellular Endocrinology 2004; 215: 165-170.
- Leprohon,P, Legare,D, Girard,I, Papadopoulou,B, Ouellette,M. Modulation of Leishmania ABC protein gene expression through life stages and among drug-resistant parasites. Eukaryotic Cell 2006; 5: 1713-1725.
- Leprohon, P, Legare, D, Ouellette, M. ABC transporters involved in drug resistance in human parasites. Essays in Biochemistry: Abc Transporters 2011; 50: 121-144.
- Leprohon,P, Legare,D, Raymond,F, Madore,E, Hardiman,G, Corbeil,J, Ouellette,M. Gene expression modulation is associated with gene amplification, supernumerary chromosomes and chromosome loss in antimony-resistant Leishmania infantum. Nucleic Acids Research 2009; 37: 1387-1399.
- Liberopoulos, E, Alexandridis, G, Bairaktari, E, Elisaf, M. Severe hypocholesterolemia with reduced serum lipoprotein(a) in a patient with visceral leishmaniasis. Annals of Clinical and Laboratory Science 2002; 32: 305-308.
- Liendo, A, Visbal, G, Piras, MM, Piras, R, Urbina, JA. Sterol composition and biosynthesis in Tryanosoma cruzi amastigotes. Molecular and Biochemical Parasitology 1999; 104: 81-91.
- Lindoso, JAL, Barbosa, RN, Posada-Vergara, MP, Duarte, MIS, Oyafuso, LK, Amato, VS, Goto, H. Unusual manifestations of tegumentary leishmaniasis in AIDS patients from the New World. British Journal of Dermatology 2009; 160: 311-318.
- Linetti,A, Fratangeli,A, Taverna,E, Valnegri,P, Francolini,M, Cappello,V, Matteoli,M, Passafaro,M, Rosa,P. Cholesterol reduction impairs exocytosis of synaptic vesicles. Journal of Cell Science 2010; 123: 595-605.
- Lorente,SO, Gomez,R, Jimenez,C, Cammerer,S, Yardley,V, Luca-Fradley,K, Croft,SL, Perez,LMR, Urbina,J, Pacanowska,DG, Gilbert,IH. Biphenylquinuclidines as inhibitors of squalene synthase and growth of parasitic protozoa. Bioorganic & Medicinal Chemistry 2005; 13: 3519-3529.

- Lorente,SO, Rodrigues,JCF, Jimenez,CJ, Joyce-Menekse,M, Rodrigues,C, Croft,SL, Yardley,V, Luca-Fradley,K, Ruiz-Perez,LM, Urbina,J, de Souza,W, Pacanowska,DG, Gilbert,IH. Novel azasterols as potential agents for treatment of leishmaniasis and trypanosomiasis. Antimicrobial Agents and Chemotherapy 2004; 48: 2937-2950.
- Lowry, OH, Roserbrough, NJ, Farr, AR. Opperdoes, FR. Protein measurements with the Folin phenol reagent. Journal Biological Chemistry 1951 193 (1): 265-270.
- Maarouf,M, Adeline,MT, Solignac,M, Vautrin,D, Robert-Gero,M. Development and characterization of paromomycin-resistant Leishmania donovani promastigotes. Parasite-Journal de la Societe Francaise de Parasitologie 1998; 5: 167-173.
- Maltezou, HC. Drug Resistance in Visceral Leishmaniasis. Journal of Biomedicine and Biotechnology 2010.
- Mandal,G, Sarkar,A, Saha,P, Singh,N, Sundar,S, Chatterjee,M. Functionality of drug efflux pumps in antimonial resistant Leishmania donovani field isolates. Indian Journal of Biochemistry & Biophysics 2009; 46: 86-92.
- Mandal,S, Maharjan,M, Singh,S, Chatterjee,M, Madhubala,R. Assessing aquaglyceroporin gene status and expression profile in antimony-susceptible and resistant clinical isolates of Leishmania donovani from India. Journal of Antimicrobial Chemotherapy 2010; 65: 496-507.
- Manzano-Gayosso, P, Mendez-Tovar, LJ, Hernandez-Hernandez, F, Lopez-Martinez, R. Antifungal resistance: an emerging problem in Mexico. Gaceta Medica de Mexico 2008; 144: 23-26.
- Mcgee, DJ, George, AE, Trainor, EA, Horton, KE, Hildebrandt, E, Testerman, TL. Cholesterol Enhances Helicobacter pylori Resistance to Antibiotics and LL-37. Antimicrobial Agents and Chemotherapy 2011; 55: 2897-2904.
- Mcgookey,DJ, Anderson,RGW. Morphological Characterization of the Cholesteryl Ester Cycle in Cultured Mouse Macrophage Foam Cells. Journal of Cell Biology 1983; 97: 1156-1168.
- McNicoll,F, Drummelsmith,J, Muller,M, Madore,E, Boilard,N, Ouellette,M, Papadopoulou,B. A combined proteomic and transcriptomic approach to the study of stage differentiation in Leishmania infantum. Proteomics 2006; 6: 3567-3581.
- Medina, JM, Rodrigues, JCF, De Souza, W, Atella, GC, Barrabin, H. Tomatidine promotes the inhibition of 24-alkylated sterol biosynthesis and mitochondrial dysfunction in Leishmania amazonensis promastigotes. Parasitology 2012; 139: 1253-1265.
- Melo,NR, Taguchi,H, Culhari,VP, Kamei,K, Mikami,Y, Smith,SN, Vilela,MS. Oral candidiasis of HIV-infected children undergoing sequential HIV therapies. Medical Mycology 2009; 47: 149-156.
- Milovanovic, I, Trbovich, AM, Vujanic, M, Klun, I, Bobic, B, Nikolic, A, Ivovic, V, Djurkovic-Djakovic, O. Toxoplasma gondii Infection Induces Lipid Metabolism

Alterations in the Murine Host. International Journal of Infectious Diseases 2008; 12: E172-E173.

- Mittal,MK, Rai,S, Ravinder,A, Gupta,S, Sundar,S, Goyal,N. Characterization of natural antimony resistance in Leishmania donovani isolates. American Journal of Tropical Medicine and Hygiene 2007; 76: 681-688.
- Mukherjee, A, Boisvert, S, do Monte-Neto, RL, Coelho, AC, Raymond, F, Mukhopadhyay, R, Corbeil, J, Ouellette, M. Telomeric gene deletion and intrachromosomal amplification in antimony-resistant Leishmania. Molecular Microbiology 2013; 88: 189-202.
- Mukherjee, A, Langston, LD, Ouellette, M. Intrachromosomal tandem duplication and repeat expansion during attempts to inactivate the subtelomeric essential gene GSH1 in Leishmania. Nucleic Acids Research 2011; 39: 7499-7511.
- Mukherjee, A, Padmanabhan, PK, Singh, S, Roy, G, Girard, I, Chatterjee, M, Ouellette, M, Madhubala, R. Role of ABC transporter MRPA, gamma-glutamylcysteine synthetase and ornithine decarboxylase in natural antimony-resistant isolates of Leishmania donovani. Journal of Antimicrobial Chemotherapy 2007; 59: 204-211.
- Muth,S, Fries,A, Gimpl,G. Cholesterol-induced conformational changes in the oxytocin receptor. Biochemical Journal 2011; 437: 541-553.
- Myler PJ FN. Leishmaniasis: epidemiological Trends and Diagnosis. Leishmania After the genome. 2008: 1-14.
- Nelson DL CM. Biossíntese de colesterol. Lehninger- Princípios de Bioquímica . 2002: 314-67.
- Neuber, H. Leishmaniasis. Journal der Deutschen Dermatologischen Gesellschaft 2008; 6: 754-764.
- Nishikawa,Y, Ibrahim,HM, Kameyama,K, Shiga,I, Hiasa,J, Xuan,XN. Host Cholesterol Synthesis Contributes to Growth of Intracellular Toxoplasma gondii in Macrophages. Journal of Veterinary Medical Science 2011; 73: 633-639.
- Nishikawa,Y, Quittnat,F, Stedman,TT, Voelker,DR, Choi,JY, Zahn,M, Yang,M, Pypaert,M, Joiner,KA, Coppens,I. Host cell lipids control cholesteryl ester synthesis and storage in intracellular Toxoplasma. Cellular Microbiology 2005; 7: 849-867.
- Odds,FC. Synergy, antagonism, and what the chequerboard puts between them. Journal of Antimicrobial Chemotherapy 2003; 52: 1.
- Oliveira, LF, Schubach, AO, Martins, MM, Passos, SL, Oliveira, RV, Marzochi, MC, Andrade, CA. Systematic review of the adverse effects of cutaneous leishmaniasis treatment in the New World. Acta Tropica 2011; 118: 87-96.
- Ortiz-Gomez, A, Jimenez, C, Estevez, AM, Carrero-Lerida, J, Ruiz-Perez, LM, Gonzalez-Pacanowska, D. Farnesyl diphosphate synthase is a cytosolic enzyme in Leishmania

major promastigotes and its overexpression confers resistance to risedronate. Eukaryotic Cell 2006; 5: 1057-1064.

- Pan,L, Lezama-Davila,CM, Isaac-Marquez,AP, Calomeni,EP, Fuchs,JR, Satoskar,AR, Kinghorn,AD. Sterols with antileishmanial activity isolated from the roots of Pentalinon andrieuxii. Phytochemistry 2012; 82: 128-135.
- Papadopoulou, B, Roy, G, Ouellette, M. A Novel Antifolate Resistance Gene on the Amplified H-Circle of Leishmania. Embo Journal 1992; 11: 3601-3608.
- Parodi-Talice, A, Araujo, JM, Torres, C, Perez-Victoria, JM, Gamarro, F, Castanys, S. The overexpression of a new ABC transporter in Leishmania is related to phospholipid trafficking and reduced infectivity. Biochimica et Biophysica Acta-Biomembranes 2003; 1612: 195-207.
- Patra,P, Guha,SK, Maji,AK, Saha,P, Ganguly,S, Chakraborty,A, Kundu,PK, Sarker,S, Ray,K. Efficacy of oral miltefosine in visceral leishmaniasis in rural West Bengal, India. Indian Journal of Pharmacology 2012; 44: 500-503.
- Pena-Diaz, J, Montalvetti, A, Flores, CL, Constan, A, Hurtado-Guerrero, R, de Souza, W, Gancedo, C, Ruiz-Perez, LM, Gonzalez-Pacanowska, D. Mitochondrial localization of the mevalonate pathway enzyme 3-hydroxy-3-methyl-glutaryl-CoA reductase in the trypanosomatidae. Molecular Biology of the Cell 2004; 15: 1356-1363.
- Penefsky HS. Reversible Binding of Pi by Beef-Heart Mitochondrial Adenosine-Triphosphatase. Journal of Biological Chemistry 1977 252(9):2891-2899.
- <u>Pérez-Victoria FJ</u>, <u>Gamarro F</u>, <u>Ouellette M</u>, <u>Castanys S</u>.Functional cloning of the miltefosine transporter. A novel P-type phospholipid translocase from Leishmania involved in drug resistance. J Biol Chem.</u> 2003 Dec 12;278(50):49965-71.
- Pham,TTH, Barratt,G, Michel,JP, Loiseau,PM, Saint-Pierre-Chazalet,M. Interactions of antileishmanial drugs with monolayers of lipids used in the development of amphotericin B-miltefosine-loaded nanocochleates. Colloids and Surfaces B-Biointerfaces 2013; 106: 224-233.
- Portugal,LR, Fernandes,LR, Cesar,GC, Santiago,HC, Oliveira,DR, Silva,NM, Silva,AA, Lannes-Vieira,J, Arantes,RME, Gazzinelli,RT, Alvarez-Leite,JI. Infection with Toxoplasma gondii increases atherosclerotic lesion in ApoEdeficient mice. Infection and Immunity 2004; 72: 3571-3576.
- Poumay Y, <u>Ronveaux-Dupal MF</u>.Rapid preparative isolation of concentrated low density lipoproteins and of lipoprotein-deficient serum using vertical rotor gradient ultracentrifugation. <u>J Lipid Res.</u> 1985 Dec;26(12):1476-80.
- Pucadyil,TJ, Tewary,P, Madhubala,R, Chattopadhyay,A. Cholesterol is required for Leishmania donovani infection: implications in leishmaniasis. Molecular and Biochemical Parasitology 2004; 133: 145-152.
- Rabhi I, Rabhi S, Ben-Othman R, Rasche A, Daskalaki A, Trentin B, Piquemal D, Regnault B, Descoteaux A, Guizani-Tabbane L; Sysco Consortium.
Transcriptomic signature of Leishmania infected mice macrophages: a metabolic point of view. Plos Neglected Tropical Diseases 2012; 6(8):1-11

- Ramos, H, Saintpierrechazalet, M, Bolard, J, Cohen, BE. Effect of Ketoconazole on Lethal Action of Amphotericin-B on Leishmania-Mexicana Promastigotes. Antimicrobial Agents and Chemotherapy 1994; 38: 1079-1084.
- Rautemaa, R, Richardson, M, Pfaller, M, Perheentupa, J, Saxen, H. Reduction of fluconazole susceptibility of Candida albicans in APECED patients due to long-term use of ketoconazole and miconazole. Scandinavian Journal of Infectious Diseases 2008; 40: 904-907.
- Reveiz, L, Maia-Elkhoury, ANS, Nicholls, RS, Romero, GAS, Yadon, ZE. Interventions for American Cutaneous and Mucocutaneous Leishmaniasis: A Systematic Review Update. Plos One 2013; 8.
- Rijal,S, Ostyn,B, Uranw,S, Rai,K, Bhattarai,NR, Dorlo,TPC, Beijnen,JH, Vanaerschot,M, Decuypere,S, Dhakal,SS, Das,ML, Karki,P, Singh,R, Boelaert,M, Dujardin,JC. Increasing Failure of Miltefosine in the Treatment of Kala-azar in Nepal and the Potential Role of Parasite Drug Resistance, Reinfection, or Noncompliance. Clinical Infectious Diseases 2013; 56: 1530-1538.
- Roberts,CW, McLeod,R, Rice,DW, Ginger,M, Chance,ML, Goad,LJ. Fatty acid and sterol metabolism: potential antimicrobial targets in apicomplexan and trypanosomatid parasitic protozoa. Molecular and Biochemical Parasitology 2003; 126: 129-142.
- Rodrigues, JCF, Attias, M, Rodriguez, C, Urbina, JA, de Souza, W. Ultrastructural and biochemical alterations induced by 22,26-azasterol, a Delta(24(25))-sterol methyltransferase inhibitor, on promastigote and amastigote forms of Leishmania amazonensis. Antimicrobial Agents and Chemotherapy 2002; 46: 487-499.
- Santos, DO, Coutinho, CER, Madeira, MF, Bottino, CG, Vieira, RT, Nascimento, SB, Bernardino, A, Bourguignon, SC, Corte-Real, S, Pinho, RT, Rodrigues, CR, Castro, HC. Leishmaniasis treatment a challenge that remains: a review. Parasitology Research 2008; 103: 1-10.
- Santos LO, <u>Garcia-Gomes AS</u>, <u>Catanho M</u>, <u>Sodre CL</u>, Santos <u>AL</u>, <u>Branquinha MH</u>, <u>d'Avila-Levy CM</u>. Aspartic peptidases of human pathogenic trypanosomatids: perspectives and trends for chemotherapy <u>Curr Med Chem</u> 2013a;20(25):3116-33.
- Santos LO, Vitório BS, Branquinha MH, Pedroso e Silva CM, Santos AL, d'Avila-Levy CM.Nelfinavir is effective in inhibiting the multiplication and aspartic peptidase activity of Leishmania species, including strains obtained from HIV-positive patients. J Antimicrob Chemother 2013b;68(2):348-53
- Santos LO, Marinho FA, Altoé EF, Vitório BS, Alves CR, Britto C, Motta MC, Branquinha MH, Santos AL, d'Avila-Levy CM.HIV aspartyl peptidase inhibitors interfere with cellular proliferation, ultrastructure and macrophage infection of Leishmania amazonensis PLoS One. 2009;4(3):e4918.

- Schmitz,G, Langmann,T, Heimerl,S. Role of ABCG1 and other ABCG family members in lipid metabolism. Journal of Lipid Research 2001; 42: 1513-1520.
- Sehgal, A, Bettiol, S, Pypaert, M, Wenk, MR, Kaasch, A, Blader, IJ, Joiner, KA, Coppens, I. Peculiarities of host cholesterol transport to the unique intracellular vacuole containing Toxoplasma. Traffic 2005; 6: 1125-1141.
- Sereno, D, Maia, C, Ait-Oudhia, K. Antimony resistance and environment: Elusive links to explore during Leishmania life cycle. International Journal for Parasitology-Drugs and Drug Resistance 2012; 2: 200-203.
- Simons, K, Toomre, D. Lipid rafts and signal transduction. Nature Reviews Molecular Cell Biology 2000; 1: 31-39.
- Sinai, AP, Webster, P, Joiner, KA. Association of host cell endoplasmic reticulum and mitochondria with the Toxoplasma gondii parasitophorous vacuole membrane: a high affinity interaction. Journal of Cell Science 1997; 110: 2117-2128.
- Singh S,SR. Challenges and new discoveries in the treatment of leishmaniasis. Journal of Infection and Chemotherapy 2004; 10: 307-315.
- Singh,AK, Papadopoulou,B, Ouellette,M. Gene amplification in amphotericin Bresistant Leishmania tarentolae. Experimental Parasitology 2001; 99: 141-147.
- Singh,N, Singh,RT, Sundar,S. Novel mechanism of drug resistance in kala azar field isolates. Journal of Infectious Diseases 2003; 188: 600-607.
- Smyth AJ, Ghosh A, Hassan MQ, Basu D, De Bruijn MH, Adhya S, Mallik KK, Barker DC.Rapid and sensitive detection of Leishmania kinetoplast DNA from spleen and blood samples of kala-azar patients. <u>Parasitology</u>. 1992;105 (Pt 2):183-92.
- Stancu, C, Sima, A. Statins: mechanism of action and effects. Journal of Cellular and Molecular Medicine 2001; 5: 378-387.
- Stockdale, L, Newton, R. A Review of Preventative Methods against Human Leishmaniasis Infection. Plos Neglected Tropical Diseases 2013; 7.
- Strazzulla, A, Cocuzza, S, Pinzone, MR, Postorino, MC, Cosentino, S, Serra, A, Cacopardo, B, Nunnari, G. Mucosal Leishmaniasis: An Underestimated Presentation of a Neglected Disease. Biomed Research International 2013.
- Stuart,K, Brun,R, Croft,S, Fairlamb,A, Gurtler,RE, McKerrow,J, Reed,S, Tarleton,R. Kinetoplastids: related protozoan pathogens, different diseases. Journal of Clinical Investigation 2008; 118: 1301-1310.
- Sundar, S, Chakravarty, J. Leishmaniasis: an update of current pharmacotherapy. Expert Opinion on Pharmacotherapy 2013; 14: 53-63.
- Tarling, EJ, Edwards, PA. ATP binding cassette transporter G1 (ABCG1) is an intracellular sterol transporter. Proceedings of the National Academy of Sciences of the United States of America 2011; 108: 19719-19724..

- Tarling,EJ, Vallim,TQD, Edwards,PA. Role of ABC transporters in lipid transport and human disease. Trends in Endocrinology and Metabolism 2013; 24: 342-350.
- Torres-Santos, EC, Sampaio-Santos, MI, Buckner, FS, Yokoyama, K, Gelb, M, Urbina, JA, Rossi-Bergmann, B. Altered sterol profile induced in Leishmania amazonensis by a natural dihydroxymethoxylated chalcone. Journal of Antimicrobial Chemotherapy 2009; 63: 469-472.
- Trainor,EA, Horton,KE, Savage,PB, Testerman,TL, Mcgee,DJ. Role of the HefC Efflux Pump in Helicobacter pylori Cholesterol-Dependent Resistance to Ceragenins and Bile Salts. Infection and Immunity 2011; 79: 88-97.
- Tsao,S, Rahkhoodaee,F, Raymond,M. Relative Contributions of the Candida albicans ABC Transporters Cdr1p and Cdr2p to Clinical Azole Resistance. Antimicrobial Agents and Chemotherapy 2009; 53: 1344-1352.
- Tsimikas, S, Miller, YI. Oxidative Modification of Lipoproteins: Mechanisms, Role in Inflammation and Potential Clinical Applications in Cardiovascular Disease. Current Pharmaceutical Design 2011; 17: 27-37.
- Urbina, JA. Lipid biosynthesis pathways as chemotherapeutic targets in kinetoplastid parasites. Parasitology 1997; 114: S91-S99.
- Urbina, JA, Concepcion, JL, Rangel, S, Visbal, G, Lira, R. Squalene synthase as a chemotherapeutic target in Trypanosoma cruzi and Leishmania mexicana. Molecular and Biochemical Parasitology 2002; 125: 35-45.
- van Griensven, J, Diro, E. Visceral Leishmaniasis. Infectious Disease Clinics of North America 2012; 26: 309-+.
- van Griensven, J, Diro, E, Lopez-Velez, R, Boelaert, M, Lynen, L, Zijlstra, E, Dujardin, JC, Hailu, A. HIV-1 protease inhibitors for treatment of visceral leishmaniasis in HIV-co-infected individuals. Lancet Infectious Diseases 2013; 13: 251-259.
- Vanaerschot, M, De Doncker, S, Rijal, S, Maes, L, Dujardin, JC, Decuypere, S. Antimonial Resistance in Leishmania donovani Is Associated with Increased In Vivo Parasite Burden. Plos One 2011; 6.
- Vannier-Santos, MA, Martiny, A, Lins, U, Urbina, JA, Borges, VM, de Souza, W. Impairment of sterol biosynthesis leads to phosphorus and calcium accumulation in Leishmania acidocalcisomes. Microbiology-Sgm 1999; 145: 3213-3220.
- Vanniersantos, MA, Urbina, JA, Martiny, A, Neves, A, Desouza, W. Alterations Induced by the Antifungal Compounds Ketoconazole and Terbinafine in Leishmania. Journal of Eukaryotic Microbiology 1995; 42: 337-346.
- Xiong,QM, Lin,MQ, Rikihisa,Y. Cholesterol-Dependent Anaplasma phagocytophilum Exploits the Low-Density Lipoprotein Uptake Pathway. Plos Pathogens 2009; 5.
- Zakai,HA, Zimmo,SK. Effects of itraconazole and terbinafine on Leishmania major lesions in BALB/c mice. Annals of Tropical Medicine and Parasitology 2000; 94: 787-791.

- Zampetti,A, Gnarra,M, Feliciani,C, Giurdanella,F, Caposiena,D, De Simone,C, Capizzi,R. Atopic-like dermatitis as expression of post-kala-azar dermal diffuse leishmaniasis in HIV infection. Immunology 2012; 137: 513-514.
- World Health Organization (WHO) 2013. http://apps.who.int/tdr/publications/tdrimage-library?idNumber=00061046. Acessado em 30 de julho de 2013.
- World Health Organization 2010 (OMS/WHO). http://apps.who.int/tdr/publications/tdrimage-library?idNumber=00061043. Acessado em 30 de julho de 2013.